



Revista Argentina de Microbiología

ISSN: 0325-7541

ram@aam.org.ar

Asociación Argentina de Microbiología
Argentina

BUSQUETS, NATALIA P.; BARONI, MARÍA R.; OCHOTECO, MARÍA C.; ZURBRIGGEN, MARÍA L.;
VIRGOLINI, STELLA; MENEGHETTI, FERNANDO G.

Aislamientos bacterianos de muestras respiratorias de pacientes pediátricos con fibrosis quística y su
distribución por edades

Revista Argentina de Microbiología, vol. 45, núm. 1, 2013, pp. 44-49

Asociación Argentina de Microbiología
Buenos Aires, Argentina

Disponible en: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=213026064007>

- ▶ Cómo citar el artículo
- ▶ Número completo
- ▶ Más información del artículo
- ▶ Página de la revista en redalyc.org

redalyc.org

Sistema de Información Científica

Red de Revistas Científicas de América Latina, el Caribe, España y Portugal
Proyecto académico sin fines de lucro, desarrollado bajo la iniciativa de acceso abierto

Aislamientos bacterianos de muestras respiratorias de pacientes pediátricos con fibrosis quística y su distribución por edades

NATALIA P. BUSQUETS¹*, MARÍA R. BARONI¹, MARÍA C. OCHOTECO¹, MARÍA L. ZURBRIGGEN¹, STELLA VIRGOLINI¹, FERNANDO G. MENEGHETTI²

¹Sección Bacteriología y ²Unidad de Fibrosis Quística del Hospital de Niños “Dr. Orlando Alassia”. Mendoza 4151 (3000) Santa Fe, Argentina.

*Correspondencia. E-mail: npbusquets@yahoo.com.ar

RESUMEN

Se investigaron los microorganismos aislados de muestras respiratorias de 50 pacientes pediátricos con fibrosis quística. Se analizó la distribución por edades y se examinó la resistencia a los antimicrobianos, la intermitencia de los aislamientos y la presencia de coinfecciones. Se aisló *Staphylococcus aureus* en el 72 % de los pacientes, seguido de *Pseudomonas aeruginosa* (58 %), *Haemophilus influenzae* (56 %) y complejo *Burkholderia cepacia* (12 %). Encontramos baja frecuencia de aislamientos de *P. aeruginosa* resistentes a los antibióticos β -lactámicos (13,8 %). El 50,0 % de *S. aureus* fue resistente a la meticilina. El 57,1 % de *H. influenzae* fue resistente a la ampicilina por producción de β -lactamasa. En niños menores de 4 años predominó *S. aureus*, seguido de *P. aeruginosa* y *H. influenzae*. Este orden se observó en todos los grupos etarios analizados, excepto en el de los niños de 10 a 14 años. Los aislamientos de *Stenotrophomonas maltophilia* y *Achromobacter xylosoxidans* fueron intermitentes y estuvieron acompañados por otros microorganismos. En suma, en este estudio observamos una gran variedad de especies bacterianas, lo que impone la necesidad de realizar rigurosos estudios microbiológicos en los materiales respiratorios de estos pacientes.

Palabras clave: fibrosis quística, patógenos respiratorios

ABSTRACT

Bacterial isolates from respiratory samples of pediatric patients with cystic fibrosis and their distribution by ages. The bacterial isolates from respiratory samples of 50 pediatric patients with cystic fibrosis, their distribution by ages and antimicrobial resistance pattern as well as the intermittence of isolations and coinfections, were investigated. *Staphylococcus aureus* was isolated in 72 % of patients, followed by *Pseudomonas aeruginosa* (58 %), *Haemophilus influenzae* (56 %), and the *Burkholderia cepacia* complex (12 %). The frequency of resistance of *P. aeruginosa* isolates to β -lactam antibiotics was low (13.8 %). Fifty percent of *S. aureus* isolates was methicillin-resistant, and 57.1 % of *H. influenzae* was ampicillin-resistant due to β -lactamase production. In children under 4 years-old, *S. aureus* was predominant, followed by *P. aeruginosa* and *H. influenzae*. This order of predominance was observed in all the groups studied, except in that of children between 10 and 14 years-old. *Stenotrophomonas maltophilia* and *Achromobacter xylosoxidans* isolates were intermittent and accompanied by other microorganisms. Finally, we observed a great variety of bacterial species, which imposes stringent performance requirements for microbiological studies in all respiratory samples of these patients.

Key words: cystic fibrosis, respiratory pathogens

La fibrosis quística (FQ) es la enfermedad autosómica recesiva más frecuente en la población blanca (13). El defecto genético se debe a mutaciones en un gen del brazo largo del cromosoma 7; dicho gen codifica al regulador de la conductancia transmembrana de la FQ (CFTR). Este regulador

interviene en el balance de fluidos a través de las células epiteliales, actúa como un canal para el pase del cloro e inhibe la absorción de sodio (13, 14). La deficiencia de CFTR se asocia al transporte disminuido de cloro, sodio y agua a través de las células, lo que da lugar a manifestaciones en muchos

órganos y sistemas (13). En el aparato respiratorio se producen secreciones mucosas deshidratadas, extremadamente viscosas, que obstruyen las vías aéreas y secundariamente se infectan.

La infección pulmonar es una de las causas más importantes de morbilidad y mortalidad en el paciente con FQ. A edades tempranas los pacientes con FQ pueden ser infectados por virus, los que favorecerían la destrucción del epitelio respiratorio y estimularían la atracción de los neutrófilos con la producción de factores proinflamatorios (4). Se ha sugerido que las infecciones virales pueden predisponer a la colonización y sobreinfección bacteriana y están directamente implicadas en las exacerbaciones pulmonares.

La enfermedad broncopulmonar es la causa de muerte en el 95 % de los pacientes con FQ. Los organismos bacterianos más frecuentemente aislados son *Pseudomonas aeruginosa*, *Staphylococcus aureus* y *Haemophilus influenzae* (3). A diferencia de otras enfermedades, la FQ exhibe una clara distribución de gérmenes adquiridos en función de la edad. *S. aureus* es usualmente el primer patógeno aislado de la vía aérea de los pacientes con FQ, con una tasa de infección que disminuye con la edad, mientras que por su parte, la tasa de *P. aeruginosa* se incrementa. La presencia de *S. aureus* en el tracto respiratorio en forma intermitente obliga a su erradicación completa por ser quien mayor destrucción produce en la vía aérea. A través de la presencia primaria de *S. aureus* en el tracto respiratorio en forma intermitente, *P. aeruginosa* ve facilitada su entrada y posterior colonización. Si bien ambas bacterias pueden coexistir, el desarrollo abundante de *P. aeruginosa* puede inhibir el crecimiento de *S. aureus* (10).

En los últimos años se ha incrementado el aislamiento de otros patógenos, como *Stenotrophomonas maltophilia*, complejo *Burkholderia cepacia* y *Achromobacter xylosoxidans*. Más recientemente y debido a la aplicación de las técnicas de biología molecular en el diagnóstico, se ha comunicando la identificación de nuevos microorganismos en las secreciones respiratorias de estos pacientes, aunque su rol patogénico es incierto. Entre ellos se destacan *Inquilinus limosus* y diversas especies de los géneros *Pandoraea*, *Ralstonia* y *Burkholderia*. Además, es relativamente frecuente el aislamiento de otros microorganismos como las micobacterias ambientales. Otros patógenos que pueden encontrarse de forma ocasional en las secreciones del paciente con FQ son las enterobacterias, aunque muy rara vez colonizan crónicamente el árbol bronquial (9).

Es habitual que inicialmente el aislamiento de las bacterias sea intermitente, pero con el tiempo

se puede producir una infección crónica que es importante evitar o retrasar mediante el tratamiento adecuado (10). Cabe aclarar que utilizando un criterio microbiológico, nos referimos a cultivos intermitentes cuando estos son alternadamente positivos y negativos para un mismo microorganismo en muestras consecutivas, con al menos un mes de diferencia entre la toma de ellas (12).

El propósito de este estudio fue identificar en los materiales respiratorios de niños con FQ a los microorganismos más frecuentemente aislados, estudiar su distribución por edades y la resistencia a los antimicrobianos. También se examinó la presencia de bacilos gram negativos no fermentadores (BGNNF) distintos de *P. aeruginosa* en relación con la edad de los pacientes, la intermitencia de los aislamientos y las coinfecciones con microorganismos considerados patógenos por excelencia.

Se realizó un estudio retrospectivo sobre muestras de esputo, aspirados nasofaríngeos (ANF) e hisopados faríngeos, en el período comprendido entre enero de 2006 y diciembre de 2011. Las muestras pertenecían a 50 pacientes (26 varones y 24 mujeres) con diagnóstico de FQ, con edades comprendidas entre 2 meses y 18 años, atendidos en el Hospital de Niños "Dr. O. Alassia" de la ciudad de Santa Fe.

Las muestras respiratorias fueron sembradas en agar base Columbia con 5 % de sangre de carnero, agar chocolate y agar CLDE (bioMérieux, Brasil S.A.), con el agregado de gentamicina (25 µg/ml) y colistina (70 µg/ml), e incubadas a 37 °C de 5 a 7 días. Los dos primeros medios de cultivo se incubaron en atmósfera de CO₂ al 5 % y el agar CLDE en aerobiosis. También se realizaron las coloraciones de Gram y Ziehl-Neelsen en los esputos y ANF. La identificación de los microorganismos se realizó con los métodos automatizados Vitek-1 o Vitek-2 Compact (bioMérieux, Marcy l'Etoile, Francia), con pruebas bioquímicas convencionales o con los métodos comerciales API 20 NE y API NH (sistemas de identificación multipruuebas- bioMérieux); en algunos casos se usó una combinación de técnicas. El aislamiento de *I. limosus* se derivó al Servicio Bacteriología Especial del INEI- ANLIS "Dr. Carlos G. Malbrán" para la identificación molecular. La identificación de BGNNF distintos de *P. aeruginosa* se realizó por dos métodos diferentes. Las pruebas de sensibilidad a los distintos antibacterianos se realizaron por métodos automatizados y por el método de difusión con discos (BD -Becton Dickinson and Company- BBL, Sparks, EE.UU.), según las normas del *Clinical and Laboratory Standards Institute* (CLSI). Para evaluar la resistencia a la meticilina en *S. aureus* se utilizó el disco de

cefoxitina de 30 µg (BD, BBL). En *H. influenzae*, la detección de β -lactamasa se realizó por el método de la cefalosporina cromógena (Cefinase-BD, BBL). Cabe aclarar que para la detección de la resistencia a la ampicilina no se realizó el método de difusión con disco debido a que no disponemos del medio recomendado por el CLSI.

De los 50 pacientes estudiados, solo en 3 casos nunca se aislaron microorganismos implicados en la colonización-infección broncopulmonar crónica.

El porcentaje de pacientes colonizados-infectados por diferentes microorganismos se aprecia en la Figura 1. El 41,4 % de los pacientes colonizados-infectados por *P. aeruginosa* presentó el fenotipo mucoso. En la Figura 2 se observa la prevalencia puntual de los distintos agentes de colonización-infección bacteriana –no siempre monomicrobiiana– en los diferentes grupos etarios evaluados. Los porcentajes de resistencia a los antibacterianos presentados por *S. aureus* y *P. aeruginosa* se muestran en la Tabla 1.

En 28 pacientes colonizados-infectados por *H. influenzae*, se observó un 57,1 % (16/28) de resistencia a la ampicilina debido a la presencia de β -lactamasa. En 8 pacientes se aisló *A. xylosoxidans*, 6 de ellos eran mayores de 5 años, y en 4 se recuperó también *S. aureus*. *S. maltophilia* se aisló de 9 pacientes, 6 de ellos fueron menores de 2 años; en 4 de estos pacientes también se aisló *S. aureus*. Ambos microorganismos fueron aislados en forma intermitente.

Serratia marcescens fue la enterobacteria más frecuentemente detectada en estos pacientes (6/11), y en 19 enfermos se encontraron BGNNF distintos de *P. aeruginosa*: *Elizabethkingia meningoseptica* (n = 3), *Chryseobacterium indologenes* (n = 2),

Pseudomonas stutzeri (n = 1), *Sphingomonas paucimobilis* (n = 5), *Ralstonia picketti* (n = 1), *Acinetobacter* spp. (n = 6) e *I. limosus* (n = 1). Este último microorganismo se aisló en prácticamente todas las muestras remitidas de un mismo paciente desde los 5 años de edad (desde 2006 a la fecha), acompañado en la mayoría de las ocasiones por *S. aureus*.

La colonización del tracto respiratorio de estos pacientes por microorganismos de patogenicidad reconocida ocurre a edades tempranas y representa un serio problema de salud.

En este trabajo no se pretendió definir los episodios de infección crónica o de exacerbaciones agudas de cada paciente, ya que para ello se deben tener en cuenta, entre otros, criterios clínicos, espirométricos, analíticos y radiológicos. En un estudio realizado en la Unidad de FQ del Hospital de Sabadell (1995-2009), los microorganismos prevalentes fueron *S. aureus* (40,8 %), *P. aeruginosa* (19,4 %), complejo *B. cepacia* (16,7 %), *H. influenzae* (3,3 %), *S. maltophilia* (1,9 %) y *A. xylosoxidans* (0,5 %) (2). Similares resultados fueron obtenidos en este estudio con *S. aureus* (72 %) y *P. aeruginosa* (58 %). En este trabajo se detectó *P. aeruginosa* en aproximadamente la mitad de los niños menores de 2 años (13/24).

Según la literatura internacional, aproximadamente el 30 % de los niños con FQ padecen colonización-infección con *P. aeruginosa* antes de los dos años. Los datos de este trabajo revelan un mayor porcentaje de pacientes colonizados tempranamente con *P. aeruginosa* en este grupo etario, lo cual nos permite inferir que el pronóstico será peor si lo comparamos con lo comunicado (4). Del total de pacientes con *P. aeruginosa*, en el 41,4 % se aisló el fenotipo

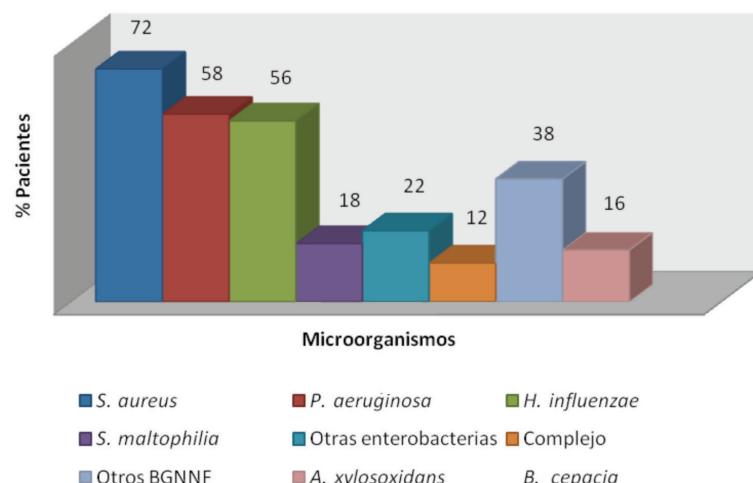


Figura 1. Porcentaje de pacientes colonizados-infectados (n = 50) por diferentes microorganismos

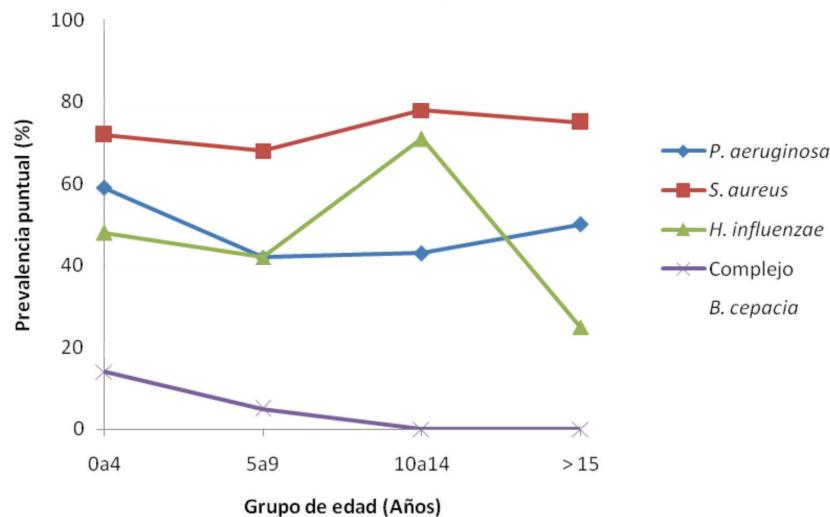


Figura 2. Cronología de la colonización/ infección bacteriana en pacientes con fibrosis quística

mucoso, lo que indicaría que el tratamiento de los pacientes con este fenotipo característico podría ser difícil.

Los pacientes con FQ realizan distintos tratamientos para aliviar la obstrucción bronquial, ayudar a la depuración mucociliar y prevenir infecciones. Se ha demostrado que las estrategias terapéuticas destinadas a la erradicación de la primoinfección por *P. aeruginosa* tienen como resultado la disminución de la prevalencia de la infección crónica por este microorganismo. Esto puede ser atribuido a la administración en forma precoz del esquema de tratamiento antibiótico (nebulizaciones) junto con antibióticos sistémicos por vía oral (VO) o endovenosa (EV) (11). Estos esquemas son indicados en las exacerbaciones agudas y para disminuir la carga microbiana. En pacientes seleccionados, se podría administrar el tratamiento EV en forma domiciliaria. Los antibióticos han mejorado la sobrevida de estos pacientes, aunque su efecto es limitado. Deben asociarse a una vigorosa kinesioterapia respiratoria que asegure la depuración de las vías aéreas, siempre en el contexto de un adecuado estatus nutricional.

En nuestra institución se utiliza tobramicina y colistina en la prevención de las exacerbaciones respiratorias agudas. Para el tratamiento de las exacerbaciones ocasionadas por *P. aeruginosa* se administran ciprofloxacina (VO) o ceftacidima y amicacina (en los casos más graves, en forma EV). Se observa una alta frecuencia de cepas sensibles a estos antimicrobianos en la población analizada.

Tabla 1. Pacientes colonizados-infectados con *P. aeruginosa* (n = 29) y *S. aureus* (n = 36); perfil de resistencia a los antimicrobianos

Antimicrobianos	Resistencia (%)	
	<i>P. aeruginosa</i>	<i>S. aureus</i>
Colistina	0,0	NC
Piperacilina+tazobactama	13,8	NC
Amicacina	10,3	NC
Imipenem	13,8	NC
Meropenem	13,8	NC
Ciprofloxacina	13,8	22,2
Cefepima	13,8	NC
Ceftacidima	13,8	NC
Trimetoprima-sulfametoxazol	NC	2,8
Rifampicina	NC	5,5
Clindamicina	NC	27,8
Eritromicina	NC	38,9
Gentamicina	27,6	41,7
Oxacilina	NC	50,0

NC: no corresponde

En nuestro estudio encontramos una baja frecuencia de pacientes con aislamientos de *P. aeruginosa* resistentes a los antibióticos β -lactámicos (13,8 %). En coincidencia con lo publicado por Anzaudo *et al.* en el año 2005, la resistencia a gentamicina se mantuvo constante (1).

En este estudio *S. aureus* ocupa el primer lugar en frecuencia (72 %) como causa de colonización-infección crónica en todos los grupos etarios, superando a *P. aeruginosa*. La *Cystic Fibrosis Foundation* de los Estados Unidos y la Federación Española contra la FQ refieren un 48 % y 35,5 %, respectivamente.

En dos estudios recientes, Dasenbrook *et al.* analizan las infecciones pulmonares por *S. aureus* resistente a meticilina (SARM) en pacientes con FQ y concluyen que la permanencia de SARM en los pulmones por más de 2 años podría afectar la supervivencia. Comunican también que en la última década la prevalencia de SARM se ha incrementado, esta fue del 23,7 % en 2009. SARM se asocia con una disminución más rápida de la función pulmonar y con una mayor mortalidad (7, 8). En nuestro estudio, la mitad de los pacientes se hallaban colonizados-infectados por SARM. De los 36 pacientes colonizados-infectados por *S. aureus*, 14 presentaron algún mecanismo de resistencia a los macrólidos (38,9 %): fenotipos MLS_c, MLS_i y M o probable eflujo. La resistencia observada a macrólidos podría deberse a que algunos niños fibroquísticos reciben azitromicina como antiinflamatorio por sus propiedades inmunomoduladoras y, eventualmente, para la prevención de las exacerbaciones. Es importante destacar que estos pacientes se colonizan con cepas de *S. aureus* provenientes de la comunidad y generalmente no son tratados con antibióticos, salvo que estén sintomáticos, con la función pulmonar deteriorada o que concomitantemente se aíslan otros patógenos, como *P. aeruginosa*.

Durante los últimos años, ha existido un aumento de patógenos potenciales emergentes en la FQ, como el complejo *B. cepacia*, *S. maltophilia*, *A. xylosoxidans* y otros organismos multirresistentes. La infección pulmonar por el complejo *B. cepacia* se asocia con disminución de la función pulmonar y un peor pronóstico en la mayoría de los pacientes (15). Oliver *et al.* informaron una menor supervivencia a los 5 años de los pacientes con *S. maltophilia* (12); sin embargo, en otros pacientes no se evidencia un deterioro clínico relacionado con esta bacteria. Se observa que los pacientes con *S. maltophilia* son de mayor edad y presentan un índice elevado de coinfección previa con *P. aeruginosa* y con el complejo *B. cepacia*. La prevalencia de este patógeno en los pacientes

con FQ ha aumentado en los últimos años (5). Sin embargo, en este trabajo *S. maltophilia* se aisló en 9 pacientes menores de 7 años; 4 de ellos –menores de 2 años– fallecieron.

Achromobacter xylosoxidans es un patógeno con una incidencia creciente en estos pacientes y tiene un alto índice de coinfección con *P. aeruginosa* (12). Son pocos los estudios que examinan el efecto de *A. xylosoxidans* en la función pulmonar y en la mortalidad. Se lo ha relacionado con exacerbaciones pulmonares en FQ, pero además, los pacientes estaban colonizados también con *P. aeruginosa*. No parece que la colonización a largo plazo produzca un claro deterioro del estado clínico (15). En nuestro estudio, *A. xylosoxidans* se aisló en forma intermitente en 8 pacientes (5 de ellos mayores de 7 años) y acompañado por *S. aureus* y *P. aeruginosa*, a diferencia de lo hallado en el caso de *S. maltophilia*. La sintomatología clínica de pacientes colonizados con *S. maltophilia* o el complejo *B. cepacia* es difícil de controlar, ya que las opciones terapéuticas son muy limitadas.

Otro microorganismo para tener en cuenta es *I. limosus* por su resistencia a la colistina y a todos los β -lactámicos, excepto imipenem. No hay datos suficientes que permitan conocer el significado clínico de esta bacteria (12).

En la actualidad se están estudiando varias estrategias en el campo de la investigación clínica para mejorar la calidad de vida del paciente con FQ y aumentar su supervivencia. Los estudios microbiológicos de las secreciones respiratorias se deben realizar en todos los niños con diagnóstico de FQ, aun cuando no existen manifestaciones clínicas en el aparato respiratorio, ya que resulta imprescindible evitar la colonización con microorganismos patógenos que alteren la estructura y funcionalidad pulmonar. Los avances en el diagnóstico microbiológico de la colonización-infección mediante el empleo de una metodología adaptada a las necesidades de esta enfermedad y las nuevas posibilidades en antibioterapia han contribuido decisivamente a mejorar la calidad y la expectativa de vida de estos pacientes.

Agradecimientos: a la Dra. Blanca Gatti por su colaboración en el análisis de los datos. Fundación Hospital de Niños "Dr. O. Alassia" y F.I.P.A.M. por su colaboración económica para la publicación.

BIBLIOGRAFIA

1. Anzaudo M, Busquets N, Ronchi S, Mayoral C. Microorganismos patógenos aislados en muestras respiratorias de niños con fibrosis quística. Rev Argent Microbiol 2005; 37: 129-34.

2. Asensio de la Cruz O, Bosque García M, Pérez A, Montón Soler C, Espasa Soley M. Fibrosis quística y sus manifestaciones respiratorias. *Pediatr Integral* 2012; XVI: 156-69.
3. Campos M, Navarro R, Amuy E, Vargas A, Herrera Marco L. Aislamientos bacterianos del tracto respiratorio de niños con fibrosis quística del páncreas. *Rev méd Hosp Nac Niños (Costa Rica)* [online] 2000, vol 35, n.1-2. Disponible en: http://www.scielo.sa.cr/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S1017-85462000000100002&lng=es.
4. Cantón R, Cobos N, De Gracia J, Baquero F, Honorato J, Gartner S, Álvarez A, Salcedo A, Oliver A, Gracia-Quetglas E, en representación del Grupo Español de Consenso del Tratamiento Antimicrobiano en el Paciente con Fibrosis Quística. Tratamiento antimicrobiano frente a la colonización pulmonar por *Pseudomonas aeruginosa* en el paciente con fibrosis quística. *Arch Bronconeumol* 2005; 41 Supl 1: 1-25.
5. Coutinho HDM, Falcão-Silva V, Fernandes Gonçalves G. Agentes bacterianos pulmonares y terapia antibiótica en pacientes con fibrosis quística: guía para el personal sanitario. *Arch Medicina* 2009; Vol. 5. N. 2: 4. Doi: 10.3823/028.
6. Cystic Fibrosis Foundation. Patient registry 2001 annual report. Bethesda, Maryland, USA, 2002.
7. Dasenbrook E, Checkley W, Merlo C. Association between respiratory tract methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* and survival in cystic fibrosis. *JAMA* 2010; 303: 2386-92.
8. Dasenbrook E, Merlo C, Diener-West M. Persistent methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* and rate of FEV1 decline in cystic fibrosis. *Am J Respir Crit Care Med* 2008; 178: 814-21.
9. Davies JC, Rubin BK. Emerging and unusual gram-negative infections in cystic fibrosis. *Semin Respir Crit Care Med* 2007; 28: 312-21.
10. Doring G, Conway S, Heijerman H. Antibiotic therapy against *Pseudomonas aeruginosa* in cystic fibrosis: a European consensus group. *Eur Respir J* 2000; 16: 749-67.
11. Frederiksen B, Koch C, Hoiby N. Changing epidemiology of *Pseudomonas aeruginosa* infection in Danish cystic fibrosis patients (1974-1995). *Pediatr Pulmonol* 1999; 28: 159-66.
12. Oliver A, Alarcón T, Caballero E, Cantón R. Diagnóstico microbiológico de la colonización-infección broncopulmonar en el paciente con fibrosis quística. *Enferm Infect Microbiol Clin* 2009; 27: 89-104.
13. Ramsey BW. Management of pulmonary disease in patients with cystic fibrosis. *New Engl J Med* 1996; 335: 179-87.
14. Rosenstein BJ, Zeitlin PL. Cystic fibrosis. *Lancet* 1998; 351: 277-82.
15. Soto Martínez M. Fibrosis quística: abordaje clínico. Enfermedades crónicas. *Acta Pediatr Costarric* 2009; 21: 2.

Recibido: 9/10/2012 – Aceptado: 8/1/2013