



Agronomía Mesoamericana
ISSN: 2215-3608
pccmca@gmail.com
Universidad de Costa Rica
Costa Rica

Identificación molecular de microorganismos en cultivos agrícolas, ornamentales y forestales en Costa Rica, 2009-2018. Parte 1¹

Blanco-Meneses, Mónica

Identificación molecular de microorganismos en cultivos agrícolas, ornamentales y forestales en Costa Rica, 2009-2018. Parte 1¹

Agronomía Mesoamericana, vol. 33, núm. 2, 46407, 2022

Universidad de Costa Rica, Costa Rica

Disponible en: <https://www.redalyc.org/articulo.oa?id=43769732019>

DOI: <https://doi.org/10.15517/am.v33i2.46407>

Basada en una obra en <http://www.revistas.ucr.ac.cr/index.php/agromeso>. Permisos que vayan más allá de lo cubierto por esta licencia pueden encontrarse en pccmca@gmail.com



Esta obra está bajo una Licencia Creative Commons Atribución-NoComercial-SinDerivar 4.0 Internacional.


Identificación molecular de microorganismos en cultivos agrícolas, ornamentales y forestales en Costa Rica, 2009-2018. Parte 1¹

Molecular identification of microorganisms in agricultural, ornamental and forest crops in Costa Rica, 2009-2018. Part 1

Mónica Blanco-Meneses
Universidad de Costa Rica, Costa Rica
monica.blancomeneses@ucr.ac.cr

DOI: <https://doi.org/10.15517/am.v33i2.46407>

Redalyc: <https://www.redalyc.org/articulo.oa?id=43769732019>

 <https://orcid.org/0000-0003-2642-3899>

Recepción: 19 Julio 2021

Aprobación: 18 Noviembre 2021

RESUMEN:

Introducción. El Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección (LTM), Centro de Investigación en Protección de Cultivos, Universidad de Costa Rica; recibe cultivos agrícolas, ornamentales y forestales para la identificación de microorganismos por medio de técnicas moleculares. **Objetivo.** Identificar con técnicas moleculares hongos, oomicetos y protozoa patógenos y no patógenos en cultivos agrícolas, ornamentales y forestales de Costa Rica. **Materiales y métodos.** Entre los años 2009 y 2018, se recibieron partes de plantas (raíz, tallo, hojas, frutos) y otros materiales como agua, sustrato y suelo, de los cuales se obtuvieron 805 aislamientos para identificación de microorganismos por mediante técnicas de extracción de ADN, PCR en tiempo final y en tiempo real y secuenciación mediante marcadores moleculares. **Resultados.** La secuenciación permitió la identificación de un total de 154 especies de hongos, 6 oomicetos y 1 protozoa. Dentro de los hongos identificados predominaron géneros como *Fusarium* con catorce especies diferentes, seguidos de *Colletotrichum* y *Aspergillus* con once especies identificadas para cada uno. En los oomicetos, prevalecieron especies del género *Phytophthora* y dentro de los protozoa el género *Plasmodiophora*. Además, las referencias científicas que respaldan la presencia de los microorganismos identificados en un cultivo en particular, han sido incluidas dentro de la información. **Conclusión.** Fue posible identificar mediante técnicas moleculares especies de hongos, oomicetos y protozoa patógenos y no patógenos aislados de diferentes cultivos agrícolas, ornamentales y forestales en Costa Rica.

PALABRAS CLAVE: hongos, oomicetos, protozoa.

ABSTRACT:

Introduction. The Laboratory of Molecular Techniques applied to Phytoprotection (LTM), Crop Protection Research Center, Universidad de Costa Rica; receives agricultural, ornamental, and forest crops for the identification of microorganisms using molecular techniques. **Objective.** To identify pathogenic and non-pathogenic fungi, oomycetes, and protozoa in agricultural, ornamental, and forest crops in Costa Rica by molecular methods. **Materials and methods.** Between 2009 and 2018, plant parts (root, stem, leaves, fruits) and other materials such as water, substrate, and soil were received. A total of 805 isolates were obtained for identification of microorganisms by DNA extraction techniques, end-time and real-time PCR and sequencing using molecular markers. **Results.** The sequencing allowed the identification of a total of 154 species of fungi, 6 oomycetes, and 1 protozoa. Among the fungi identified, genera such as *Fusarium* predominated with fourteen different species, followed by *Colletotrichum* and *Aspergillus* with eleven species identified for each one. In the oomycetes, species of the genus *Phytophthora* prevailed, and within the protozoa the genus *Plasmodiophora*. In addition, the scientific references supporting the presence of the microorganisms identified in each particular crop have been included in the information. **Conclusion.** It was possible to identify by molecular techniques pathogenic and non-pathogenic fungi, oomycetes and protozoa species isolated from different agricultural, ornamental and forest crops in Costa Rica.

KEYWORDS: fungi, oomycetes, protozoa.

NOTAS DE AUTOR

monica.blancomeneses@ucr.ac.cr

INTRODUCCIÓN

La ciencia que estudia las enfermedades de las plantas se denomina fitopatología. Los agentes causales que propician la aparición de enfermedades en plantas son microorganismos patogénicos, tales como virus, viroides, bacterias, hongos, protozoa y nematodos, que pueden causar daños de hasta un 31-42 % de pérdidas en la producción, junto con los insectos y las malezas (Agrios, 2005). Otros microorganismos no patogénicos cumplen otras funciones en suelos y sistemas agrícolas tales como biocontroladores o generadores de compuestos de uso alimenticio, farmacéutico, textil, químico, agrícola o industrial (Bisen, 2014).

En el Centro de Investigación en Protección de Cultivos (CIPROC) de la Universidad de Costa Rica, se encuentra el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección (LTM-CIPROC), que inició en el año 2009, con el desarrollo de técnicas moleculares relacionadas a la detección e identificación de microorganismos, por técnicas como la PCR (Polymerase Chain Reaction, por sus siglas en inglés) punto final y PCR tiempo real (qPCR). Ambas sirven para amplificar las hebras de ADN y determinar la presencia o ausencia de fragmentos específicos por medio de marcadores moleculares (Schena et al., 2004; Schoch et al., 2012). La secuenciación, permite traducir fragmentos de genes y regiones génicas o intergénicas en un código conformado por bases nucleotídicas que, al compararse con fragmentos conocidos, permiten su identificación (Soltis et al., 2009).

El objetivo de esta investigación fue identificar con técnicas moleculares hongos, oomicetes y protozoa patogénicos y no patogénicos en cultivos agrícolas, ornamentales y forestales de Costa Rica.

MATERIALES Y MÉTODOS

Material analizado

El material analizado se recibió entre los años 2009 y 2018, en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección (LTM), Centro de Investigación en Protección de Cultivos (CIPROC), Universidad de Costa Rica, dentro del proyecto de Acción Social ED2811: Clínica de Diagnóstico en Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección. Se recibieron partes de plantas (raíz, tallo, hojas, frutos) y otros materiales como agua, sustrato y suelo, para identificación de microorganismos (80 % por secuenciación y 20 % por PCR tiempo final), se obtuvo un total de 805 aislamientos. Las partes vegetales se transportaron al laboratorio antes de que cumplieran 24 h y de ser posible en condiciones de frío. Los aislamientos se procesaron una vez que los hongos u oomicetos tenían el tamaño adecuado. En este trabajo se presentan los resultados generados a partir de aislamientos de hongos, oomicetos y protozoa, según metodología de Fench & Hebert (1980). Para cada una de estas muestras se guardó un registro, con datos relacionados al cultivo hospedante, localidad y fecha de ingreso.

Extracción de ADN

La extracción de ADN se realizó con la metodología CTAB y algunas modificaciones en el proceso de maceración se hicieron con base en la muestra utilizada (Murray & Thompson, 1980) para la extracción de ADN de diferentes organismos biológicos como: aislamientos de hongos, oomicetos y levaduras (maceración con taladro y pistilo a partir del micelio), y de otros materiales como tejido vegetal (maceración con rotor, taladro/pistilo), sedimentos en agua (centrifugación repetitiva) y soportes (ej. fibra de coco) (rompimiento con fuerza mecánica). En el caso del plasmodio u organismos obligados, el ADN se extrajo del tejido vegetal (por maceración mecánica). En el caso de suelo, se utilizó el Nucleospin Soil de Macherey-Nagel o el Soil DNA Isolation Kit de Norgen Biotek.

Reacción en cadena de la polimerasa (PCR) y electroforesis

La amplificación del ADN se llevó a cabo con diferentes marcadores moleculares, para hongos y oomicetos se utilizó la región del ITS del ADN ribosomal (ITS4: 3'-TCCTCCGCTTATTGATATGC-5', ITS5: 3'-GGAAGTAAAAGTCGTAACAAGG-5') (White

et al., 1990) y el EF-1 α (EF1: 3'-ATGGGTAAGGA(A/G)GACAAGAC-5', EF2:3'-GGA(G/A)GTACCAGT(G/C)ATCATGTT-5') (Nitschke, 2009), en el caso de *Colletotrichum* spp. se utilizó el ITS, el gliceraldehido 3-fosfato deshidrogenasa (GAPDH) (GDF: 3'-GCCGTCAACGACCCCTTCATTGA-5', GDR: 3'-GGGTGGAGTCGTAAGTTCGAGCATGT) y el Apn2-Mat1-2 espaciador intergénico parcial (ApMat) (AMF: 3'-TCATTCTACG TATGTGCC, AMR: 3'-CCAGAAATACACCGAACTTGC-5') (Ruiz Campos, 2016). En el caso de protozoa y otros microorganismos, la identificación se hizo a partir de marcadores patógeno-específicos, para *Plasmodiophora brassicae* (TCIF: 3'-GTGGTCGAACTTCATTAAATTTGGGCTCTT-5', TCIR:3'-TTCACCTACGGAACGTATATGTGCATGTGA-5') (Cao et al., 2007) y *Phytophthora* spp. (I2: 3'-GATATCAGGTCCAATTGAGATGC-5', A2:3'-TTCACCTACGGAACGTATATGTGCATGTGA-5') (Drenth et al., 2006). La reacción de amplificación y el perfil térmico se utilizan de forma regular para amplificar ADN proveniente de cualquier tipo de microorganismo (Blanco-Meneses & Ristaino, 2011). Los productos de amplificación se separaron en un gel de agarosa al 0,8 % con GelRed (Biotium) a 0,5 $\mu\text{g mL}^{-1}$ para la tinción y buffer TBE, y se compararon con un marcador de peso molecular de 100 bp (ThermoScientific). La presencia de bandas se visualizó con luz ultravioleta.

Secuenciación

Los productos de la PCR con bandas nítidas, únicas y con el peso molecular correcto, se purificaron con la Exonucleasa I (ThermoScientific). La secuenciación se realizó en la empresa MacroGen Inc. (Korea del Sur) a partir del producto de PCR a una concentración de 50 ng μL^{-1} por medio de secuenciación de Sanger (Sanger et al., 1977). Las secuencias se alinearon y editaron manualmente con el BioEdit Sequence Alignment Editor versión 7.0.5.3 (Hall, 1999). La hebra consenso se utilizó para verificar la similitud en buscadores como Nucleotide Blast del Gen Bank, EPPO-Q-bank, NCBI, Fusarium ID y MycoBank, con el empleo de la colección de nucleótidos y la opción de material tipo de ser posible (Federhen, 2015). Se utilizaron similitudes mayores al 96 % y para valores menores se seleccionaron marcadores más específicos.

RESULTADOS

De las muestras totales recibidas para la secuenciación de microorganismos, 154 identificaciones fueron para hongos, seis fueron oomicetos y uno fue protozoa. Se identificó un total de setenta géneros. Para este análisis se identificaron microorganismos provenientes de veintisiete especies hospedantes de plantas agrícolas (63 %), ornamentales (22 %) y forestales (15 %) (Cuadros 1, 2, 3, 4, 5, 6). En el grupo de los hongos predominaron géneros como *Fusarium* sp., con presencia de catorce especies diferentes, seguidos de *Colletotrichum* sp. y *Aspergillus* sp. con once especies cada uno. En el caso de los oomicetos los géneros predominantes fueron *Phytophthora* sp. y *Pythium* sp., con cinco y una especie, respectivamente. En el caso de protozoa solo se identificó una especie de un género, denominada *Plasmodiophora brassicae* (Cuadro 5).

CUADRO 1

Microorganismos identificados en orden alfabético (letras A, B y C) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
A					
<i>Acremonium implicatum</i>	pasto	0303	ITS	2015	Dongyi & Kelemu (2004)
<i>Alternaria alternata</i>	aralia	0105	ITS	2011	Cheng et al. (2020)
<i>A. arborescens</i>	jatrofa	0190	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>Arthrobotrys sinensis</i>	desc	0209	ITS	2013	Ha et al. (2019)
<i>Aspergillus aculeatus</i>	piña	0211	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>A. flavus</i>	ciprés	0308-344	ITS	2015	Soltani & Moghaddam (2014)
<i>A. fumigatus</i>	banano	0213	ITS	2013	Ilyas et al. (2007)
<i>A. niger</i>	arroz	0432	ITS	2016	Chandra Deb & Khair (2018)
<i>A. niger</i>	piña	0447	ITS	2017	Hasan & Zanuddin (2020)
<i>A. ochraceus</i>	arroz	0432	ITS	2016	Reddy et al. (2009)
<i>A. ostianus</i>	arroz	0432	ITS	2016	no descrito en el cultivo
<i>A. sclerotiorum</i>	desc	0294	ITS	2015	Whyte et al. (1996)
<i>A. tamarii</i>	arroz	0432	ITS	2016	no descrito en el cultivo
<i>A. terreus</i>	ciprés	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>A. tubingensis</i>	piña	0447	ITS	2017	no descrito en el cultivo
<i>A. westerdijkiae</i>	arroz	0432	ITS	2016	no descrito en el cultivo
<i>Athelia rolfsii</i>	desc	0398	ITS	2016	Harlton et al. (1995)
B					
<i>Beauveria bassiana</i>	desc	0203-250	ITS	2013	Zimmermann (2007)
<i>Bipolaris oryzae</i>	desc	0431	ITS	2016	Dallagnol et al. (2011)
<i>Bjerkandera adusta</i>	jatrofa	0191	ITS	2012	de Barros et al. (2011)
<i>Botryosphaeria rhodina</i>	desc	0371	ITS	2016	Selbmann et al. (2003)
C					
<i>Calonectria humicola</i>	banano	0157	ITS	2012	no descrito en el cultivo
	phoenix	0302	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>C. hurae</i>	phoenix	0302	ITS	2015	Crous et al. (2006)
<i>Ceriporia lacerata</i>	desc	0398	ITS	2016	Wang et al. (2017)
<i>Chaetomella raphigera</i>	mango	0042	ITS	2010	no descrito en el cultivo
	teca	0314	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Cladosporium</i>	desc	0262-303	ITS	2014-15	Wang et al. (2013)
<i>cladosporioides</i>					
<i>Cladorrhinum bulbiliosum</i>	orquidea	0067	ITS	2011	no descrito en el cultivo
<i>Cochliobolus geniculatus</i>	banano	0157-185	ITS	2012-13	Manamgoda et al. (2011)
<i>Codinaeopsis</i> spp.	banano	0157	ITS	2012	no descrito en el cultivo
<i>Colletotrichum boninense</i>	café	0279	ITS	2014	Freitas et al. (2013)
	ciprés	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>C. brevisporum</i>	desc	0446	ITS	2017	Noireung et al. (2012)

¹El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

²Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

Table 1. Microorganisms identified in alphabetical order (letters A, B, and C) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, Universidad de Costa Rica, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica. Dongyi & Kelemu (2004); Cheng et al. (2020); Ha et al. (2019); Soltani & Moghaddam (2014); Ilyas et al. (2007); Chandra Deb & Khair (2018); Hasan & Zanuddin (2020); Reddy et al. (2009); Whyte et al. (1996); Harlton et al. (1995); Zimmermann (2007); Dallagnol et al. (2011); de Barros et al. (2011); Selbmann et al. (2003); Crous et al. (2006); Wang et al. (2013); Wang et al. (2017); Manamgoda et al. (2011); Freitas et al. (2013); Noireung et al. (2012).

CUADRO 2

Microorganismos identificados en orden alfabético (letras C, D y F) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
C					
<i>Colletotrichum gloeosporioides</i>	café	0100-111	ITS	2011	Nguyen et al. (2009)
	ciprés	0344	ITS	2011	no descrito en el cultivo
	pimienta	0344	ITS	2015	Hong et al. (2015)
	banano	0185	EF	2013	Riera et al. (2019)
<i>C. guajavae</i>	desc	0349	ITS	2015	Damm et al. (2012)
<i>C. fructicola</i>	desc	0446	ITS	2017	Sharma & Shenoy (2014)
<i>C. karstii</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>C. musae</i>	desc	0262	ITS	2014	Su et al. (2011)
<i>C. nicotianae</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>C. theobromicola</i>	cacao	0371	ITS	2016	Rojas et al. (2010)
<i>C. tropicale</i>	desc	0371	ITS	2016	Oliveira et al. (2016)
<i>Cordyceps brasiliensis</i>	banano	0185	EF	2013	no descrito en el cultivo
<i>C. cassicola</i>	desc	0446	ITS	2017	Dixon et al. (2009)
<i>Curvularia eragrostidis</i>	piña	0447	ITS	2017	no descrito en el cultivo
<i>C. lunata</i>	desc	0431	ITS	2016	Akinbode (2010)
D					
<i>Daldinia childiae</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>D. concentrica</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>D. eschscholtzii</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Diaphorte tulliensis</i>	desc	0371	ITS	2016	Gong et al. (2020)
<i>D. phaseolorum</i>	desc	0398	ITS	2016	Zhang et al. (1999)
F					
<i>Fusarium ananatum</i>	piña	0263-283	EF	2014	Jacobs et al. (2010)
<i>F. domesticum</i>	desc	0371	ITS	2016	no descrito en el cultivo
<i>F. equiseti</i>	melón	0090-212	ITS	2011	Nuangmek et al. (2019)
<i>F. equiseti</i>	banano	0213	ITS	2013	Abd Murad et al. (2017)
<i>F. falciforme</i>	frijol	0270	EF	2014	Sousa et al. (2017)
<i>F. incarnatum</i>	desc	0262	EF	2014	Xia et al. (2019)
<i>F. incarnatum-equiseti</i>	piña	0283	EF	2014	Xia et al. (2019)
<i>F. longipes</i>	desc	0303	EF	2015	Navi & Singh (1993)
<i>F. lunatum</i>	desc	0371	ITS	2016	Schroers et al. (2009)
<i>F. neocosmosporiellum</i>	desc	0375	ITS	2016	Kim et al. (2019)
<i>F. oxysporum</i>	teca	0045	ITS	2010	Borges et al. (2018)
<i>F. oxysporum</i>	banano	0213-185	ITS, EF	2010	Ploetz (2015)
<i>F. oxysporum</i>	palma	0073	EF	2011	Rivas & Herrera (2015)
<i>F. oxysporum</i>	aralia	0127	EF	2012	Paul et al. (2007)

¹El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

²Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

Table 2. Microorganisms identified in alphabetical order (letters C, D, and F) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, Universidad de Costa Rica, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica. Abd Murad et al. (2017); Akinbode (2010); Borges et al. (2018); Damm et al. (2012); Dixon et al. (2009); Gong et al. (2020); Hong et al. (2015); Jacobs et al. (2010); Kim et al. (2019); Navi & Singh (1993); Nguyen et al. (2009); Nuangmek et al. (2019); Oliveira et al. (2016); Paul et al. (2007); Ploetz (2015); Riera et al. (2019); Rivas & Herrera (2015); Rojas et al. (2010); Schroers et al. (2009); Sharma & Shenoy (2014); Sousa et al. (2017); Su et al. (2011); Xia et al. (2019); Zhang et al. (1999)

CUADRO 3

Microorganismos identificados en orden alfabético (letra F, G, H, L y M) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
F					
<i>Fusarium oxysporum</i>	maní	0256	EF	2012	Li et al. (2014)
<i>F. oxysporum</i>	piña	0283	EF	2013	Bevilacqua et al. (2012)
<i>F. oxysporum</i>	ciprés	0344	EF	2014	Zad & Koshnevice (2001)
<i>F. oxysporum</i>	café	0315	EF	2015	Bertrand et al. (2000)
<i>F. polyphialidicum</i>	piña	0283	EF	2014	Stępień et al. (2013)
<i>F. proliferatum</i>	maíz dulce	0002-60	EF	2010	Figueroa-Rivera et al. (2010)
<i>F. proliferatum</i>	fénix	0203	EF	2010	Abdullah et al. (2010)
<i>F. proliferatum</i>	banano	0213	EF	2011	Abd Murad et al. (2017)
<i>F. proliferatum</i>	piña	0211	EF	2011	Stępień et al. (2013)
<i>F. proliferatum</i>	melina	0182	EF	2013	Murillo et al. (2014)
<i>F. proliferatum</i>	arroz	0210	EF	2014	Campos (2013)
<i>F. proliferatum</i>	teca	0474	EF	2017	Rodríguez Solís (2018)
<i>F. solani</i>	aralia	0105-179	ITS, EF	2012-11	Wu et al. (2012)
<i>F. solani</i>	banano	0213	EF	2014	Abd Murad et al. (2017)
<i>F. solani</i>	orquidea	0067-94	ITS, EF	2011	Martín et al. (2017)
<i>F. solani</i>	teca	0314-270	EF	2014-15	Huang et al. (2017)
<i>F. solani</i>	melina	0182	EF	2012	Arguedas et al. (2018)
<i>F. solani</i>	vinca	0277	EF	2014	Ola (2019)
<i>F. solani</i>	piña	0243-283	EF	2012-14	Ibrahim et al. (2015)
<i>F. solani</i>	café	0315	EF	2015	Serani et al. (2007)
<i>F. verticillioides</i>	maíz	0059	EF	2011	Murillo-Williams & Munkvold (2008)
G					
<i>Gibberella intermedia</i>	melina	0182	EF	2013	Murillo et al. (2014)
<i>G. moniliformis</i>	banano	0213	ITS	2013	Van Hove et al. (2011)
<i>Gloeotinia temulenta</i>	banano	0185	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>Guignardia mangiferae</i>	desc	0371	ITS	2016	Rodrigues et al. (2004)
H					
<i>Hansfordia</i> spp.	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Hirsutella thompsonii</i>	desc	0303	ITS	2015	Wang et al. (2018)
<i>Hypocrea virens</i> (<i>Trichoderma virens</i>)	desc	0209	ITS	2013	Chaverri et al. (2001)
L					
<i>Lasiodiplodia theobromae</i>	banano	0002, 0213	ITS	2010-13	Sangeetha et al. (2012)
M					
<i>Macrophoma theicola</i>	desc	0371	ITS	2016	Jeyaraman & Robert (2018)
<i>Metarhizium anisopliae</i>	desc	0201	ITS	2013	Schrank & Henning Vainstein (2010)
<i>Microdochium</i> spp.	banano	0157	ITS	2012	no descrito en el cultivo

¹El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

²Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

Table 3. Microorganisms identified in alphabetical order (letter F, G, H, L, and M) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, Universidad de Costa Rica, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica. Abd Murad et al. (2017); Abdullah et al. (2010); Arguedas et al. (2018); Bertrand et al. (2000); Bevilacqua et al. (2012); Campos (2013); Chaverri et al. (2001); Huang et al. (2017); Figueroa-Rivera et al. (2010); Ibrahim et al. (2015); Jeyaraman & Robert (2018); Li et al. (2014); Martín et al. (2017); Murillo-Williams & Munkvold (2008); Murillo et al. (2014); Ola

(2019); Rodrigues et al. (2004); Rodríguez Solís (2018); Sangeetha et al. (2012); Scharank & Henning Vainsteins (2010); Serani et al. (2007); Stepien et al. (2013); Van Hove et al. (2011); Wang et al. (2018); Wu et al. (2012); Zad & Koshnevece (2001)

CUADRO 4

Microorganismos identificados en orden alfabético (letras M, N y P) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
M					
<i>Microdochium bolleyi</i>	desc	0446	ITS	2017	Hong et al. (2008)
<i>Monacrosporium megalosporum</i>	desc	0209	ITS	2013	Kano et al. (2004)
<i>Mycena pachyderma</i>	café	0268	ITS	2014	no descrito en el cultivo
<i>M. rosella</i>	café	0276	ITS	2014	Yaling et al. (2014)
<i>Myriococcum praecox</i>	desc	0385	ITS	2016	Koukol (2016)
N					
<i>Nemania spp.</i>	desc	0371	ITS	2016	Zheng et al. (2016)
<i>Neofusicoccum parvum</i>	desc	0446	ITS	2017	Pavlic et al. (2009)
<i>Neopestalotiopsis rosae</i>	desc	0350	ITS	2015	Rebollar-Alviter et al. (2020)
<i>N. paeoniicola</i>	desc	0350	ITS	2015	Senanayake et al. (2020)
<i>Nigrospora sphaerica</i>	banano	0154	ITS	2012	no descrito en el cultivo
<i>N. sphaerica</i>	ciprés	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>N. oryzae</i>	banano	0154-157	ITS	2012	no descrito en el cultivo
P					
<i>Paecilomyces formosus</i>	piña	0447	ITS	2017	no descrito en el cultivo
<i>P. tenuis</i>	desc	0209	ITS	2013	Heidarian et al. (2018)
<i>Paraphaeosphaeria neglecta</i>	desc	0350	ITS	2015	Verkley et al. (2014)
<i>Penicillium aculeatum</i>	desc	0209	ITS	2013	Giridhar Babu et al. (2014)
<i>P. brevicompactum</i>	banano	0154	ITS	2012	no descrito en el cultivo
<i>P. citrinum</i>	banano	0178	ITS	2012	Khan et al. (2008)
<i>P. citrinum</i>	piña	0211	ITS	2013	Adisa (1986)
<i>P. griseofulvum</i>	piña	0211	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>P. janthinellum</i>	banano	0154, 0185, 0209, 0244	ITS	2012, 2013	no descrito en el cultivo
<i>P. pinophilum</i>	desc	0209-278	ITS	2013-14	Pol et al. (2012)
<i>P. purpurogenum</i>	piña	0211	ITS	2013	Sabater-Vilar et al. (2018)
<i>P. rolsii</i>	ciprés	0209-344	ITS	2013-15	no descrito en el cultivo
<i>Pestalotiopsis hansenii</i>	desc	0371	ITS	2016	Shoemaker & Simpson (1981)
<i>Pestalotiopsis clavispora</i>	desc	0403	ITS	2016	Ismail et al. (2013)
<i>P. microspora</i>	banano	0185	EF	2013	no descrito en el cultivo
<i>P. neglecta</i>	desc	0371	ITS	2016	Maharachchikumbura et al. (2011)
<i>P. paeoniicola</i>	banano	0185	EF	2013	no descrito en el cultivo
<i>P. sydowiana</i>	desc	0371	ITS	2016	Hopkins & McQuilken (2000)
<i>P. theae</i>	desc	0371	ITS	2016	Li et al. (2008)
<i>P. vismiae</i>	ciprés	0344	ITS	2015	Maharachchikumbura et al. (2011)
<i>Phlebiopsis flavidoalba</i>	desc	0120	ITS	2012	Wu (2000)

¹El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

²Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

Table 4. Microorganisms identified in alphabetical order (letters M, N, and P) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, Universidad de Costa Rica, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica. Adisa (1986); Giridhar Babu et al. (2014); Heidarian et al. (2018); Hong et al. (2008); Hopkins & McQuilken (2000); Ismail et al. (2013); Kano et al. (2004); Khan et al. (2008); Koukol (2016); Li et al. (2008); Maharachchikumbura et al. (2011); Pavlic et al. (2009); Pol et al. (2012); Rebollar-Alviter et al. (2020); Sabater-Vilar et al. (2018); Senanayake et al. (2020); Shoemaker & Simpson (1981); Verkley et al. (2014); Wu (2000); Yaling et al. (2014); Zheng et al. (2016)

CUADRO 5

Microorganismos identificados en orden alfabético (letras P, R, S y T) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
P					
<i>Phoma exigua</i>	chayote	0174	EF	2013	Mondal et al. (2020)
<i>Phoma pereupyrena</i>	desc	0446	ITS	2017	Zimowska (2011)
<i>Phomopsis longicolla</i>	desc	0303	ITS	2015	Li et al. (2010)
<i>Phyllosticta capitalensis</i>	desc	0371	ITS	2016	Wikee et al. (2013)
<i>P. nicotianae</i>	piña	0035-442	ITS	2010-17	Ratti et al. (2018)
<i>Phytophthora cinnamomi</i>	piña	0201, 0368, 0442	ITS	2013, 2016, 2017	Hardham (2005)
<i>P. tropicalis</i>	aralia	0105	ITS	2011	no descrito en el cultivo
<i>P. tropicalis</i>	helecho	0184	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>P. palmivora</i>	piña	0112-287	PCR, ITS	2011-14	no descrito en el cultivo
<i>P. palmivora</i>	papaya	0316	ITS	2015	Hunter & Kunimoto (1973)
<i>P. capsici</i>	chile dulce	0128-448	ITS	2012-17	Uribe-Loria et al. (2014)
<i>Plasmodiophora brassicae</i>	repollo, fibra de coco, agua, suelo	0133, 0320, 0339	PCR	2012-15	Hwang et al. (2012)
<i>Pseudocercospora griseola</i>	frijol	0438	ITS	2017	Rodríguez-Ortega (2017)
<i>Puccinia spp.</i>	gladiola	0124	ITS	2012	Peterson & Berner (2009)
<i>Pythium pyrilobum</i>	banano	0185	EF1	2013	no descrito en el cultivo
R					
<i>Rigidoporus vinctus</i>	desc	0107	ITS	2011	Oba et al. (2020)
<i>Rhizomucor variabilis</i>	teca	0314	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Rhizopus stolonifer</i>	desc	0233	ITS	2013	Liou et al. (2007)
S					
<i>Sarocladium terricola</i>	desc	0303	ITS	2015	Giraldo et al. (2015)
<i>S. strictum</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Schizophyllum commune</i>	desc	0403	ITS	2016	Chowdhary et al. (2013)
<i>Simplicillium lanosoniveum</i>	desc	0451	ITS	2017	Lim et al. (2014)
<i>Sordaria fimicola</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>S. tomento-alba</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Sordariomycetes sp.</i>	desc	0371	ITS	2016	Jinfeng et al. (2017)
<i>Sporothrix spp.</i>	banano	0185	ITS	2013	Tarnowski et al. (2010)
<i>Stagonosporopsis cucurbitacearum</i> ⁴	desc	0385	ITS	2016	Mahapatra et al. (2020)
T					
<i>Talaromyces amestolkiae</i>	piña	0447	ITS	2017	Leneveu-Jenvrin et al. (2020)
<i>T. calidicanus</i>	piña	0211	ITS	2013	Castro Chinchilla & Umaña Rojas (2017)
<i>T. diversum</i>	piña	0447	ITS	2017	Castro Chinchilla & Umaña Rojas (2017)

¹El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

²Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

⁴Sinónimo de: *Sphaeria cucurbitacearum*/Laestadia cucurbitacearum. / *Sphaerella cucurbitacearum*, *Phoma cucurbitacearum*.

Table 5. Microorganisms identified in alphabetical order (letters P, R, S, and T) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, Universidad de Costa Rica, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica.

Castro Chinchilla & Umaña Rojas (2017); Chowdhary et al. (2013); Giraldo et al. (2015); Hardham (2005); Hunter & Kunimoto (1973); Hwang et al. (2012); Jinfeng et al. (2017); Leneveu-Jenvrin et al. (2020); Li et al. (2010); Lim et al. (2014); Liou et al. (2007); Mahapatra et al. (2020); Mondal et al. (2020); Oba et al., (2020); Peterson & Berner (2009); Ratti et al. (2018); Rodríguez-Ortega (2017); Tarnowski et al. (2010); Uribe-Loria et al. (2014); Wikee et al. (2013); Zimowska (2011)

CUADRO 6

Microorganismos identificados en orden alfabético (letras T y X) en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección, Universidad de Costa Rica, durante los años 2009-2018. Montes de Oca, San José, Costa Rica.

Organismo identificado	Hospedante	Boleta ¹	Técnica ²	Año ³	Literatura relacionada
T					
<i>Talaromyces funiculosus</i>	piña	0447	ITS	2017	Barral et al. (2020)
<i>T. pinophilus</i>	desc	0479	ITS	2017	Peterson & Jurjević (2019)
<i>T. stollii</i>	piña	0211	ITS	2013	no descrito en el cultivo
<i>T. verruculosus</i>	desc	0209	ITS	2013	Miao et al. (2012)
<i>Trametes hirsuta</i>	desc	0002	ITS	2010	Sivaprakasam et al. (2011)
<i>Trichoderma asperellum</i>	banano	0022-23	ITS, EF	2010-11-	Xia et al. (2011)
		64-131-209		12-13	
<i>Trichoderma asperellum</i>	piña	0154-157-185-241-265-291	EF	2012-13-14-15	Wijesinghe et al. (2011)
<i>Trichoderma koningiopsis</i>	banano	0185	EF	2013	Taribuka et al. (2017)
<i>Trichoderma pinnatum</i>	banano	0157	EF	2012	no descrito en el cultivo
<i>Trichoderma spirale</i>	banano	0154	ITS, EF	2012	no descrito en el cultivo
<i>Trichoderma spirale</i>	desc	0209	ITS	2013	Baiyee et al. (2019)
X					
<i>Xylaria</i> spp.	desc	0371	ITS	2016	Elias et al. (2018)
<i>Xylaria multiplex</i>	cipres	0344	ITS	2015	no descrito en el cultivo
<i>Xylogone sphaerospora</i>	desc	0061	ITS	2011	Kang et al. (2010)

¹ El número de boleta corresponde al código asignado al recibir la muestra en el LTM. / ¹The lab report number corresponds to the code assigned when receiving the sample in the LTM.

² Técnica: Secuenciación con ITS o EF-1α. / ²Technique: Sequencing with ITS or EF-1α.

³ El año de análisis corresponde a la fecha en la cual se recibió el aislamiento en el LTM. / ³The year of analysis corresponds to the date on which the isolation was received in the LTM.

Table 6. Microorganisms identified in alphabetical order (letters T and X) at the Laboratory of Molecular Techniques applied to Plant Protection, during the years 2009-2018. Montes de Oca, San Jose, Costa Rica. Baiyee et al. (2019); Barral et al. (2020); Elias et al. (2018); Kang et al. (2010); Miao et al. (2012); Peterson & Jurjevic (2019); Sivaprakasam et al. (2011); Taribuka et al. (2017); Wijesinghe et al. (2011); Xia et al. (2011)

En los cuadros se presenta una lista de artículos científicos relacionados a cada uno de los sistemas de microorganismos en relación a su hospedante. Dicha lista tiene como objetivo que el lector tenga una referencia de consulta, en este caso un artículo científico de vía libre en la web, para conocer sobre el organismo de interés.

DISCUSIÓN

En este estudio se recopiló la información generada por medio de la identificación de microorganismos provenientes de muestras que ingresan a la Clínica de Diagnóstico. Se logró identificar organismos patogénicos reportados en la literatura que causan daños en cultivos agrícolas, forestales y ornamentales y otros no patogénicos denominados como saprófitos, endófitos y benéficos, que cumplen funciones importantes para el crecimiento y la salud de las plantas, y a menudo facilitan el control de organismos patogénicos (Berg, 2009). El uso de marcadores moleculares permitió la identificación precisa de un gran número de géneros y de especies relacionadas con plantas hospederas ubicadas en Costa Rica.

El uso de marcadores universales indicó que dentro del grupo de los hongos, *Fusarium* (Aoki et al., 2014) fue el género con mayor presencia en el país entre los años 2009-2018. Especies dentro de este género han sido

reportadas como agresivas y prevalentes en los cultivos, a raíz de las modificaciones en temperatura y humedad ocasionados por el cambio climático (Chakraborty & Newton, 2011). Este género se ha agrupado en 23 complejos de especies y 300 especies (Summerell, 2019), por características fenotípicas y secuencias genéticas provenientes de regiones relacionadas con B-tubulina, el factor de elongación 1α , RPB1 y 2, y la subunidad de la región pequeña mitocondrial (mtSSU) (Aoki et al., 2014), de estas catorce especies se identificaron en Costa Rica, mediante este trabajo.

Fusarium oxysporum se relaciona con la marchitez vascular y es descrito como un organismo distribuido en suelos y plantas, con alrededor de 130 hospedantes, se encuentra en forma patogénica, endófito o saprófito. Está relacionado con cultivos agrícolas y forestales, como banano (*F. oxysporum* f.sp. *cubense*) donde la raza 4 es la que presenta mayor riesgo para el sector (Ploetz, 2015); palma aceitera (*F. oxysporum* f. sp. *elaeidis*) (Flood, 2006), maní (*F. oxysporum* f.sp. *vasinfectum*) (Skovgaard et al., 2001), piña (Jacobs et al., 2010), apio (*F. oxysporum* f.sp. *apii*) (Retana et al., 2018), teca (*F. oxysporum* en teca) (Borges et al., 2018), entre otros.

Fusarium solani causa problemas en raíces de diversos hospedantes como vegetales, flores y frutas. Está compuesto por alrededor de sesenta especies distintas a nivel filogenético (Nalim et al., 2011), especies crípticas que causan problemas en raíces de diversos hospedantes como vegetales, frutas y flores, en este estudio se reporta en ornamentales, forestales y cultivos agrícolas como banano (Abd Murad et al., 2017), piña (Jacobs et al., 2010) y café (Serani et al., 2007).

Se encontraron especies de *Colletotrichum* en cultivos forestales, como *C. boninense*, *C. gloesporioides*, *C. karstii* y *C. nicotianae*; mientras que *C. fragariae*, *C. theobromicola* y *C. gloesporioides* en cultivos agrícolas, como papaya (Saalau-Rojas et al., 2009), café (Nguyen et al., 2009) y cacao (Rojas et al., 2010), entre otros, que se ven afectados por este patógeno, con mayor incidencia en las épocas de lluvia. El género *Colletotrichum* es muy variable genéticamente y se recomienda el análisis multilocus para poder separar las especies crípticas (Ruíz Campos, 2016).

Un total de once especies del género *Aspergillus* fueron ligadas a cultivos agrícolas y forestales como ciprés, arroz, piña y banano. Este género tiene especies productoras de micotoxinas; sin embargo, también hay algunas que inhiben la producción de las mismas (Ehrlich, 2014) y facilitan el desarrollo de cultivos más inocuos.

Dentro de los oomicetos, cinco especies del género *Phytophthora* fueron identificadas; estas son capaces de causar grandes daños en diferentes cultivos como *P. nicotianae* y *P. cinnamomi* en piña (Ratti et al., 2018; Sanewski et al., 2017), ya que provocan pudriciones a nivel de raíz. En chile dulce (*Capsicum annuum*), se ha reportado la pudrición basal o maya en el cultivo y la persistencia en suelo por largos periodos (Uribe-Loría et al., 2014).

Dentro del grupo de los protozoa, *Plasmodiophora brassicae* estuvo presente en diversas cucurbitáceas como repollo, mostaza, coliflor, brócoli, entre otras, donde causa diversos problemas fitopatológicos y pérdidas a nivel productivo (Cao et al., 2007).

La información suministrada y de los artículos científicos recomendados llevan a determinar la presencia de los microorganismos en varias regiones. Algunos de esos microorganismos son patógenos y otros son no patógenos, estos últimos pueden actuar como controladores biológicos o generadores de compuestos antifúngicos y antibacteriales útiles en la industria.

CONCLUSIONES

El uso de técnicas moleculares permitió la identificación de 156 especies de hongos, 600 oomicetos y 1 protozoa, provenientes de cultivos agrícolas, ornamentales y forestales en Costa Rica.

En este estudio se presenta un repositorio de consulta de hongos, oomicetos y protozoa, generada a partir de muestras recibidas en el Laboratorio de Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección (LTM) del CIPROC, entre los años 2009 y 2018, provenientes de Costa Rica y analizadas con base en metodologías

moleculares que, por su rapidez y confiabilidad, son una herramienta valiosa para productores. Se brinda información sobre especies patogénicas, no patogénicas, controladores biológicos y otros microorganismos utilizados como antifúngicos y antibacteriales, los cuales han sido aislados de diferentes cultivos agrícolas, ornamentales y forestales de interés.

AGRADECIMIENTOS

La autora expresa especial agradecimiento a los técnicos Freddy Benavides, Catherine Jiménez y Alejandro Sebiani, quienes colaboraron con la implementación de las metodologías desarrolladas. A la Vicerrectoría de Acción Social por facilitar el desarrollo y continuidad del proyecto ED-2811 de la Clínica de Diagnóstico: Técnicas Moleculares aplicadas a la Fitoprotección del CIPROC.

Al Dr. Javier Monge del Laboratorio de Plagas Vertebradas, CIPROC, por la revisión del manuscrito y el aporte de sugerencias valiosas.

REFERENCIAS

- Abd Murad, N. B., Mohamed Nor, N. M. I., Shohaimi, S., & Mohd Zainudin, N. A. I. (2017). Genetic diversity and pathogenicity of *Fusarium* species associated with fruit rot disease in banana across Peninsular Malaysia. *Journal of Applied Microbiology*, 123, 1533–1546. <https://doi.org/10.1111/jam.13582>
- Abdullah, S. K., Lopez Lorca, L. V., & Jansson, H. B. (2010). Diseases of date palms (*Phoenix dactylifera* L.). *Basrah Journal for Date Palm Research*, 9(2), 1–44.
- Adisa, V. A. (1986). The influence of molds and some storage factors on the ascorbic acid content of orange and pineapple fruits. *Food Chemistry*, 22(2), 139–146. [https://doi.org/10.1016/0308-8146\(86\)90031-2](https://doi.org/10.1016/0308-8146(86)90031-2)
- Agrios, G. N. (2005). *Plant pathology* (5th ed.). Elsevier Academic Press.
- Akinode, O. A. (2010). Evaluation of antifungal efficacy of some plant extracts on *Curvularia lunata*, the causal organism of maize leaf spot. *African Journal of Environmental Science and Technology*, 4(11), 797–800. <https://www.ajol.info/index.php/ajest/article/view/71351>
- Aoki, T., O'Donnell, K., & Geiser, D. (2014). Systematics of key phytopathogenic *Fusarium* species: current status and future challenges. *Journal of General Plant Pathology*, 80, 189–201. <https://doi.org/10.1007/s10327-014-0509-3>
- Arguedas, M., Rodríguez-Solis, M., Moya, R., & Berrocal, A. (2018). Gmelina arborea “death disease” in fast-growth plantations: Effects of soil and climatic conditions on severity and incidence and its implications for wood quality. *Forest Systems*, 27(1), Article e003. <https://doi.org/10.5424/fs/2018271-12236>
- Baiyee, B., Pornsuriya, C., Ito, S., & Sunpapao, A. (2019). Trichoderma spirale T76-1 displays biocontrol activity against leaf spot on lettuce (*Lactuca sativa* L.) caused by *Corynespora cassiicola* or *Curvularia aeria*. *Biological Control*, 129, 195–200. <https://doi.org/10.1016/j.biocontrol.2018.10.018>
- Barral, B., Chillet, M., Doizy, A., Grassi, M., Ragot, L., Léchaudel, M., Durand, N., Rose, L. J., Viljoen, A., & Schorr-Galindo, S. (2020). Diversity and toxigenicity of fungi that cause Pineapple Fruitlet Core Rot. *Toxins*, 12(5), Article 339. <https://doi.org/10.3390/toxins12050339>
- Berg, G. (2009). Plant–microbe interactions promoting plant growth and health: perspectives for controlled use of microorganisms in agriculture. *Applied Microbiology Biotechnology*, 84, 11–18. <https://doi.org/10.1007/s00253-009-2092-7>
- Bertrand, B., Nuñez, C., & Sarah, J. -L. (2000). Disease complex in coffee involving *Meloidogyne arabicida* and *Fusarium oxysporum*. *Plant Pathology*, 49, 383–388. <https://doi.org/10.1046/j.1365-3059.2000.00456.x>
- Bevilacqua, A., Campaniello, D., Sinigaglia, M., Ciccarone, C., & Corbo, M. R. (2012). Sodium-benzoate and citrus extract increase the effect of homogenization towards spores of *Fusarium oxysporum* in pineapple juice. *Food Control*, 28(2), 199–204. <https://doi.org/10.1016/j.foodcont.2012.04.038>

- Bisen, P. (2014). *The industrial uses of micro-organisms* (1st Ed.). IK International.
- Blanco-Meneses, M., & Ristaino, J. B. (2011). Detection and quantification of *Peronospora tabacina* using a Real-time Polymerase Chain Reaction assay. *Plant Disease*, 95(6), 673–682. <https://doi.org/10.1094/PDIS-05-10-0333>
- Borges, R., Macedo, M., Cabral, C., Rossato, M., Fontes, M., Santos, M., Ferreira, M., Fonseca, M., Reis, A., & Boiteux, L. (2018). Vascular wilt of teak (*Tectona grandis*) caused by *Fusarium oxysporum* in Brazil. *Phytopathologia Mediterranea*, 57(1), 115–121. https://doi.org/10.14601/Phytopathol_Mediterr-20896
- Campos, V. (2013). *Patogenicidad de Fusarium proliferatum y la utilización de fungicidas en el tratamiento de semillas como control preventivo en la fase inicial del desarrollo del arroz (Oryza sativa)* [Tesis de Licenciatura no publicada]. Universidad de Costa Rica.
- Cao, T., Tewari, J., & Strelkov, S. E. (2007). Molecular detection of *Plasmodiophora brassicae* causal agent of clubroot of crucifers in plant and soil. *Plant Disease*, 91(1), 80–87. <https://doi.org/10.1094/PD-91-0080>
- Chakraborty, S., & Newton, A. C. (2011). Climate change, plant diseases and food security: an overview. *Plant Pathology*, 60, 2–14. <https://doi.org/10.1111/j.1365-3059.2010.02411.x>
- Castro Chinchilla, J., & Umaña Rojas, G. (2017). Frecuencia de los hongos asociados al desarrollo de mohos poscosecha en el pedúnculo de la piña en dos zonas de Costa Rica. *Agronomía Costarricense*, 41(2), 17–25. <http://doi.org/10.15517/rac.v41i2.31296>
- Chandra Deb, S., & Khair, A. (2018). Control of Seed-Borne Fungi of Rice by *Aspergillus* and *Trichoderma*. *International Journal of Agriculture & Environmental Science*, 5(1), 34–39. <https://doi.org/10.14445/23942568/IJAES-V5I1P106>
- Chaverri, P., Samuels, G. J., & Stewart, E. L. (2001). *Hypocrea virens* sp. nov., the teleomorph of *Trichoderma virens*. *Mycologia*, 93(6), 1113–1124. <https://doi.org/10.1080/00275514.2001.12063245>
- Cheng, Y., Liu, H., Tong, X., Zhang, X., Jiang, X., & Yu, X. (2020). First report of *Alternaria alternata* causing Alternaria Brown Spot on *Aralia elata* in China. *Plant Disease*, 104(11), Article 3072. <https://doi.org/10.1094/PDIS-03-20-0490-PDN>
- Chowdhary, A., Randhawa, H. S., Gaur, S. N., Agarwal, K., Kathuria, S., Roy, P., Klaassen, C. H., & Meis, J. F. (2013). *Schizophyllum commune* as an emerging fungal pathogen: a review and report of two cases. *Mycoses*, 56(1), 1–10. <https://doi.org/10.1111/j.1439-0507.2012.02190.x>
- Crous, P. W., Groenewald, J. Z., Ríse, J. -M., Simoneau, P., & Hyde, K. D. (2006). *Calonectria* species and their *Cylindrocladium* anamorphs: species with clavate vesicles. *Studies in Mycology*, 55, 213–226. <https://doi.org/10.3114/sim.55.1.213>
- Dallagnol, L. J., Rodrigues, F. A., Martins, S. C. V., Cavatte, P. C., & DaMatta, F. M. (2011). Alterations on rice leaf physiology during infection by *Bipolaris oryzae*. *Australasian Plant Pathology*, 40, 360–365. <https://doi.org/10.1007/s13313-011-0048-8>
- Damm, U., Cannon, P. F., Woudenberg, J. H. C., & Crous, P. W. (2012). The *Colletotrichum acutatum* species complex. *Studies in Mycology*, 73, 37–113. <https://doi.org/10.3114/sim0010>
- de Barros, C. R. M., Ferreira, L. M. M., Nunes, F. M., Bezerra, R. M. F., Dias, A. A., Guedes, C. V., Cone, J. W., Marques, G. S. M., & Rodrigues, M. A. M. (2011). The potential of white-rot fungi to degrade phorbol esters of *Jatropha curcas* L. seed cake. *Engineering in Life Sciences*, 11(1), 107–110. <https://doi.org/10.1002/elsc.201000040>
- Dixon, L. J., Schlub, R. L., Pernezny, K., & Datnoff, L. E. (2009). Host specialization and phylogenetic diversity of *Corynespora cassicola*. *Phytopathology*, 99(9), 1015–1027. <https://doi.org/10.1094/PHYTO-99-9-1015>
- Dongyi, H., & Kelemu, S. (2004). *Acremonium implicatum*, a seed-transmitted endophytic fungus in *Brachiaria* grasses. *Plant Disease*, 88(11), 1252–1254. <https://doi.org/10.1094/PDIS.2004.88.11.1252>
- Drenth, A., Wagels, G., Smith, B., Sendall, B., O'Dwyer, C., Irvine, G. & Irwin, J. (2006). Development of a DNA-based method for detection and identification of *Phytophthora* species. *Australasian Plant Pathology*, 35, 147–159. <https://doi.org/10.1071/AP06018>
- Ehrlich, K. C. (2014). Non-aflatoxigenic *Aspergillus flavus* to prevent aflatoxin contamination in crops: advantages and limitations. *Frontiers in Microbiology*, 5, Article 50. <https://doi.org/10.3389/fmicb.2014.00050>

- Elias, L. M., Fortkamp, D., Sartori, S. B., Ferreira, M. C., Gomes, L. H., Azevedo, J. L., Montoya, Q. V., Rodrigues, A., Ferreira, A. G., & Lira, S. P. (2018). The potential of compounds isolated from *Xylaria* spp. as antifungal agents against anthracnose. *Brazilian Journal of Microbiology*, 49(4), 840–847. <https://doi.org/10.1016/j.bjm.2018.03.003>
- Federhen, S. (2015). Type material in the NCBI Taxonomy Database. *Nucleic Acids Research*, 43(D1), D1086–D1098. <https://doi.org/10.1093/nar/gku1127>
- Figueroa-Rivera, M. G., Rodríguez-Guerra, R., Guerrero-Aguilar, B., González-Chavira, M., Pons-Hernández, J. L., Jiménez-Bremont, J., Ramírez-Pimentel, J., Andrio-Enríquez, E., & Mendoza-Elos, M. (2010). Characterization of Fusarium Species Associated with Rotting of Corn Root in Guanajuato, Mexico. *Revista Mexicana de Fitopatología*, 28(2), 124–134.
- Flood, J. (2006). A Review of Fusarium Wilt of Oil Palm Caused by *Fusarium oxysporum* f. sp. *elaeidis*. *Phytopathology*, 96, 660–662. <https://doi.org/10.1094/PHYTO-96-0660>
- Freitas, R. L., Maciel-Zambolim, E., Zambolim, L., Lelis, D., Caixeta, E. T., Lopes, U. P., & Pereira, O. L. (2013). *Colletotrichum boninense* Causing Anthracnose on Coffee Trees in Brazil. *Plant Disease*, 97(9), 1255–1255. <https://doi.org/10.1094/PDIS-03-13-0229-PDN>
- French, E. R. & Hebert, T. T. (1980). *Métodos de investigación fitopatológica*. Instituto Interamericano de Ciencias Agrícolas.
- Giraldo, A., Gené, J., Sutton, D. A., Madrid, H., de Hoog, G., Cano, J., Decock, C., Crows, P., & Guarro, J. (2015). Phylogeny of *Sarocladium* (Hypocreales). *Persoonia - Molecular Phylogeny and Evolution of Fungi*, 34, 10–24. <https://doi.org/10.3767/003158515X685364>
- Giridhar Babu, A., Shim, J., Shea, P., J. & Oh, B. -T. (2014). *Penicillium aculeatum* PDR-4 and *Trichoderma* sp. PDR-16 promote phytoremediation of mine tailing soil and bioenergy production with sorghum-sudangrass. *Ecological Engineering*, 69, 186–191. <https://doi.org/10.1016/j.ecoleng.2014.03.055>
- Gong, J. L., Lu, Y., Wu, W. H., He, C. P., Liang, Y. P., Huang, X., Zheng, J., Xi, J., Tang, S. B., & Yi, K. X. (2020). First report of *Phomopsis heveicola* (Anamorph of *Diaporthe tulliensis*) causing Leaf Blight of coffee (*Coffea arabica*) in China. *Plant Disease*, 104(2), Article 570. <https://doi.org/10.1094/PDIS-09-19-1833-PDN>
- Ha, J., Kang, H., Kang, H., Kim, D., Lee, D., Kim, Y., & Choi, I. (2019). First report of an unrecorded nematode-trapping fungus, *Arthrobotrys sinensis* in Korea. *Korean Journal of Applied Entomology*, 58(1), 9–13. <https://doi.org/10.5656/KSAE.2018.12.0.047>
- Hall, T. A. (1999). BioEdit: A user-friendly biological sequence alignment editor and analysis program for Windows 95/98/NT. *Nucleic Acids Symposium Series*, 41, 95–98.
- Hardham, A. R. (2005). *Phytophthora cinnamomi*. *Molecular Plant Pathology*, 6, 589–604. <https://doi.org/10.1111/j.1364-3703.2005.00308.x>
- Harlton, C. E., Levesque, C. A., & Punja, Z. K. (1995). Genetic diversity in *Sclerotium* (Athelia) *rolfsii* and related species. *Phytopathology*, 85, 1269–1281. <https://doi.org/10.1094/Phyto-85-1269>
- Hasan, N. A., & Zannuddin, N. A. M. (2020). Molecular identification of isolated fungi from banana, mango and pineapple spoiled fruits. *AIP Conference Proceedings*, 2020(1), Article 020074. <https://doi.org/10.1063/1.5062700>
- Heidarian, R., Fotouhifar, K. -B., Debets, A. J. M., & Aanen, D. K. (2018). Phylogeny of *Paecilomyces*, the causal agent of pistachio and some other trees dieback disease in Iran. *PLoS ONE*, 13(7), Article 0200794. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0200794>
- Hong, S. K., Kim, W. G., Choi, H. W., & Lee, S. Y. (2008). Identification of *Microdochium bolleyi* associated with basal rot of creeping bent grass in Korea. *Mycobiology*, 36(2), 77–80.
- Hong, J. K., Yang, H. J., Jung, H., Yoon, D. J., Sang, M., & Jeun, Y. C. (2015). Application of volatile antifungal plant essential oils for controlling pepper fruit anthracnose by *Colletotrichum gloeosporioides*. *Plant Pathology Journal*, 31(3), 269–277. <https://doi.org/10.5423/PPJ.OA.03.2015.0027>

- Hopkins, K. E., & McQuilken, M. P. (2000). Characteristics of Pestalotiopsis Associated with Hardy Ornamental Plants in the UK. *European Journal of Plant Pathology*, 106, 77–85. <https://doi.org/10.1023/A:1008776611306>
- Huang, S. P., Li, Z. L., Wei, J. G., Mo, J. Y., Li, Q. L., Guo, T. X., Luo, J., Yang, T., Tan, X., & Yang, X. B. (2017). First report of stem canker caused by *Fusarium solani* on *Tectona grandis* in China. *Plant Disease*, 101(12), 2148–2148. <https://doi.org/10.1094/PDIS-04-17-0514-PDN>
- Hunter, J. E., & Kunimoto, R. K. (1973). Dispersal of *Phytophthora palmivora* sporangia by windblown rain. *Phytopathology*, 64, 202–206. <https://doi.org/10.1094/Phyto-64-202>
- Hwang, S. F., Strelkov, S. E., Feng, J., Gossen, B. D. & Howard, R. J. (2012). *Plasmodiophora brassicae*: a review of an emerging pathogen of the Canadian canola (*Brassica napus*) crop. *Molecular Plant Pathology*, 13, 105–113. <https://doi.org/10.1111/j.1364-3703.2011.00729.x>
- Ibrahim, N. F., Mohd, M. H., Nor, N. M. I. M., & Zakaria, L. (2015). First report of *Fusarium oxysporum* and *F. solani* associated with pineapple rot in Peninsular Malaysia. *Plant Disease*, 99(11), 1650–1650. <https://doi.org/10.1094/PDIS-02-15-0227-PDN>
- Ilyas, M. B., Ghazanfar, M. U., Khan, M. A., Khan C. A., & Bhatti, M. A. R. (2007). Post harvest losses in apple and banana during transport and storage. *Pakistan Journal of Agricultural Sciences*, 44(3), 534–539.
- Ismail, A. M., Cirvilleri, G., & Polizzi, G. (2013). Characterisation and pathogenicity of *Pestalotiopsis uvicola* and *Pestalotiopsis clavispora* causing grey leaf spot of mango (*Mangifera indica* L.) in Italy. *European Journal of Plant Pathology*, 135, 619–625. <https://doi.org/10.1007/s10658-012-0117-z>
- Jacobs, A., Schalk Van Wyk, P., Marasas, W. F. O., Wingfield, B. D., Wingfield, M. J., & Coutinho, T. A. (2010). *Fusarium ananatum* sp. nov. in the *Gibberella fujikuroi* species complex from pineapples with fruit rot in South Africa. *Fungal Biology*, 114(7), 515–527. <https://doi.org/10.1016/j.funbio.2010.03.013>
- Jeyaraman, M., & Robert, P. (2018). Bio efficacy of indigenous biological agents and selected fungicides against branch canker disease of (*Macrophoma theicola*) tea under field level. *BMC Plant Biology*, 18, Article 222. <https://doi.org/10.1186/s12870-018-1445-8>
- Jinfeng, E. C., Mohamad Rafi, M. I., Chai Hoon, K., Lian, H. K., & Kqueen, C. Y. (2017). Analysis of chemical constituents, antimicrobial and anticancer activities of dichloromethane extracts of *Sordariomycetes* sp. endophytic fungi isolated from *Strobilanthes crispus*. *World Journal Microbiology Biotechnology*, 33, Article 5. <https://doi.org/10.1007/s11274-016-2175-4>
- Kang, H. -J., Sigler, L., Lee, J., Gibas, C. F. C., Yun, S. -H., & Lee, Y. -W. (2010). *Xylogone ganodermophthora* sp. nov., an ascomycetous pathogen causing yellow rot on cultivated mushroom *Ganoderma lucidum* in Korea. *Mycologia*, 102(5), 1167–1184. <https://doi.org/10.3852/09-304>
- Kano, S., Aimi, T., Masumoto, S., Kitamoto, Y., & Morinaga, T. (2004). Physiology and Molecular Characteristics of a Pine Wilt Nematode-Trapping Fungus, *Monacrosporium megalosporum*. *Current Microbiology*, 49, 158–164. <https://doi.org/10.1007/s00284-004-4268-9>
- Khan, S. A., Hamayun, M., Yoon, H., Kim, H. -Y, Suh, S. -J., Hwang, S. -K., Kim, J. -M., Lee, I. J., Choo, Y. -S., Yoon, U. -H., Kong, W. -S, Lee, B. -M., & Kim, J. -G. (2008). Plant growth promotion and *Penicillium citrinum*. *BMC Microbiology*, 8, Article 231. <https://doi.org/10.1186/1471-2180-8-231>
- Kim, W., Cavinder B., Proctor R. H., O'Donnell K., Townsend, J. P., & Trail F. (2019). Comparative genomics and transcriptomics during sexual development gives insight into the life history of the cosmopolitan fungus *Fusarium neocosmosporiellum*. *Frontiers in Microbiology*, 10, Article 1247. <https://doi.org/10.3389/fmicb.2019.01247>
- Koukol, O. (2016). *Myriococcum* revisited: a revision of an overlooked fungal genus. *Plant Systematics and Evolution*, 302, 957–969. <https://doi.org/10.1007/s00606-016-1310-x>
- Leneveu-Jenvrin, C., Quentin, B., Assemet, S., Hoarau, M., Meile, J. -C., & Remize, F. (2020). Changes of quality of minimally-processed pineapple (*Ananas comosus*, var. 'Queen Victoria') during cold storage: Fungi in the leading role. *Microorganisms*, 8(2), Article 185. <https://doi.org/10.3390/microorganisms8020185>

- Li, X. -G., Ding, C. -F., Zhang, T. -L., & Wang, X. -X (2014). Fungal pathogen accumulation at the expense of plant-beneficial fungi as a consequence of consecutive peanut monoculturing. *Soil Biology and Biochemistry*, 72, 11–18. <https://doi.org/10.1016/j.soilbio.2014.01.019>
- Li, S., Hartman, G. L., & Boykin, D. L. (2010). Aggressiveness of *Phomopsis longicolla* and other *Phomopsis* spp. on soybean. *Plant Disease*, 94(8), 1035–1040. <https://doi.org/10.1094/PDIS-94-8-1035>
- Li, E., Tian, R., Liu, R., Chen, X., Guo, L., & Che, Y. (2008). Pestalothic acids A–D, bioactive metabolites from the plant endophytic fungus *Pestalotiopsis theae*. *Journal of Natural Products*, 71(4), 664–668. <https://doi.org/10.1021/np700744t>
- Lim, S. Y., Lee, S., Kong, H. G., & Lee, J. (2014). Entomopathogenicity of *Simplicillium lanosoniveum* Isolated in Korea. *Mycobiology*, 42(4), 317–321. <https://doi.org/10.5941/MYCO.2014.42.4.317>
- Liou, G. -Y., Chen, S. -R., Wei, Y. -H., Lee, F. -L., Fu, H. -M., Yuan, G. -F., & Stalpers, J. A. (2007). Polyphasic approach to the taxonomy of the *Rhizopus stolonifer* group. *Mycological Research*, 111(2), 196–203. <https://doi.org/10.1016/j.mycres.2006.10.003>
- Mahapatra, S., Rao, E. S., Sandeepkumar, G. M., & Sriram, S. (2020). *Stagonosporopsis cucurbitacearum* the causal agent of gummy stem blight of watermelon in India. *Australasian Plant Disease Notes*, 15, Article 7. <https://doi.org/10.1007/s13314-020-0376-z>
- Maharachchikumbura, S. S. N., Guo, L. -D., Chukeatirote, E., Bahkali, A. H., & Hyde, K. D. (2011). Pestalotiopsis —morphology, phylogeny, biochemistry and diversity. *Fungal Diversity*, 50, Article 167. <https://doi.org/10.1007/s13225-011-0125-x>
- Manamgoda, D. S., Cai, L., Bahkali, A. H., Chukeatirote, E., & Hyde, K. D. (2011). *Cochliobolus*: an overview and current status of species. *Fungal Diversity*, 51, 3–42. <https://doi.org/10.1007/s13225-011-0139-4>
- Martín, R., Cauch-Rejon, J., Montejó-Canul, E., & Quijano, A. (2017). Hongos fitopatógenos asociados a enfermedades en orquídeas cultivadas en la península de Yucatán. *Desde el Herbario CICY*, 9, 203–208.
- Miao, F., Yang, R., Chen, D. -D., Wang, Y., Qin, B. -F., Yang, X. -J., & Zhou, L. (2012). Isolation, identification and antimicrobial activities of two secondary metabolites of *Talaromyces verruculosus*. *Molecules*, 17(12), 14091–14098. <https://doi.org/10.3390/molecules171214091>
- Mondal, B., Mondal C. K., & Mondal P. (2020). Diseases of cucurbits and their management. In B. Mondal, C. K. Mondal, & P. Mondal (Eds.), *Stresses of cucurbits: Current status and management* (pp. 115–222). Springer. https://doi.org/10.1007/978-981-15-7891-5_3
- Murillo, O., Badilla, Y., Rojas, F., & Mata, X. (2014). *Uso de biocontroladores y materiales tolerantes a los patógenos asociados al síndrome de la muerte descendente de la teca (Tectona grandis) y cancro nectria de la melina (Gmelina arborea)* [Informe final]. Repositorio del Instituto Tecnológico de Costa Rica. <https://bit.ly/3uWVsyX>
- Murillo-Williams, A., & Munkvold, G. P. (2008). Systemic infection by *Fusarium verticillioides* in maize plants grown under three temperature regimes. *Plant Disease*, 92, 1695–1700. <https://doi.org/10.1094/PDIS-92-12-1695>
- Murray, M. G., & Thompson, W. F. (1980). Rapid isolation of high molecular weight plant DNA. 1980. *Nucleic Acids Research*, 8(19), 4321–4326. <https://doi.org/10.1093/nar/8.19.4321>
- Nalim, F. A., Samuels, G. J., Wijesundera, R., & Geiser, D. M. (2011). New species from the *Fusarium solani* species complex derived from perithecia and soil in the old world tropics. *Mycologia*, 103(6), 1302–1330. <https://doi.org/10.3852/10-307>
- Navi, S. S., & Singh, S. D. (1993). *Fusarium longipes*: a mycoparasite of *Sclerospora graminicola* on pearl millet. *Indian Phytopathology*, 46(4), 365–368.
- Nguyen, T. H. P., Säll, T., Bryngelsson, T., & Liljeroth, E. (2009). Variation among *Colletotrichum gloeosporioides* isolates from infected coffee berries at different locations in Vietnam. *Plant Pathology*, 58(5), 898–909. <https://doi.org/10.1111/j.1365-3059.2009.02085.x>
- Nitschke, E., Nihlgard, M., & Varrelmann, M. (2009). Differentiation of eleven *Fusarium* spp. isolated from sugar beet, applying restriction fragment analysis of polymerase chain reaction–amplified translation elongation factor 1 α gene fragment. *Phytopathology*, 99(8), 921–929. <https://doi.org/10.1094/PHYTO-99-8-0921>

- Noireung, P., Phoulivong, S., Liu, F., Cai, L., McKenzie, E. H. C., Chukeatirote, E., Jones, E. B. G., Bahkali, A. H., & Hyde, K. D. (2012). Novel species of *Colletotrichum* revealed by morphology and molecular analysis. *Cryptogamie, Mycologie*, 33(3), 347–362. <https://doi.org/10.7872/crym.v33.iss3.2012.347>
- Nuangmek, W., Aiduang, W., Suwannarach, N., Kumla, J., Kiatsirirot, T., & Lumyong, S. (2019). First report of fruit rot on cantaloupe caused by *Fusarium equiseti* in Thailand. *Journal of General Plant Pathology*, 85, 295–300. <https://doi.org/10.1007/s10327-019-00841-1>
- Oba, R., Metsebing, B. -P., Youmbi, F. T., Mossebo, D. C., Tsigain Tsigain, F., Tata, C. M., & Ndinteh, D. T. (2020). Evaluation of the antifungal and antibacterial activities of crude extracts of three species of *Rigidoporus* (Basidiomycota, Polyporaceae) from Cameroon. *The Journal of Phytopharmacology*, 9(4), 246–251. <https://doi.org/10.31254/phyto.2020.9406>
- Ola, A. R. B. (2019). Production of valuable chemical compounds isolated from plants by endophytic fungi. *IOP Conference Series: Materials Science and Engineering*, 823, Article 012045. <https://doi.org/10.1088/1757-899X/823/1/012045>
- Oliveira, S. A. S., Bragança, C. A. D., & Silva, L. L. (2016). First report of *Colletotrichum tropicale* causing anthracnose on the wild cassava species *Manihot dichotoma* and *M. epruinosa* in Brazil. *Plant Disease*, 100(10), 2171. <https://doi.org/10.1094/PDIS-10-15-1136-PDN>
- Paul, N. C., Kim, W. -K., Woo, S. -K., Park, M. -S., & Yu, S. -H. (2007). Fungal endophytes in roots of aralia species and their antifungal activity. *The Plant Pathology Journal*, 23(4), 287–294. <https://doi.org/10.5423/PPJ.2007.23.4.287>
- Pavlic, D., Slippers, B., Coutinho, T. A. & Wingfield, M. J. (2009). Molecular and phenotypic characterization of three phylogenetic species discovered within the *Neofusicoccum parvum*/*N. ribis* complex. *Mycologia*, 101(5), 636–647. <https://doi.org/10.3852/08-193>
- Peterson, G. L., & Berner, D. K. (2009). Effects of temperature and humidity on the survival of urediniospores of gladiolus rust (*Uromyces transversalis*). *European Journal of Plant Pathology*, 125, 509–513. <https://doi.org/10.1007/s10658-009-9492-5>
- Peterson, S. W., & Jurjević, Z. (2019). The *Talaromyces pinophilus* species complex. *Fungal Biology*, 123(10), 745–762. <https://doi.org/10.1016/j.funbio.2019.06.007>
- Ploetz, R. C. (2015). Management of Fusarium wilt of banana: A review with special reference to tropical race 4. *Crop Protection*, 73, 7–15. <https://doi.org/10.1016/j.cropro.2015.01.007>
- Pol, D., Laxman, S., & Rao, M. (2012). Purification and biochemical characterization of endoglucanase from *Penicillium pinophilum* MS 20. *Indian Journal of Biochemistry and Biophysics*, 49, 189–194.
- Ratti, M. F., Ascunce, M. S., Landivar, J. J., & Goss, E. M. (2018). Pineapple heart rot isolates from Ecuador reveal a new genotype of *Phytophthora nicotianae*. *Plant Pathology*, 67(8), 1803–1813. <https://doi.org/10.1111/ppa.12885>
- Rebollar-Alviter, A., Silva-Rojas, H., Fuentes-Aragón, D., Acosta-Gonzalez, U., Martínez-Ruiz, M., & Parra-Robles, B. (2020). An emerging strawberry fungal disease associated with root rot, crown rot and leaf spot caused by *Neopestalotiopsis rosae* in Mexico. *Plant Disease*, 104(8), 2054–2059. <https://doi.org/10.1094/PDIS-11-19-2493-SC>
- Reddy, K. R. N., Reddy, C. S., & Muralidharan, K. (2009). Detection of *Aspergillus* spp. and aflatoxin B1 in rice in India. *Food Microbiology*, 26(1), 27–31. <https://doi.org/10.1016/j.fm.2008.07.013>
- Retana, K., Ramírez-Coché, J. A., Castro, O., & Blanco-Meneses, M. (2018). Caracterización morfológica y molecular de *Fusarium oxysporum* f.sp. *apii* asociado a la marchitez del apio en Costa Rica. *Agronomía costarricense*, 42(1), 115–126. <https://doi.org/10.15517/rac.v42i1.32199>
- Riera, N., Ramirez-Villacis, D., Barriga-Medina, N., Alvarez-Santana, J., Herrera, K., Ruales, C., & Leon-Reyes, A. (2019). First Report of Banana Anthracnose Caused by *Colletotrichum gloeosporioides* in Ecuador. *Plant Disease*, 103(4), 763–763. <https://doi.org/10.1094/PDIS-01-18-0069-PDN>
- Rivas, F., & Herrera, L. (2015). Organismos asociados a la pudrición del cogollo de la palma aceitera (*Elaeis guineensis* Jacq) en San Lorenzo, Ecuador. *Revista de Protección Vegetal*, 30(3), 193–203.

- Rodrigues, K. F., Sieber, T. N., Grünig, C. R., & Holdenrieder, O. (2004). Characterization of *Guignardia mangiferae* isolated from tropical plants based on morphology, ISSR-PCR amplifications and ITS1–5.8S-ITS2 sequences. *Mycological Research*, 108(1), 45–52. <https://doi.org/10.1017/S0953756203008840>
- Rodríguez-Ortega, D. G. (2017). *Análisis fenotípico y genético de la resistencia a mancha angular (Pseudo cercospora griseola) en el cultivo de frijol común (Phaseolus vulgaris)* [Tesis de Licenciatura, Universidad de Puerto Rico]. Repositorio de la Universidad de Puerto Rico. <https://hdl.handle.net/20.500.11801/642>
- Rodríguez Solís, J. A. (2018). *Lasiodiplodia theobromae y Fusarium proliferatum en plantas jóvenes de Tectonagrandis (L. F.)*. [Tesis de Licenciatura, Instituto Tecnológico de Costa Rica]. Repositorio del Instituto Tecnológico de Costa Rica. <https://bit.ly/3u9v0mC>
- Rojas, E. I., Rehner, S. A., Samuels, G. J., Van Bael, S. A., Herre, E. A., Cannon, P., Chen, R., Pang, J., Wang, R., Zhang, Y. -Q., Peng, Y., & Sha, T. (2010). *Colletotrichum gloeosporioides* s.l. associated with *Theobroma cacao* and other plants in Panamá: multilocus phylogenies distinguish host-associated pathogens from asymptomatic endophytes. *Mycologia*, 102(6), 1318–1338. <https://doi.org/10.3852/09-244>
- Ruiz Campos, C. C. (2016). *Distribución y frecuencia de Colletotrichum spp. en la fruta de papaya (Carica papaya L.) híbrido "Pococi" en las zonas productoras de Parrita, Guácimo y San Carlos* [Tesis de Licenciatura, Universidad de Costa Rica]. Repositorio de la Universidad de Costa Rica. <https://bit.ly/3jpZRoV>
- Saalau-Rojas, E., Barrantes-Santamaría, W., Loria-Quirós, C. L., Brenes-Angulo, A., & Gómez-Alpizar, L. (2009). Identificación mediante PCR del sexo de la papaya (*Carica papaya* L.), híbrido "pococi". *Agronomía Mesoamericana*, 20(2), 311–317. <https://doi.org/10.15517/AM.V20I2.4947>
- Sabater-Vilar, M., Suñé-Colell, E., Castro-Chinchilla, J., & Sáenz-Murillo, M. V. (2018). Reduction of postharvest rotting with an ethylene absorbent: a case study with pineapple. *Acta Horticulturae*, 1194, 721–728. <https://doi.org/10.17660/ActaHortic.2018.1194.103>
- Sangeetha, G., Anandan, A., & Usha Rani, S. (2012). Morphological and molecular characterisation of *Lasiodiplodia theobromae* from various banana cultivars causing crown rot disease in fruits. *Archives of Phytopathology and Plant Protection*, 45(4), 475–486. <https://doi.org/10.1080/03235408.2011.587986>
- Sanger, F., Nicklen, S., & Coulson, A. R. (1977). DNA sequencing with chain-terminating inhibitors. *Proceedings of the National Academy of Sciences*, 74(12), 5463–5467. <https://doi.org/10.1073/pnas.74.12.5463>
- Sanewski, G., Ko, L., Innes, D., Kilian, A., Carling, J., & Song, J. (2017). DArTseq molecular markers for resistance to *Phytophthora cinnamomi* in pineapple (*Ananas comosus* L.). *Australasian Plant Pathology*, 46, 499–509. <https://doi.org/10.1007/s13313-017-0512-1>
- Schena, L., Nigro, F., Ippolito, A., & Gallitelli, D. (2004). Real-time quantitative PCR: a new technology to detect and study phytopathogenic and antagonistic fungi. *European Journal of Plant Pathology*, 110, 893–908. <https://doi.org/10.1007/s10658-004-4842-9>
- Schoch, C. L., Seifert, K. A., Huhndorf, S., Robert, V., Spouge, J. L., Levesque, C. A., Chen, W., & Fungal Barcoding Consortium. (2012). Nuclear ribosomal internal transcribed spacer (ITS) region as a universal DNA barcode marker for fungi. *Proceedings of the National Academy of Sciences*, 109(16), 6241–6246. <https://doi.org/10.1073/pnas.1117018109>
- Schrank, A., & Henning Vainstein, M. (2010). *Metarhizium anisopliae* enzymes and toxins. *Toxicon*, 56(7), 1267–1274. <https://doi.org/10.1016/j.toxicon.2010.03.008>
- Schroers, H. -J., O'Donnell, K., Lamprecht, S. C., Kammeyer, P. L., Johnson, S., Sutton, D. A., Rinaldi, M. G., Geiser, D. M., & Summerbell, R. C. (2009). Taxonomy and phylogeny of the *Fusarium dimerum* species group. *Mycologia*, 101(1), 44–70. <https://doi.org/10.3852/08-002>
- Selbmann, L., Stingle, F., & Petruccioli, M. (2003). Exopolysaccharide production by filamentous fungi: the example of *Botryosphaeria rhodina*. *Antonie Van Leeuwenhoek*, 84, 135–145. <https://doi.org/10.1023/A:1025421401536>
- Senanayake, I. C., Lian, T. T., Mai, X. M., Jeewon, R., Maharachchikumbura, S. S. N., Hyde, K. D., Zeng, Y. J., Tian, S. L., & Xie, N. (2020). New geographical records of *Neopestalotiopsis* and *Pestalotiopsis* species in Guangdong Province, China. *Asian Journal of Mycology*, 3(1), 512–533. <https://doi.org/10.5943/ajom/3/1/19>

- Serani, S., Taligoola, H. K., & Hakiza, G. J. (2007). An investigation into *Fusarium* spp. associated with coffee and banana plants as potential pathogens of robusta coffee. *African Journal of Ecology*, 45(s1), 91–95. <https://doi.org/10.1111/j.1365-2028.2007.00744.x>
- Sharma, G., & Shenoy, B. D. (2014). *Colletotrichum fructicola* and *C. siamense* are involved in chilli anthracnose in India. *Archives of Phytopathology and Plant Protection*, 47(10), 1179–1194. <https://doi.org/10.1080/03235408.2013.833749>
- Shoemaker, R. A., & Simpson, J. A. (1981). A new species of *Pestalotia* on pine with comments on the generic placement of the anamorph. *Canadian Journal of Botany*, 59(6), 951–955. <https://doi.org/10.1139/b81-135>
- Sivaprakasam, E., Kavitha, D., Balakumar, R., Sridhar, S., & Suresh-Kumar, J. (2011). Antimicrobial activity of whole fruiting bodies of *Trametes hirsuta* (Wulf. Fr.) Pil. against some common pathogenic bacteria and fungus. *International Journal of Pharmaceutical Sciences and Drug Research*, 3(3), 219–221. <https://www.ijpsdr.com/index.php/ijpsdr/article/view/315>
- Skovgaard, K., Nirenberg, H. I., O'Donnell, K., & Rosendahl, S. (2001). Evolution of *Fusarium oxysporum* f. sp. *vasinfectum* races inferred from multigene genealogies. *Phytopathology*, 91(12), 1231–1237. <https://doi.org/10.1094/PHTO.2001.91.12.1231>
- Soltani, J., & Moghaddam, M. S. H. (2014). Diverse and bioactive endophytic *Aspergilli* inhabit Cupressaceae plant family. *Archives of Microbiology*, 196, 635–644. <https://doi.org/10.1007/s00203-014-0997-8>
- Soltis, D. E., Moore, M. J., Burleigh, G., & Soltis, P. S. (2009). Molecular markers and concepts of plant evolutionary relationships: Progress, promise, and future prospects. *Critical Reviews in Plant Science*, 28, 1–15. <https://doi.org/10.1080/07352680802665297>
- Sousa, E. S., Melo, M. P., Mota, J. M., Sousa, E. M. J., Beserra, J. E. A., & Matos, K. S. (2017). First report of *Fusarium falciforme* (FSSC 3 + 4) causing root rot in lima bean (*Phaseolus lunatus* L.) in Brazil. *Plant Disease*, 101(11), 1954–1954. <https://doi.org/10.1094/PDIS-05-17-0657-PDN>
- Stępień, L., Koczyk, G., & Waśkiewicz, A. (2013). Diversity of *Fusarium* species and mycotoxins contaminating pineapple. *Journal of Applied Genetics*, 54, 367–380. <https://doi.org/10.1007/s13353-013-0146-0>
- Su, Y. -Y., Noireung, P., Liu, F., Hyde, K. D., Moslem, M. A., Bahkali, A. H., Abd-Elsalam, K. A., & Cai, L. (2011). Epitypification of *Colletotrichum musae*, the causative agent of banana anthracnose. *Mycoscience*, 52(6), 376–382. <https://doi.org/10.1007/S10267-011-0120-9>
- Summerell, B. A. (2019). Resolving *Fusarium*: Current status of the genus. *Annual Review of Phytopathology*, 57(1), 323–339. <https://doi.org/10.1146/annurev-phyto-082718-100204>
- Taribuka, J., Wibowo, A., Widyastuti, S. M. & Sumardiyono, C. (2017). Potency of six isolates of biocontrol agents endophytic Trichoderma against fusarium wilt on banana. *Journal of Degraded and Mining Lands Management*, 4(2), 723–731. <https://doi.org/10.15243/jdmlm.2017.042.723>
- Tarnowski, T. L., Pérez-Martínez, J. M., & Ploetz, R. C. (2010). Fuzzy pedicel: A new postharvest disease of banana. *Plant Disease*, 94(5), 621–627. <https://doi.org/10.1094/PDIS-94-5-0621>
- Uribe-Loría, L., Castro-Barquero, L., Arauz-Cavallini, F., Henríquez-Henríquez C., & Blanco-Meneses M. (2014). Pudrición basal causada por *Phytophthora capsici* en plantas de chile tratadas con vermicompost. *Agronomía Costarricense*, 25(2), 243–253. <https://doi.org/10.15517/am.v25i2.15427>
- Van Hove, F., Waalwijk, C., Logrieco, A., Munaut, F. & Moretti, A. (2011). *Gibberella musae* (*Fusarium musae*) sp. nov., a recently discovered species from banana is sister to *F. verticillioides*. *Mycologia*, 103(3), 570–585. <https://doi.org/10.3852/10-038>
- Verkley, G. J. M., Dukik, K., Renfurm, R., Goker, M., & Stielow, J. B. (2014). Novel genera and species of coniothyrium-like fungi in *Montagnulaceae* (Ascomycota). *Persoonia*, 32, 25–51. <https://doi.org/10.3767/003158514X679191>
- Wang, N., Chu, Y., Wu, F., Zhao, Z., & Xu, X. (2017). Decolorization and degradation of Congo red by a newly isolated white rot fungus, *Ceriporia lacerata*, from decayed mulberry branches. *International Biodeterioration & Biodegradation*, 117, 236–244. <https://doi.org/10.1016/j.ibiod.2016.12.015>

- Wang, X., Radwan M. M., Taráwneh, A. H., Gao, J., Wedge, D. E., Rosa, L. H., Cutler, H. G., & Cutler, S. J. (2013). Antifungal activity against plant pathogens of metabolites from the endophytic fungus *Cladosporium cladosporioides*. *Journal of Agricultural and Food Chemistry*, 61(19), 4551–4555. <https://doi.org/10.1021/jf400212y>
- Wang, L., Zhang, S., Li, J. -H. & Zhang, Y. -J. (2018). Mitochondrial genome, comparative analysis and evolutionary insights into the entomopathogenic fungus *Hirsutella thompsonii*. *Environmental Microbiology*, 20(9), 3393–3405. <https://doi.org/10.1111/1462-2920.14379>
- White, T.J., Bruns, T., Lee, S., & Taylor, J. (1990). Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics. In M. A. Innis, D. H. Gelfand, J. J. Sninsky, & T. J. White (Eds.), *PCR Protocols: A guide to methods and applications* (pp. 315–322). Academic Press.
- Whyte, A. C., Gloer, J. B., Wicklow, D. T., & Dowd, P. F. (1996). Sclerotiamide: A New Member of the Paraherquamide Class with Potent Antiinsectan Activity from the Sclerotia of *Aspergillus sclerotiorum*. *Journal of Natural Products*, 59(11), 1093–1095. <https://doi.org/10.1021/np960607m>
- Wijesinghe, C. J., Wilson Wijeratnam, R. S., Samarasekara, J. K. R. R., & Wijesundera, R. L. C. (2011). Development of a formulation of *Trichoderma asperellum* to control black rot disease on pineapple caused by (*Thielaviopsis paradoxa*). *Crop Protection*, 30(3), 300–306. <https://doi.org/10.1016/j.cropro.2010.11.020>
- Wikee, S., Lombard, L., Crous, P. W., Nakashima, C., Motohashi, K., Chukeatirote, E., Alias, S. A., McKenzie, E. H. C., & Hyde, K. D. (2013). *Phyllosticta capitalensis*, a widespread endophyte of plants. *Fungal Diversity*, 60, 91–105. <https://doi.org/10.1007/s13225-013-0235-8>
- Wu, S. (2000). Six new species of *Phanerochaete* from Taiwan. *Botanical Bulletin of Academia Sinica*, 41, 165–174.
- Wu, H., Yang, H., You, X., & Li, Y. (2012). Isolation and characterization of saponin-producing fungal endophytes from *Aralia elata* in Northeast China. *International Journal of Molecular Science*, 13(12), 16255–16266. <https://doi.org/10.3390/ijms131216255>
- Xia, J. W., Sandoval-Denis, M., Crous, P. W., Zhang, X. G., & Lombard, L. (2019). Numbers to names - restyling the *Fusarium incarnatum*-*equiseti* species complex. *Persoonia - Molecular Phylogeny and Evolution of Fungi*, 43, 186–221. <https://doi.org/10.3767/persoonia.2019.43.05>
- Xia, X., Lie, T. K., Qian, X., Zheng, Z., Huang, Y., & Shen, Y. (2011). Species diversity, distribution, and genetic structure of endophytic and epiphytic *Trichoderma* associated with Banana Roots. *Microbial Ecology*, 61, 619–625. <https://doi.org/10.1007/s00248-010-9770-y>
- Yaling, L., Pongnak, W., & Kasem, S. (2014). Mushroom and macrofungi collection for screening bioactivity of some species to inhibit coffee anthracnose caused by *Colletotrichum coffeanum*. *Journal of Agricultural Technology*, 10(4), 845-861.
- Zad, S. J., & Koshnevece, M. (2001). Damping-off in conifer seedling nurseries in Noshahr and Kelardasht. *Mededelingen*, 66(2a), 91–93.
- Zhang, A. W., Hartman, G. L., Curio-Penny, B., Pedersen, W. L., & Becker, K. B. (1999). Molecular detection of *Diaporthe phaseolorum* and *Phomopsis longicolla* from soybean seeds. *Phytopathology*, 89(9), 796–804. <https://doi.org/10.1094/PHYTO.1999.89.9.796>
- Zheng, Y. -K., Qiao, X. -G., Miao, C. -P., Liu, K., Chen, Y. -W., Xu, L. -H., & Zhao, L. -X. (2016). Diversity, distribution and biotechnological potential of endophytic fungi. *Annals of Microbiology*, 66, 529–542. <https://doi.org/10.1007/s13213-015-1153-7>
- Zimmermann, G. (2007). Review on safety of the entomopathogenic fungi *Beauveria bassiana* and *Beauveria brongniartii*. *Biocontrol Science and Technology*, 17(6), 553-596. <https://doi.org/10.1080/09583150701309006>
- Zimowska, B. (2011). Characteristics and occurrence of *Phoma* spp. on herbs from the family Lamiaceae. *Acta Scientiarum Polonorum Hortorum Cultus*, 10(2), 213-224.

NOTAS

- 1 Aceptación: 18 de noviembre, 2021. Este trabajo formó parte de los datos generados a partir del proyecto inscrito en Vicerrectoría de Acción Social ED2811, Universidad de Costa Rica.

ENLACE ALTERNATIVO

<https://revistas.ucr.ac.cr/index.php/agromeso/index> (html)