



Acta Bioquímica Clínica Latinoamericana

ISSN: 0325-2957

ISSN: 1851-6114

actabioq@fbpba.org.ar

Federación Bioquímica de la Provincia de Buenos Aires
Argentina

Bernstein, Judith; Stagnaro, Juan Pablo; Schell, Celia; Córdoba, Alejandra; Molina, Nora;
Vila Roza, Verónica; Basualdo Farjat, Juan Ángel; Lissarrague, Sabina; Sparo, Mónica
Caracterización fenotípica de variantes pequeñas de *Staphylococcus aureus*: un nuevo desafío
Acta Bioquímica Clínica Latinoamericana, vol. 53, núm. 3, 2019, Septiembre-, pp. 331-336
Federación Bioquímica de la Provincia de Buenos Aires
Argentina

Disponible en: <https://www.redalyc.org/articulo.oa?id=53562084009>

- Cómo citar el artículo
- Número completo
- Más información del artículo
- Página de la revista en redalyc.org

UAEH
redalyc.org

Sistema de Información Científica Redalyc
Red de Revistas Científicas de América Latina y el Caribe, España y Portugal
Proyecto académico sin fines de lucro, desarrollado bajo la iniciativa de acceso
abierto

Caracterización fenotípica de variantes pequeñas de *Staphylococcus aureus*: un nuevo desafío

► Sabina Lissarrague¹, Judith Bernstein², Juan Pablo Stagnaro³, Celia Schell¹, Alejandra Córdoba⁴, Nora Molina⁵, Verónica Vila Roza⁶, Juan Ángel Basualdo Farjat², Mónica Sparo^{7*}

Resumen

En infecciones crónicas y recurrentes por *Staphylococcus aureus* se han descrito subpoblaciones de colonias pequeñas (VCPSa). El objetivo de este trabajo fue reconocer las características fenotípicas de VCPSa para optimizar su detección y caracterización a partir de materiales clínicos provenientes de infecciones crónicas. Se analizaron n=3 VCPSa de pacientes adultos con infecciones crónicas de tejidos blandos. Las muestras se inocularon en agar nutritivo, agar sangre; agar chocolate y agar Schaedler suplementado. Se realizaron tinción de Gram, catalasa, coagulasa libre, pruebas de dependencia para hemina, menadiona y timidina y, desarrollo/ataque del manitol en agar manitol salado. La sensibilidad antibiótica se efectuó en agar Mueller Hinton suplementado, según las pruebas de dependencia. Se investigó la presencia de proteína ligadora de penicilina anómala (PBP2') por aglutinación con látex. Las VCPSa se detectaron en los medios de cultivo enriquecidos. Estas bacterias dieron positivas las pruebas de catalasa y coagulasa, y eran dependientes de menadiona y hemina. En los tres aislamientos se observó resistencia a cefoxitina y se detectó la PBP2'.

Palabras clave: *Staphylococcus aureus*; Variante colonias pequeñas; Infecciones crónicas de tejidos blandos; Caracterización fenotípica

Phenotypic characterization of small colony variants of Staphylococcus aureus: a new challenge

Abstract

In chronic and recurrent infections, small colonies of Staphylococcus aureus subpopulations (SCVsa) have been observed. The objective of the present study was to recognize the phenotypic characteristics of SCVsa isolated from patients with chronic infections to optimize their detection. SCVsa of adult patients n=3 with chronic soft tissue infections were analyzed. Samples were inoculated on nutritive agar, blood-agar, chocolate agar and supplemented Schaedler agar. Subsequently, Gram stain, catalase, free coagulase, dependence tests for hemin, menadione and thymidine, and growth/fermentation of mannitol on salt mannitol agar were performed. Antibiotic susceptibility tests were performed by the agar dif-

¹ Bioquímica.

² Dr./a. en Medicina.

³ Médico. Especialista en Infectología.

⁴ Dra. en Ciencias Médicas.

⁵ Bioquímica. Msc en Ciencias del Laboratorio Clínico (UNLP).

⁶ Bacterióloga Clínica e Industrial.

⁷ Bioquímica. Dra. de la Universidad de Buenos Aires.

Catedra de Microbiología y Parasitología (CUD-DEMyP), Facultad de Ciencias Médicas, UNLP, sede Tandil - Hospital Municipal Ramón Santamarina. Calle Paz 1400 (CP 7000), Ciudad de Tandil, Provincia de Bs. As., República Argentina.

* Autor para correspondencia

Acta Bioquímica Clínica Latinoamericana

Incorporada al Chemical Abstract Service.

Código bibliográfico: ABCLDL.

ISSN 0325-2957 (impresa)

ISSN 1851-6114 (en línea)

ISSN 1852-396X (CD-ROM)

fusion method on supplemented Mueller Hinton agar, according to dependence assays results. Anomalous penicillin binding protein (PBP2') was investigated by latex agglutination. SCVSA were detected in all enriched culture media. They showed catalase and coagulase activities, and menadione and hemin dependence. By the agar diffusion test, cefoxitin resistance was found in all isolates; PBP2' was detected as well.

Keywords: *Staphylococcus aureus*; Small colony variants; Chronic soft tissue infections; Phenotypic characterization

Caracterização fenotípica de pequenas variantes de *Staphylococcus aureus*: um novo desafio

Resumo

Nas infecções crônicas e recorrentes por *Staphylococcus aureus*, subpopulações de pequenas colônias (VCPSa) foram descritas. O objetivo desse trabalho foi reconhecer as características fenotípicas de VCPSa para otimizar sua detecção e caracterização a partir de materiais clínicos provenientes de infecções crônicas. Foram analisados n=3 VCPSa de pacientes adultos com infecções crônicas de tecidos moles. As amostras foram inoculadas em agar nutritivo, agar sangue, agar chocolate e agar Schaedler enriquecido. Foram realizados testes de coloração de Gram, catalase, coagulase livre, testes de dependência para hemina, menadiona e timidina, e desenvolvimento/fermentação do manitol em agar manitol salgado. A sensibilidade antibiótica foi realizada em agar Mueller Hinton suplementado, de acordo com os testes de dependência. Foi investigada a presença de proteína ligante de penicilina anômala (PBP2') por aglutinação com látex. Os VCPSa foram detectados em meios de cultura enriquecidos. Estas bactérias deram positivas nos testes de catalase e coagulase positivos e eram dependentes de menadiona e hemina. A resistência à cefoxitina foi detectada nos três isolados e detectou-se a PBP2'.

Palavras-chave: *Staphylococcus aureus*; Variante colônias pequenas; Infecções crônicas de tecidos moles; Caracterização fenotípica

Introducción

Staphylococcus aureus es una bacteria gram positiva que coloniza la piel y mucosas del hombre y que puede ocasionar infecciones de la comunidad y asociadas a los cuidados de la salud. El espectro de patologías que puede producir abarca desde infecciones agudas localizadas leves hasta enfermedades con elevada morbi-mortalidad, como son neumonía, osteomielitis y endocarditis. Cuando *S. aureus* es agente causal de infecciones crónicas y recurrentes, han sido descritas subpoblaciones visualizadas en los medios de aislamiento como colonias pequeñas (variantes colonias pequeñas, VCPSa) y que se pueden originar por mutación espontánea o pueden estar inducidas por la presencia de antibióticos. Las mutaciones suceden en genes implicados en la biosíntesis de menadiona, hemina o timidina, sustratos involucrados en la cadena transportadora de electrones y en la síntesis de ADN. Esta anomalía tiene como consecuencia una producción disminuida de ATP. Las VCPSa presentan crecimiento lento con rasgos distintivos fenotípicos y patogénicos (1-4).

El grupo con riesgo para adquirir infecciones con VCPSa está integrado por pacientes con terapia antimicrobiana prolongada como los que padecen fibrosis

quística, infecciones osteoarticulares crónicas e infecciones originadas por la introducción de dispositivos médicos permanentes como marcapasos (5-7).

El lento y deficiente crecimiento *in vitro* de las VCPSa representa un desafío para el laboratorio de Microbiología Clínica, ya sea para su aislamiento inicial y caracterización fenotípica de especie como para la realización de las pruebas de sensibilidad a los antimicrobianos. Un problema particular para la terapia antimicrobiana es la combinación del fenotipo VCPSa y la resistencia a la metilicina (8). El objetivo de este trabajo fue reconocer las características fenotípicas de VCPSa para optimizar su detección y caracterización a partir de materiales clínicos provenientes de infecciones crónicas.

Materiales y Métodos

Características de los pacientes y muestras clínicas

Se analizaron tres aislamientos significativos provenientes de muestras clínicas obtenidas durante dos años, del 1 de julio de 2016 al 30 de junio de 2018, de pacientes adultos atendidos en el Hospital Ramón San-

tamarina de la Ciudad de Tandil (Provincia de Buenos Aires). Todos los pacientes fueron de género masculino, mayores de 65 años, con infecciones crónicas de tejidos blandos y habían recibido terapia antimicrobiana previa prolongada. Todos presentaron enfermedades de base: dos pacientes con diabetes tipo I y uno con insuficiencia renal crónica.

Muestras clínicas: Un absceso en tejido blando adyacente a prótesis de rodilla izquierda (HRS16341); un absceso en tejido blando adyacente a prótesis de cadera derecha (HRS17352), y una colección en tejido subcutáneo adyacente a marcapasos (HRS18378).

Aislamiento y caracterización fenotípica de VCPSa

Para la detección de VCPSa las muestras se inocularon en agar nutritivo, agar base Columbia sangre de carnero al 5% y agar chocolate. Los cultivos se incubaron 96 h a $35 \pm 2^\circ\text{C}$ en atmósfera ordinaria y enriquecida con 5% de CO_2 con observación diaria. Además, las muestras se inocularon en agar Schaedler (Biokar Diagnostics) con 0,1% de vitamina K_1 y 5% de sangre de carnero desfibrinada y fueron incubadas en microaerobiosis.

Para la caracterización fenotípica de los aislamientos compatibles con VCPSa se efectuó: tinción de Gram, prueba de catalasa (H_2O_2 al 3%), coagulasa libre en tubo (plasma de conejo estéril con EDTA) con lectura a las 2 h, 24 h, 48 h, 72 h y desarrollo y ataque al manitol en agar manitol salado (Laboratorios Britania, Buenos Aires, Argentina). De forma simultánea se realizó la caracterización de género y especie mediante el sistema automatizado VITEK Compact 2 (bioMérieux®, Argentina). Se consideraron a las colonias como puntiformes cuando su diámetro fue diez veces menor ($\leq 0,5$ mm) que el fenotipo normal de la bacteria.

Auxotrofia para hemina, menadiona y timidina

Para los ensayos de dependencia se utilizó agar Mueller Hinton (MH) suplementado con timidina (MHT, 5 $\mu\text{g}/\text{mL}$), menadiona (MHM, 1 $\mu\text{g}/\text{mL}$) y con hemina (MHH, 1 $\mu\text{g}/\text{mL}$), de acuerdo a Precit *et al.* (9). Además, se utilizaron combinaciones de suplementos (MHMH, MHMT, MHTH). Los medios se incubaron en atmósfera ordinaria a $35 \pm 2^\circ\text{C}$ durante 24 h y se reincubaron hasta 72 h en caso de resultado negativo. Un aislamiento fue considerado dependiente cuando creció en el medio MH suplementado con el correspondiente sustrato y no en agar MH sin suplemento.

Sensibilidad antimicrobiana

La sensibilidad antimicrobiana fue estudiada mediante el sistema VITEK (panel GP, bioMérieux®, Argentina) y por difusión con discos (Laboratorios Britania, Buenos Aires, Argentina) en medio MH suplementado,

según el resultado de las pruebas de dependencia. Se ensayaron los discos de cefoxitina (30 μg), eritromicina (15 μg), clindamicina (2 μg), linezolid (30 μg), ciprofloxacina (5 μg), minociclina (30 μg), gentamicina (10 μg), trimetoprima-sulfametoxazol (1,25/23,75 μg) y rifampicina (5 μg), de acuerdo a las recomendaciones del CLSI (10).

Como complemento para la búsqueda de resistencia a meticilina, en los tres aislamientos se investigó la presencia de la proteína ligadora de penicilina anómala (PBP2') mediante aglutinación con látex (Oxoid) con un inóculo bacteriano equivalente al tubo Nro. 2 de la escala de McFarland (6×10^8 UFC/mL), siguiendo posteriormente las instrucciones del fabricante.

Para el control de calidad de todos los ensayos fenotípicos se utilizó la cepa *S. aureus* ATCC 25923.

Aspectos éticos

Los aislamientos bacterianos analizados provinieron de muestras clínicas utilizadas para el diagnóstico microbiológico de infecciones de tejidos blandos. Fueron manipulados en forma anónima, asegurando la absoluta confidencialidad de la información obtenida y a los únicos fines de la presente investigación, de acuerdo a la Ley de Protección de Datos Personales N° 25.326, art. 11, inciso 3, punto d, en línea con la Declaración de Helsinki.

Resultados

Las VCPSa se detectaron como pequeñas colonias puntiformes ($\leq 0,5$ mm) blancas en agar sangre y agar chocolate, en atmósfera ordinaria o enriquecida con CO_2 al 5%, a partir de las 48 h de incubación. No se obtuvo desarrollo en agar nutritivo y agar MH. Las colonias incubadas con atmósfera enriquecida con CO_2 no tuvieron mayor tamaño que las que desarrollaron en atmósfera ordinaria. Ninguno de los aislamientos presentó hemólisis ni pigmento. En los tres aislamientos la inoculación en agar Schaedler suplementado permitió restaurar el fenotipo normal de *S. aureus*. Cuando se realizó la coloración de Gram de las colonias desarrolladas en todos los medios de aislamiento enriquecidos se observaron cocos gram positivos compatibles con *Staphylococcus* spp.

En su caracterización fenotípica no se obtuvo desarrollo en agar manitol salado en ninguno de los tres aislamientos en relación a su caracterización fenotípica. La catalasa fue positiva débil y la prueba de coagulasa libre dio positiva en todos los aislamientos en forma retardada, entre las 48-72 h de incubación (Tabla I).

En relación a su caracterización fenotípica, no se obtuvo desarrollo en agar manitol salado en los tres aislamientos. La catalasa fue positiva débil y la prueba de coagulasa

Tabla I. Características fenotípicas de los aislamientos de VCPSa.

Aislamiento	Desarrollo en:			Catalasa	Coagulasa (h)				Desarrollo en:						PBP2'
	As/Ach	ATS/MH	Sch		2	24	48	72	T	M	H	MH	MT	HT	
HRS16341	+	-	+	+ débil	-	-	+	+	-	-	-	+	-	-	+
HRS17352	+	-	+	+ débil	-	-	+	+	-	-	-	+	-	-	+
HRS18378	+	-	+	+ débil	-	-	-	+	-	-	-	+	-	-	+

As/Ach, agar sangre/agar chocolate. Sch, agar Schaedler enriquecido. ATS, agar nutritivo, Agar MH con: T, timidina; M, menadiona, H, hemina; MH, menadiona y hemina; MT, menadiona y timidina; HT, hemina y timidina. PBP2': proteína ligadora de penicilina anómala.

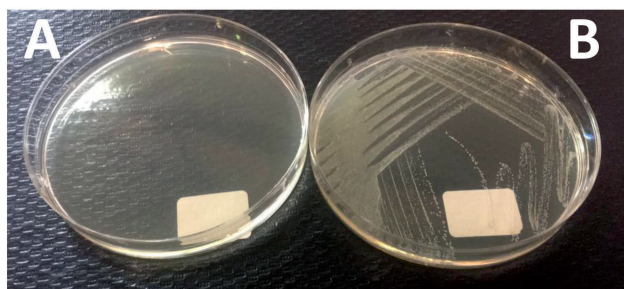


Figura 1. Ensayos de dependencia.

A: MH sin suplementar. B: MH suplementado con menadiona y hemina (MHMH), luego de 24 h de incubación en atmósfera ordinaria.

libre dio positiva en todos los aislamientos de forma retardada, entre las 48-72 h de incubación (Tabla I).

Las lecturas de los resultados utilizando el sistema VITEK (tarjetas GP) fueron las siguientes: HRS16341 y HRS18378, *Kocuria kristinae* y HRS17352, sin identificación.

Sensibilidad a los antibióticos

Mediante el método de difusión en agar MHMH los tres aislamientos resultaron resistentes a gentamicina y cefoxitina. En uno de ellos (HRS18378), además, se observó resistencia a ciprofloxacina. Se detectó la PBP2' en los tres aislamientos. El sistema VITEK informó a los tres aislamientos como sensibles a todos los antimicrobianos ensayados, interpretándolos como *S. aureus* sensibles a meticilina.

Discusión y Conclusiones

En esta investigación se han descrito las características fenotípicas de tres VCPSa aisladas de infecciones crónicas de piel y partes blandas. Este fenotipo ha sido observado por otros autores en infecciones respiratorias provenientes de pacientes con fibrosis quística, infecciones osteoarticulares y otras relacionadas con dispositivos médicos permanentes (5) (8) (11).

En los pacientes del presente estudio el único fenotipo presente en el cultivo inicial fue VCPSa. Sin embar-

go se ha descrito que las VCPSa en ocasiones pueden coexistir con *S. aureus* de apariencia normal. La utilización de medios suplementados y la incubación prolongada son fundamentales para su detección (2).

En el presente estudio todos los pacientes con VCPSa habían recibido gentamicina (local en la prótesis o sistémica) de forma prolongada y presentaron dependencia de menadiona y hemina. Kahl (12) observó que la exposición continua a los aminoglucósidos favorece la selección de VCPSa dependientes de hemina y menadiona; la disminución en el potencial transmembrana observado en estas bacterias afecta la actividad de los aminoglucósidos (11). Este evento es más frecuente en pacientes con infecciones de piel y tejidos blandos. La reversión obtenida en los tres aislamientos con el agregado de suplementos, menadiona y hemina, concuerda con lo que ha sido descrito en la literatura (6) (12) (13). Proctor *et al* (2) postularon que se originan a través de mutaciones en los genes *menD* y *hemB* que bloquean la síntesis de menaquinona, menadiona y hemina.

En esta investigación se comprobó que un medio indefinido, nutricionalmente rico, como el agar Schaedler suplementado, fue adecuado para restaurar el fenotipo normal de *S. aureus*, probablemente porque es una fuente de precursores metabólicos para la población de VCPSa. Este hecho también fue observado por otros autores (5) (14). Sin embargo, Delgado-Valverde *et al.* (15) con aislamientos de VCPSa dependientes de timidina, provenientes de pacientes con fibrosis quística no observaron la reversión fenotípica.

Es importante destacar que también han sido descritos aislamientos de VCPSa que solamente eran dependientes de CO₂. Estos fenotipos pueden revertir a uno normal cuando se incuban en atmósfera con CO₂ (16). No ha sido el caso de los aislamientos de este trabajo de investigación.

De acuerdo a la apariencia de las colonias de la VCPSa en los medios enriquecidos (agar sangre, agar chocolate) se pudieron caracterizar inicialmente como corinebacterias comensales o estreptococos no hemolíticos. La coloración de Gram habilitó la presunción de pertenencia al género *Staphylococcus*. Además, la prueba de catalasa positiva permitió diferenciar inicialmente VCPSa de *Enterococcus* spp. y *Streptococcus* spp., que son catalasa negativos.

Las características de desarrollo, con colonias pequeñas no hemolíticas y no pigmentadas, así como la producción lenta de coagulasa y la ausencia de ataque al manitol observados en este trabajo están en línea con lo encontrado por otros autores (6). La ausencia de hemólisis y la reacción de coagulasa lenta pueden estar relacionadas en parte con la disminución de la biosíntesis de aminoácidos y son las responsables de la identificación errónea como estafilococo coagulasa negativo (17) (18).

En esta investigación el sistema VITEK falló en la identificación y resistencia antimicrobiana en todos los aislamientos. Otros autores también han encontrado que los sistemas de identificación automáticos a menudo no logran caracterizar las VCPSa a nivel de género y especie. El lento desarrollo y su actividad bioquímica reducida podrían ser la causa del error. También se ha resaltado la falla en la determinación de la resistencia antimicrobiana de los sistemas automáticos (15) (19).

Kipp *et al.* (20) demostraron que los métodos de difusión y de microdilución pueden dar resultados de falsa sensibilidad a meticilina; la búsqueda de la proteína PBP2' resultó un método confiable para su pesquisa. En este trabajo de investigación la resistencia a meticilina con la utilización de medio suplementado (MHMH) coincidió con la presencia de la PBP2'. Delgado-Valverde *et al.* (15) y Precit *et al.* (9) también comprobaron la utilidad del medio MH suplementado para las pruebas de sensibilidad antimicrobiana.

Las VCPSa son más resistentes a algunos grupos de antibióticos que la cepa salvaje, como es el caso de los aminoglucósidos (9) (21) (22). Además, su lento crecimiento reduce la efectividad de los antibióticos β -lactámicos, con actividad sobre la pared celular en fase logarítmica de crecimiento (23).

En la actualidad hay evidencias que demuestran que *S. aureus*, y en especial las VCPSa, pueden persistir intracelularmente en el huésped por décadas (18). Esto modifica el concepto de *S. aureus* como un patógeno extracelular a uno con posibilidad de persistencia intracelular (24).

Finalmente, el tiempo de generación de VCPSa es de seis a nueve veces más prolongado que el de los fenotipos normales de *S. aureus*, lo que resulta en pequeñas colonias que con frecuencia no son visibles antes de 48 a 72 h de incubación. La utilización de agar Schaedler suplementado es una herramienta útil para su pesquisa. En consecuencia, el aislamiento, la identificación bioquímica y las pruebas de sensibilidad antimicrobiana representan un desafío para el laboratorio de Microbiología Clínica ya que puede ocurrir una subestimación en su diagnóstico y por lo tanto contribuir así a la falla terapéutica.

Financiamiento de la investigación

El presente trabajo de investigación ha sido realizado en el marco del proyecto acreditado Código M201, del Programa de incentivos Docentes-Investigadores SECyT-UNLP.

Conflicto de intereses

Los autores declaran no tener conflictos de intereses.

Correspondencia

Dra. MÓNICA SPARO

Catedra de Microbiología y Parasitología (CUDEMyP)
Facultad de Ciencias Médicas, UNLP, sede Tandil,
Hospital Municipal Ramón Santamarina
Calle Paz 1400
(CP 7000), Ciudad de TANDIL, Provincia de Bs. As.
Correo electrónico: monicasparo@gmail.com

Referencias bibliográficas

1. Proctor RA, Bates DM, McNamara PJ. Emerging Infections 5. En: Scheld W, Craig W, Hughes J, editors. Electron transport deficient *Staphylococcus aureus* small-colony variants as emerging pathogens. Washington: ASM Press; 2001. p. 95-110.
2. Proctor RA, Von Eiff C, Kall BC, Becker K, Mcnamara P, Herrmann M, *et al.* Small colony variants: a pathogenic form of bacteria that facilitates persistent and recurrent infections. *Nature Rev Microbiol* 2006; 4: 295-305.
3. Chatterjee I, Kriegeskorte A, Fischer A, Deiwick S, Theimann N, Proctor RA, *et al.* In vivo mutations of thymidylate synthase (encoded by *thyA*) are responsible for thymidine dependency in clinical small-colony variants of *Staphylococcus aureus*. *J Bacteriol* 2008; 190: 834-42.
4. L  nnerg  rd J, Von Eiff C, Sander G, Cordes T, Seggewiss J, Hughes D, *et al.* Identification of the genetic basis for clinical menadione-auxotrophic small-colony variant isolates of *S. aureus*. *Antimicrob Agents Chemother* 2008; 52: 4017-22.
5. Kahl B, Hermann M, Everding AS, Kroch HG, Becker K, Proctor RA, *et al.* Persistent infection with small colony variants strains of *Staphylococcus aureus* in patients with cystic fibrosis. *J Infect Dis* 1998; 177: 1023-9.
6. Melter O, Radojevi   B. Small colony variants of *Staphylococcus aureus*—review. *Folia Microbiol* 2010; 55: 548-58.
7. Maduka-Ezeh A, Seville MT, Kusne S, Vikram HR, Blair JE, Patel R, *et al.* Thymidine auxotrophic *Staphylococcus aureus* small-colony variant endocarditis and left ventricular assist device infection. *J Clin Microbiol* 2012; 50: 1102-5.
8. Seifert H, Wisplinghoff H, Schnabel HP, von Eiff C. Small colony variants (SCVs) of *Staphylococcus aureus* as a cause of pacemaker-related infection. *Emerg Infect Dis* 2003; 9: 1316-8.
9. Precit MR, Wolter DJ, Griffith A, Emerson J, Burns JL, Hoffman LR. Optimized *in vitro* antibiotic susceptibility testing method for small-colony variant *Staphylococ-*

- cus aureus*. Antimicrob Agents Chemother 2016; 60: 1725–35.
10. Clinical and Laboratory Standards Institute. Performance standards for antimicrobial susceptibility testing. 27th. ed. M100. Wayne, PA. CLSI. 2017.
 11. von Eiff C, Bettin D, Proctor RA, Rolauffs B, Lindner N, Winkelmann W, *et al.* Recovery of small colony variants of *Staphylococcus aureus* following gentamicin bead placement for osteomyelitis. Clin Infect Dis 1997; 25: 1250–1.
 12. Kahl B. Small colony variants (SCVs) of *Staphylococcus aureus*-a bacterial survival strategy. Infect Genet Evol 2014; 21: 515–22.
 13. von Eiff C. *Staphylococcus aureus* small colony variants: a challenge to microbiologist and clinicians. Int J Antimicrob Agents 2008; 31: 507–10.
 14. Scheneider M, Mühlemann K, Droz S, Couzinet S, Casaulta C, Zimmerli S. Clinical characteristics associated with isolation of small-colony variants of *Staphylococcus aureus* and *Pseudomonas aeruginosa* from respiratory secretions of patients with cystic fibrosis. J Clin Microbiol 2008; 46: 1832–4.
 15. Delgado-Valverde M, Fernández-Echauri P, Batista-Díaz N, Pascual-Hernández A. Variantes pequeñas de *Staphylococcus aureus*: utilidad de distintas pruebas para su diagnóstico y estudio de sensibilidad. Enferm Infecc Microbiol Clin 2014; 32: 96–9.
 16. Gómez-González C, Acosta J, Villa J, Barrado L, Sanz F, Chaves F, *et al.* Clinical and molecular characteristics of infections with CO₂-dependent small-colony variants of *Staphylococcus aureus*. J Clin Microbiol 2010; 48: 2878–84.
 17. Proctor RA, van Langevelde P, Kristjansson M, Maslow JN, Arbeit RD. Persistent and relapsing infections associated with small colony variants of *Staphylococcus aureus*. Clin Infect Dis 1995; 20: 95–102.
 18. Proctor RA, Peters G. Small colony variants in staphylococcal infections: diagnostic and therapeutic implications. Clin Infect Dis 1998; 27: 419–23.
 19. Becker K, Harmsen D, Mellmann A, Meier C, Schumann P, Peters G, *et al.* Development and evaluation of a quality controlled ribosomal sequence database for 16S ribosomal DNA-based identification of *Staphylococcus* species. J Clin Microbiol 2004; 42: 4988–95.
 20. Kipp F, Becker K, Peters G, von Eiff C. Evaluation of different methods to detect methicillin resistance in small-colony variants of *Staphylococcus aureus*. J Clin Microbiol 2004; 42: 1277–9.
 21. Balwit JM, van Langevelde P, Vann JM, Proctor RA. Gentamicin-resistant menadione and hemin auxotrophic *Staphylococcus aureus* persist within cultured endothelial cells. J Infect Dis 1994; 170: 1033–7.
 22. Baumert N, von Eiff C, Schaaff F, Peters G, Proctor RA, Sahl HG. Physiology and antibiotic susceptibility of *Staphylococcus aureus* small colony variants. Microb Drug Resist 2002; 8: 253–60.
 23. Chambers HF, Miller MM. Emergence of resistance to cephalothin and gentamicin during combination therapy for methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* endocarditis in rabbits. J Infect Dis 1987; 155: 581–5.
 24. Sendi P, Proctor RA. *Staphylococcus aureus* as an intracellular pathogen: the role of small colony variants. Trends Microbiol 2009; 17: 54–8.

Recibido: 21 de noviembre de 2018

Aceptado: 11 de julio de 2019