



Biotecnia

ISSN: 1665-1456

Universidad de Sonora, División de Ciencias Biológicas y de la Salud

Castro-del Ángel, Epifanio; Hernández-Castillo, Francisco
Daniel; Gallegos-Morales, Gabriel; Ochoa Fuentes, Yisa María
Bacterias endófitas y su efecto en la inducción de resistencia sistémica
en el cultivo de frijol contra *Rhizoctonia solani* y *Fusarium oxysporum*
Biotecnia, vol. 23, núm. 3, 2021, pp. 167-174
Universidad de Sonora, División de Ciencias Biológicas y de la Salud

DOI: <https://doi.org/10.18633/biotecnia.v23i3.1504>

Disponible en: <https://www.redalyc.org/articulo.oa?id=672971079020>

- Cómo citar el artículo
- Número completo
- Más información del artículo
- Página de la revista en redalyc.org



Sistema de Información Científica Redalyc
Red de Revistas Científicas de América Latina y el Caribe, España y Portugal
Proyecto académico sin fines de lucro, desarrollado bajo la iniciativa de acceso
abierto



Bacterias endófitas y su efecto en la inducción de resistencia sistémica en el cultivo de frijol contra *Rhizoctonia solani* y *Fusarium oxysporum*

Endophytic bacteria and their effect on the induction of systemic resistance in bean crop against *Rhizoctonia solani* and *Fusarium oxysporum*

Epifanio Castro-del Ángel, Francisco Daniel Hernández-Castillo*, Gabriel Gallegos-Morales, Yisa María Ochoa Fuentes

Departamento de Parasitología. Universidad Autónoma Agraria Antonio Narro. Calzada Antonio Narro 1923, C.P. 25315, Saltillo, Coahuila, México.

RESUMEN

El cultivo del frijol es afectado por diversas enfermedades en las que destaca la marchitez causada por *Rhizoctonia solani* y *Fusarium* spp. El manejo de estos patógenos principalmente se realiza mediante el uso de compuestos químicos los cuales contaminan el ambiente, son tóxicos para el humano, desarrollan resistencia en los fitopatógenos y además aumentan los costos de producción. El objetivo del presente estudio fue evaluar la respuesta de inducción de resistencia mediante la inoculación de bacterias endófitas contra *R. solani* y *F. oxysporum*. Se utilizaron plantas de frijol de 45 días de edad para determinar la concentración de proteínas (PR) y la actividad de peroxidasa (POD), fenilalanina amonio liasa (PAL) a las 6, 12, y 24 h después de la inoculación de los consorcios. Los resultados evidenciaron que los microorganismos endofíticos promueven los mecanismos de defensa en frijol, pudiendo propiciar resistencia contra *F. oxysporum* y *R. solani*.

Palabras clave: proteínas, peroxidasa, fenilalanina amonio liasa, marchitez del frijol.

ABSTRACT

Various diseases affect the bean crop, notably the wilt caused by *Rhizoctonia solani* and *Fusarium* spp. The management of these pathogens is mainly with the use of chemical compounds, all of which contribute to environmental pollution, are harmful to humans, phytopathogens develop resistance and increase production costs. The objective of this research was to evaluate the resistance induction response by inoculating endophytic bacteria against *R. solani* and *F. oxysporum*. Bean plants of 45 days old were utilized to determine PR protein concentration and the enzymatic activity of peroxidase (POD) and phenylalanine ammonia lyase (PAL) at 6, 12, and 24 h after consortia inoculation. The results showed that endophytic microorganisms have potential as inducers of defense mechanisms in beans, promoting resistance against *F. oxysporum* and *R. solani*.

Keywords: proteins, peroxidase, phenylalanine ammonium lyase, bean wilt disease.

INTRODUCCIÓN

Rhizoctonia solani Kühn (teleomorfo *Thanatephorus cucumeris*) y *Fusarium oxysporum* son importantes patógenos comunes de pudrición de la raíz y marchitez del frijol (*Phaseolus vulgaris* L.) (Oladzad *et al.*, 2019; Abd-El-Khair *et al.*, 2019). En los últimos años, el control biológico se ha convertido en una alternativa prometedora y ecológicamente amigable al control químico en el manejo de enfermedades de las plantas transmitidas por el suelo y se han introducido varios agentes de control biológico como posibles bio-fungicidas (Nasir *et al.*, 2018). Las bacterias endófitas son un grupo de microorganismos endosimbióticos diseminados entre las plantas; una asociación de plantas con bacterias endofíticas incluye una gran diversidad de taxones bacterianos y plantas hospedadoras (Tamosiune *et al.*, 2017). Investigaciones recientes han identificado especies bacterianas endofíticas y se ha informado cada vez más que reducen el crecimiento y la actividad de una plétora de fitopatógenos (Latha *et al.*, 2019). Las bacterias endofíticas pueden desempeñar un papel importante en el desarrollo de la mejora del crecimiento de las plantas, la fitorremediación, la solubilización de fosfatos, la fijación de nitrógeno, la modulación del metabolismo de las plantas y la señalización de fitohormonas que conducen a la adaptación del estrés biótico/abiótico ambiental (Muthukumar *et al.*, 2017). Indirectamente, las bacterias endofíticas pueden mejorar la salud de las plantas al atacar las plagas y patógenos con antibióticos, enzimas hidrolíticas, limitación de nutrientes y cebar las defensas de las plantas. Para conferir estos beneficios, las bacterias deben colonizar la endosfera de la planta después de colonizar la rizosfera (Afzal *et al.*, 2019). La inducción de resistencia se asocia a las proteínas relacionadas con la patogenia (proteínas PR) como grupo de las proteínas antifúngicas relacionadas con la defensa inducibles más importantes, que incluyen defensinas, tioninas, proteínas similares a la osmotina, proteínas similares a la taumatina, quitinasas, glucanasas, oxalato oxidasa o proteínas similares a la oxalato oxidasa y proteínas de transferencia de lípidos (Moosa *et al.*, 2017). La fenilalanina amonio liasa (Phenylalanine ammonia-lyase; PAL) cataliza el primer paso en la vía biosintética del fenilpropanoide a través de la desaminación de la fenilalanina en ácido transcinámico, un precursor de las vías biosintéticas de la lignina y los flavonoides. (Jun *et al.*, 2018, Gho *et al.*, 2020). La PAL juega un efecto

*Autor para correspondencia: Francisco Daniel Hernández Castillo
Correo electrónico: fdanielhc@hotmail.com

Recibido: 13 de mayo de 2021

Aceptado: 27 de junio de 2021

importante en la síntesis de metabolitos secundarios y el proceso de resistencia al estrés (Zhen y DeGang, 2017). Otro del grupo de enzimas importantes en la defensa de las plantas son las peroxidases; antioxidantes clave, están ampliamente distribuidas en la naturaleza y catalizan la oxidación de varios sustratos donantes de electrones concomitante con la descomposición del H_2O_2 (Pandey *et al.*, 2017). Gutiérrez-Martínez *et al.* (2020) reportan que la actividad enzimática en hojas de frijol, hubo un aumento en todas las concentraciones con cadmio y sugieren que podría deberse a la inducción de mecanismos de señalización sistemática provocados por el estrés oxidativo como medio de protección de las hojas. El aumento en las actividades de POD en peras inoculadas con *B. amyloliquefaciens* indican su capacidad para inducir la defensa bacteriana a través de enzimas relacionadas con la defensa (Pingping *et al.*, 2017). El objetivo del presente estudio fue evaluar la respuesta de inducción de resistencia mediante la inoculación de bacterias endófitas contra *R. solani* y *F. oxysporum*.

MATERIALES Y MÉTODOS

Aislamiento e identificación de los hongos fitopatógenos

Se recolectaron plantas de frijol con síntomas de marchitez y necrosis de raíz y tallos por *Rhizoctonia solani* y *Fusarium* sp., las raíces y tallos se lavaron con agua corriente, las cuales se secaron bajo campana de flujo laminar durante 12 horas. Se cortaron porciones de tejido sano y enfermo, y se desinfectaron externamente con hipoclorito de sodio al 3%, lavándose tres veces consecutivas con agua destilada estéril para eliminar el exceso de desinfectante. Posteriormente, se colocaron en toallas estériles para secarse. Los fragmentos de raíces y tallos fueron sembrados en medio de cultivo PDA (BD, Bioxon, Dickinson and Company, México) y se incubaron en una incubadora (Lumistell^{MR} IEC-41, México) a $26 \pm 2^\circ\text{C}$ por siete días. *F. oxysporum* fue identificado fenotípicamente de acuerdo con las características morfológicas descritas por Leslie y Summerell (2006); la identificación de *R. solani* se determinó por los criterios de Sneh *et al.* (1991). Se utilizó el método de cultivos monospóricos para la purificación de *F. oxysporum* y punta de hifa para el caso de *R. solani*, los aislamientos fueron conservados bajo refrigeración en agar inclinado a 4°C .

Corroboración molecular de los hongos

Extracción de ADN de los hongos

Cepas axénicas de los hongos desarrollados en medio de cultivo PDA de siete días de edad, se rasparon con la ayuda de una espátula para la obtención de micelio. La extracción fue realizada por el método de Nicholson *et al.* (2001), usando buffer que contenía EDTA 10 mM, Tris HCl 10 mM pH 8.0, SDS 0.5%. El ADN extraído fue resuspendido en 25 μL de TE. La integridad y calidad del ADN se verificó en gel de agarosa al 1%, bajo electroforesis horizontal aplicando un voltaje de 100 volts por 40 min.

Amplificación por reacción en cadena de la polimerasa (PCR)

Se amplificó la región ITS1 e ITS4 (Internal Transcribed Spacer), mediante una mezcla de amplificación en volumen final de 20 μL , compuesto por 13.58 μL de agua MQ, 2.0 μL de buffer MgCl (10X), 0.32 μL de $MgCl_2$ (25mM), 0.4 μL de dNTP's (10mM), 0.5 μL de cada iniciador ITS1 (5'TCC GTA GGT GAA CCT GCG G3') e ITS4 (5'TCC TCC GCT TAT TGA TAT GC3') (10 μM), 0.5 μL de DMSO, 0.2 μL de ADN Taq-polimerasa 1 U y 1 μL de ADN (40 ng/ μL). Las reacciones de amplificación se efectuaron usando un termociclador (Bio-Rad T100TM Thermal Cycler California USA) bajo el siguiente programa: 1 ciclo de 94°C 3 min, seguido de 35 ciclos a 94°C por 45 s, 53°C por 45 s y 72°C 1 min; finalizando con un ciclo de polimerización de 72°C por 7 min. Las bandas amplificadas se observaron en un gel de agarosa al 1.0% a 90 V por 60 min (Nicholson *et al.*, 2001).

Secuenciación de productos de PCR

Los productos de PCR fueron incrementados y purificados por medio de kit GeneAllTM ExpinTM PCR SV, y se secuenciaron por el laboratorio MacroGen Online Sequencing Order System (Rockville, MD, United States), las secuencias obtenidas, se analizaron en la base de datos del GenBank del National Center for Biotechnology Information (NCBI), usando el programa BLAST (Basic Local Alignment Search Tool) para secuencias altamente similares. Cada secuencia obtenida se le depuró la parte inicial y final para aumentar la sensibilidad del análisis (Castro del Ángel *et al.*, 2019).

Bacterias endófitas

Dos aislamientos de *Bacillus amyloliquefaciens* cepa 53 y *B. amyloliquefaciens* cepa 21 fueron tomadas de la colección de microorganismos del laboratorio de Fitopatología de la Universidad Autónoma Agraria Antonio Narro. Con estos aislamientos se formaron dos consorcios: uno a una concentración de 1×10^6 ufc y otro de 1×10^8 ufc.

Formación de consorcios

Se determinó la compatibilidad entre las cepas que mostraron los niveles más altos de antagonismo y mantuvieron su acción continua sobre los fitopatógenos. La compatibilidad se realizó en placas de Petri considerando el antagonismo solo y combinado de las cepas de bacterias endófitas desarrollando la ecuación de Sueke *et al.* (2010), se consideró la siguiente expresión matemática: , donde: Efecto A= Efecto en A cuando es probado en combinación de B / Efecto en A solo y Efecto B= Efecto en B cuando es probado en combinación de a / Efecto en B solo. La aceptación del efecto fue a partir de los siguientes posibles resultados en la mezcla: ≤ 0.5 , sinergismo; 0.5-1.0, aditivo; 1.0-4.0, indiferencia y > 4 , antagonismo.

Microorganismos y condiciones de cultivo

El inóculo bacteriano se preparó con una asada de las cepas 21 y 53, ambas se cultivaron en medio líquido papa

dextrosa (PD) y se incubaron en un agitador rotatorio (Lab-net, Orbit 1000, USA) a 120 rpm a 26 ± 2 °C durante siete días. Después de la incubación, las esporas se recuperaron mediante centrifugación en una centrifuga (Clay Adams Dynac II Centrifuge, United States) a 3500 rpm y se resuspendieron en agua destilada estéril; la suspensión se ajustó en una cámara de Neubauer, la concentración utilizada fue 1×10^6 ufc/mL y 1×10^8 ufc /mL. Las suspensiones de los endófitos se conservaron en refrigeración a 4 °C durante 24 h.

Los conidios de *F. oxysporum* se recuperaron raspando la placa de Petri y suspendiéndolos en 500 mL de agua destilada estéril, y finalmente se ajustó a 1×10^6 conidios/mL. El inóculo de *R. solani* se obtuvo mediante la metodología de Schneider *et al.* (1997) modificada; se colocaron 300 g de grano de trigo en matraces de 1000 mL con 100 mL de medio PD y se esterilizaron en autoclave durante 30 min por tres días consecutivos. Los matraces se inocularon con tres discos de 5 mm de diámetro con micelio del patógeno de siete días de edad, los cultivos se incubaron a 22 ± 2 °C durante 21 días.

Establecimiento del ensayo

Semillas de frijol (*Phaseolus vulgaris* CV. Pinto Saltillo) se sembraron en macetas de 5 Kg de capacidad con suelo pasteurizado, recolectado de parcelas donde anteriormente se había cultivado frijol, el método utilizado fue pasteurización que consistió someter el suelo a 80 °C en autoclave durante 3 veces consecutivas y dejando enfriar entre cada vez. Al momento de la siembra se realizó la inoculación de los fitopatógenos; para el caso de *F. oxysporum* con una suspensión de 1×10^6 conidios/mL; para *R. solani* 10 semillas de trigo con esclerocios y micelio de *R. solani* de 21 días de edad. Los tratamientos estudiados se reportan en la tabla 1. Los consorcios se inocularon tres veces: una al momento de la siembra, la segunda a los 25 días después de la emergencia y la tercera a los 45 días después de la emergencia. Es importante mencionar que los experimentos se establecieron por separado, es decir un ensayo para *F. oxysporum* y otro para *R. solani*. Los consorcios son una mezcla de especies de *Bacillus*: la diferencia entre estos consiste en dos niveles de inóculo en cada uno de ellos. El experimento se estableció en un diseño de bloques al azar bajo condiciones de invernadero con siete repeticiones por cada tratamiento, una maceta fue considerada una repetición que contó con dos plantas de frijol.

Determinación de actividad enzimática

El material vegetal utilizado para la extracción consistió en 1 g de hojas de frijol de 45 días de edad, previamente lavadas y secas, se maceraron en mortero con una solución amortiguadora de fosfatos pH 7.3 0.1 M, relación 1:2 (m/v). Posteriormente las muestras se centrifugaron a 12 500 rpm durante 15 min a 4 °C, el sobrenadante fue separado para la determinación de la concentración de proteínas (PR), y actividad de fenilalanina amonio liasa (PAL) y peroxidasa (POD). La inoculación de los consorcios se realizó mediante aplicación a la raíz utilizando un aspersor manual (Truper 10929, México) de 1 L de capacidad y la inoculación de los

Tabla 1. Designación de tratamientos en el cultivo de frijol en condiciones de invernadero

Table 1. Treatments designation in bean crop under greenhouse conditions.

Código	Tratamiento	Concentración
Cons 1 + <i>F. oxysporum</i>	(T1) Patógeno + consorcio 1	1×10^6 ufc
Cons 2 + <i>F. oxysporum</i>	(T2) Patógeno + consorcio 2	1×10^8 ufc
Cons 1	(T3) Consorcio 1	1×10^6 ufc
Cons 2	(T4) Consorcio 2	1×10^8 ufc
Patógeno	(T5) <i>Fusarium oxysporum</i>	1×10^6 conidios/mL
Testigo	(T6) Testigo	Agua
Cons 1 + <i>R. solani</i>	(T1) Patógeno + consorcio 1	1×10^6 ufc
Cons 2 + <i>R. solani</i>	(T2) Patógeno + consorcio 2	1×10^8 ufc
Cons 1	(T3) Consorcio 1	1×10^6 ufc
Cons 2	(T4) Consorcio 2	1×10^8 ufc
Patógeno	(T5) <i>Rhizoctonia solani</i>	10 semillas de trigo/maceta
Testigo	(T6) Testigo	Agua

hongos fitopatógenos se llevó a cabo con una jeringa hipodérmica con aplicación de 25 mL al suelo (Castro del Ángel *et al.*, 2019). Las muestras se colectaron a las 0, 6, 12 y 24h después de la aplicación de los tratamientos, las muestras en el tiempo de 0 h fueron colectadas antes de la inoculación (González-Gallegos *et al.*, 2015), el ensayo se desarrolló por triplicado.

Cuantificación de proteínas (PR)

Se determinó según el método de Bradford, utilizando como patrón albúmina de suero bovino (Bradford, 1957). Para la preparación del reactivo Bradford. Se pesaron 10 mg de azul de Coomassie G-250, se adicionaron 5 mL de etanol al 95 % v/v y 10 mL de ácido fosfórico al 85% v/v y se aforó a 100 mL con agua destilada, esta solución se filtró con papel Whatman No. 2 y se almacenó en frasco ámbar a 4 °C.

Preparación de la solución concentrada de albúmina sérica bovina (BSA) 1000 µg/mL.

Se disolvieron 4 mg de BSA en 4 mL de agua destilada y se homogeneizó la solución. Después, se hizo una curva de calibración a partir de diferentes concentraciones de BSA, las soluciones se prepararon con concentración de 100-1000 µg/mL, a partir de BSA y agua destilada (Buffer), llevándolas a un volumen final 1 mL.

Determinación de proteínas por la técnica de Bradford

Se mezclaron en un tubo de vidrio 100 µL de cada una de las concentraciones de BSA con 5 mL de reactivo de Bradford, después de 5 minutos se realizó la lectura en el espectrofotómetro (Jenway 7305 Spectrophotometer, UK) a una longitud de onda de 595 nm, ajustando el cero de absorbancia con el blanco.

Partiendo de la Ley de Beer-Lambert, se realizó una curva ordenando en el eje X las concentraciones y en el eje Y las absorbancias, luego se realizó la regresión lineal y se obtuvo la ecuación $Y=mx+b$ y el R^2 .

Determinación de la actividad de fenilalanina amonoliasa (PAL)

Se tomaron 0.9 mL de L-Fenilalanina 1 mg/mL, se adicionó 0.1 mL de extracto enzimático e incubó a 40°C durante 30 min en un termociclador (Bio-Rad T100™ Thermal Cycler, California USA) a 300 rpm. La reacción se detuvo con 0.25 mL de ácido clorhídrico 5 N. Las muestras se colocaron en baño de hielo y se les adicionó 5 mL de agua destilada. Los valores de absorbancia se determinaron a una $\lambda = 290$ nm en un espectrofotómetro (Jenway 7305 Spectrophotometer, UK) y se calculó con un coeficiente de extinción molar de 17.4/mM/cm (Trotel *et al.*, 2007). Una unidad de actividad enzimática se definió como equivalente a la producción de 1 μ mol de ácido transcinámico producido por minuto por mg de proteína (Rodríguez *et al.*, 2006).

Determinación de la actividad de peroxidasa (POD)

El ensayo fue realizado en un espectrofotómetro (Jenway 7305 Spectrophotometer, UK) a 610 nm usando rojo de fenol como sustrato, el volumen total de la reacción fue de 1 mL a 37°C. A 20 μ L del extracto enzimático se le adicionaron 50 μ L de rojo de fenol al 0.2% (m/v), 930 μ L de solución amortiguadora de citrato de sodio pH 4.2, 50 mM. La reacción dio inicio con 10 μ L de peróxido de hidrógeno 1 mM, dejando transcurrir 3 min, para detener la reacción se adicionaron 40 μ L de hidróxido de sodio 2 N. La absorbancia se registró a 610 nm y se calculó con un coeficiente de extinción molar de 22 000 M/cm, para el producto oxidado. Se expresó la actividad de peroxidasa como milimoles de rojo de fenol que se oxidan por gramo de tejido fresco por minuto (Yedidia *et al.*, 1999).

Análisis estadístico

Las medias obtenidas de la concentración de proteína y de la actividad enzimática fueron sometidas a un análisis de varianza y prueba de separación de medias por el método de prueba de rangos múltiples de Tukey al 0.05 de significancia en el programa SAS versión 9.0 para Windows.

RESULTADOS Y DISCUSIÓN

Aislamiento e identificación de los hongos fitopatógenos

Las cepas de hongos aisladas de plantas de frijol con síntomas de marchitez y pudrición de raíz fueron identificadas por características morfológicas. Se observó micelio algodonoso con tonos púrpuras a partir de los cuatro días de edad, las características microscópicas fueron microconidios sin septos, ovales, elípticos a reniformes (Khan *et al.*, 2021). Las clamidosporas de posición intercalar y terminal, individualmente o en pares, con una apariencia lisa circular de doble pared. Las macroconidias observadas eran fusoides y alantoides con tres a cinco septos y en forma de gancho (Figura 1A) las características observadas corresponden a

versal cerca de la unión, estas características corresponden a las reportadas por (Sneh *et al.*, 1991 y Al-Fadhal *et al.*, 2019), se pueden observar en la Figura 1B.

Corroboración molecular de los hongos

La confirmación de la identificación morfológica de las especies se obtuvo mediante secuenciación de la región intergénica ITS1 e ITS4, las secuencias obtenidas comparadas en BLAST dieron como resultado a *Fusarium oxysporum* con clave de acceso JN624887, máximo score de 915, y *Rhizoctonia solani* con clave de acceso JX050236.1 y máximo score

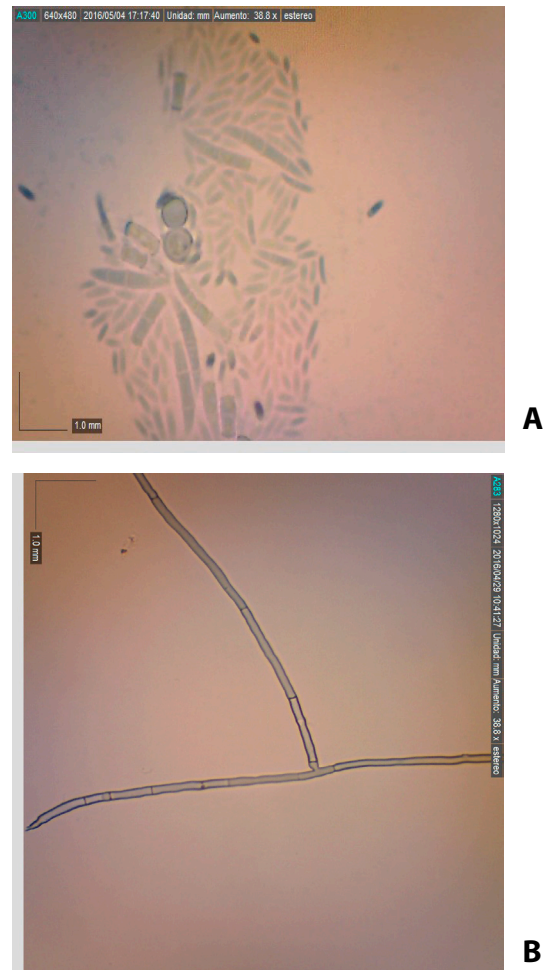


Figura 1. Estructuras morfológicas de *Fusarium oxysporum* desarrollado en medio clavel agar (A) y crecimiento de *Rhizoctonia solani* en medio PDA (B).

Figure 1. Morphological structures of *Fusarium oxysporum* grown on carnation agar medium (A) and *Rhizoctonia solani* grown on PDA medium (B).

las reportadas por Leslie y Summerell (2006) para *Fusarium oxysporum*. Las características consideradas para la identificación de *Rhizoctonia solani* fueron observadas como micelio incoloro a los primeros 3 días de desarrollo, pero se volvió amarillento a color marrón claro a las dos semanas de edad, con células alargadas y ramificaciones que crecieron en ángulos aproximadamente rectos a la hifa principal, estaban ligeramente constreñidos en la unión, y con una pared trans-

de 1216, ambas con 99% de identidad (Tabla 2). Singha *et al.* (2016) identificaron molecularmente aislados de *Fusarium* amplificando la región del espaciador transcrito interno (ITS) del ADN ribosómico conservado utilizando los cebadores ITS1 e ITS4. Todas las secuencias de ITS se compararon en busca de espacios y similitudes. Por otra parte, Basbagci *et al.* (2019) identificó aislamientos de *R. solani* morfológicamente y los corroboró mediante secuenciación de la región ITS1 e ITS4 a partir de ADN genómico.

Tabla 2. Claves de accesos de la corroboración molecular de las cepas fúngicas.

Table 2. Access codes of the molecular corroboration of the fungal strains.

Cepa	NCBI	Código de acceso
<i>F. oxysporum</i>	<i>Fusarium oxysporum</i> strain Af/8/1	JN624887
<i>R. solani</i>	<i>Rhizoctonia solani</i> isolate JZB-34	JX050236.1

Formación de los consorcios

La evaluación en cultivo dual permitió conocer que entre las cepas de bacterias endófitas no existió antagonismo entre ellas al evaluarlas simultáneamente sobre los hongos en estudio (Figura 2). El efecto combinado de *B. amyloliquefaciens* cepa 53 y *B. amyloliquefaciens* cepa 21 contra *F. oxysporum* fue de 2.06 mientras que para *R. solani* fue de 1.98, de acuerdo con Sueke *et al.* (2010) el efecto encontrado fue nulo, es decir no existió antagonismo, ni sinergismo entre cepas, sin embargo, fueron seleccionadas para ser evaluadas en el cultivo de frijol en diferente tamaño de inóculo. En otro contexto, Yanti *et al.* (2021), reportan consorcios de *Bacillus* como inductores del crecimiento vegetal en el cultivo de tomate, al respecto, estos autores seleccionaron los consorcios más prometedores por métodos cualitativos observando la zona de inhibición entre ellos en presencia de *Sclerotium rolfsii*.

Determinación de actividad enzimática

Los tratamientos indujeron la actividad proteica de los sistemas ensayados. La actividad mostrada en plantas de frijol, con respuesta a *F. oxysporum* y *R. solani* se ve incrementada a partir de las 6 h en todos los tratamientos, mostrando una tendencia a disminuir con el paso de las horas. Las

plantas con exposición directa a *F. oxysporum* muestran los valores más altos de proteína, sin embargo la exposición del consorcio 2 no presenta diferencia significativa frente a este. A las doce horas las plantas inoculadas con los consorcios 1 y 2 e inoculados simultáneamente con *F. oxysporum* muestran la actividad más alta en comparación con el tratamiento individual de *F. oxysporum* ($P < 0.0001$), lo que demuestra que se está expresando la respuesta de defensa de la planta frente al patógeno por la acción de los consorcios bacterianos aplicados. Por otra parte, las plantas coinoculadas con el consorcio 2 y el patógeno, se mantiene la actividad constante desde las 6 h y hasta las 24 h mientras que el consorcio 1 la actividad declina a partir de la 12 h de estudio. Los consorcios 1 y 2 en ausencia del patógeno también inducen la actividad proteica en comparación al testigo absoluto ($P < 0.0001$). La actividad de proteína debe formar parte del mecanismo de defensa de la planta de frijol, y es la responsable de la inducción de resistencia desarrollada por la planta después del tratamiento con los consorcios y la infección por el patógeno. La inducción de resistencia se asocia a las proteínas relacionadas con la patogenia (proteínas PR) como grupo de las proteínas antifúngicas relacionadas con la defensa inducibles más importantes, que incluyen defensinas, tioninas, proteínas similares a la osomtina, proteínas similares a la taumatina, quitinasas, glucanasas, oxalato oxidasa u proteínas similares a la oxalato oxidasa y proteínas de transferencia de lípidos (Moosa *et al.*, 2017). La inducción y acumulación de proteínas PR protegen a las plantas de futuras infecciones, su activación es muy importante, ya que son un componente indispensable de las respuestas inmunitarias innatas en plantas en condiciones de estrés biótico o abiótico (Jain y Khurana, 2018).

Determinación de la actividad enzimática de PAL

Los mayores niveles de actividad se expresaron en las plantas tratadas con los consorcios 1 y 2 en presencia de *F. oxysporum* a los diferentes tiempos de muestreo ($P < 0.0001$), por ello se puede considerar que los consorcios estimulan la defensa de la planta ante al patógeno encontrándose los valores más significativos en los tratamientos antes mencionados. El incremento en la actividad de PAL de la vía de los fenilpropanoides aumenta la producción de ácido transcinámico a partir de fenilalanina, el cual es transformado a través

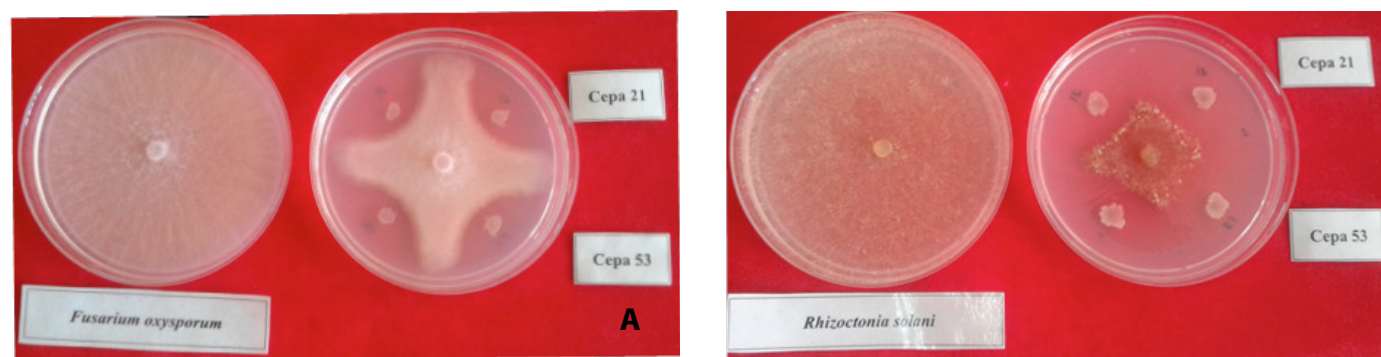


Figura 2. Inhibición *in vitro* de *Fusarium oxysporum* (A) y *Rhizoctonia solani* desarrollado en medio PDA (B).
Figure 2. *In vitro* inhibition of *Fusarium oxysporum* (A) and *Rhizoctonia solani* grown in PDA medium (B).

de otras dos reacciones enzimáticas hasta paracumaril CoA; precursor de un amplio grupo de productos que incluyen la lignina, los fenilpropanos y los flavonoides (Glas *et al.*, 2012). Ardila *et al.* (2007) reportaron que la actividad PAL se activa a partir de las 6 h postinoculación de *Fusarium oxysporum* f.sp. *dianthi* raza 2 en plantas de clavel, encontrándose los picos máximos a las 12 h y disminuyó a las 24 h, sin embargo, en este ensayo los valores más altos de PAL se obtuvieron hasta las 24h. Al respecto Duba *et al.* (2019) reportaron que la actividad PAL inmediatamente y 24 h después de la inoculación, en líneas de trigo evaluadas fue significativamente ($p \leq 0.01$) mayor en plantas inoculadas con *F. culmorum*. Singh *et al.* (2020) con inoculaciones de *Trichoderma asperellum* y ácido ascórbico en semillas de tomate, las plantas tratadas mostraron una mayor acumulación de contenido total de fenol y una mayor actividad PAL, POD, quitinasa y polifenol oxidasa en comparación con las plantas no tratadas. En otro apartado, la determinación de PAL en plantas de frijol contra *R. solani*; en todos los tratamientos existe incremento en la actividad enzimática desde las 6 h hasta las 24 h en comparación con el testigo. Se encontró que los consorcios 1 y 2 sin inoculación del patógeno, son mayores que el testigo libre de cualquier tratamiento, lo que se relaciona con un posible cambio en la activación de mecanismos de defensa que generan los consorcios aplicados sobre plantas de frijol antes de que se inocule el patógeno. La capacidad de los hongos patógenos para inducir resistencia sistémica está determinada por la actividad de la fenilalanina amonio liasa, relacionada con el metabolismo de los compuestos fenólicos, la vía metabólica de las fitoalexinas y la inducción de la síntesis de ácido salicílico (SA). En la vía de biosíntesis de SA, el ácido corísmico se convierte en SA a través de la fenilalanina. El ácido cinámico se convierte en productos intermedios de PAL y luego se convierte en SA. El ácido salicílico es un mensajero secundario en el proceso de inducir resistencia al estrés biótico en las plantas (Barna *et al.*, 2012). La PAL cataliza el primer paso en la vía biosintética del fenilpropanoide a través de la desaminación de la fenilalanina en ácido transcinámico, un precursor de las vías biosintéticas de la lignina y los flavonoides. (Jun *et al.*, 2018, Gho *et al.*, 2020). La PAL juega un efecto importante en la síntesis de metabolitos secundarios y el proceso de resistencia al estrés (Zhen y DeGang, 2017). Por su parte, Rais *et al.* (2017) estudiaron rizobacterias para la inducción de diferentes vías en plantas de arroz a través de la producción de varios metabolitos. Reportan, que *Bacillus* spp. inducen enzimas como la superóxido dismutasa, peroxidasa, polifenol oxidasa y fenilalanina amonio-liasa contra la infección por *Pyricularia oryzae*. Como se observa en este trabajo, la inducción de esta enzima por los consorcios puede ser relevante en los mecanismos de defensa de las plantas de frijol a las enfermedades.

Determinación de la actividad enzimática de POD.

La expresión de la actividad de POD en plantas de *P. vulgaris* no presenta diferencias significativas ante los diferentes tratamientos que se aplicaron, en los diferentes

tiempos a los que se realizó el ensayo. Sin embargo, a las 12 y 24 h de muestreo las plantas tratadas con los consorcios en ausencia de *R. solani* presentan mayor actividad de POD en comparación a las plantas sin ningún tratamiento. En adición se puede observar que a las 6 h el testigo absoluto presenta aumento en la actividad POD, pero el incremento de la actividad peroxidasa, que se detecta en las plantas libres de cualquier tratamiento, es posiblemente debido al efecto de la herida que se hace, pues dicha actividad no progresa a través del tiempo. Por otra parte, Ezziyyani *et al.* (2005) reportan que a las 24 y 96 horas postaplicación, se produce un incremento de actividad peroxidasa y que la actividad aumenta con el tiempo posterior a la inoculación. La mayor actividad se da a las 96 h en plantas tratadas con *T. harzianum*. Por lo tanto, Shoaib *et al.* (2019) asumen que la supresión de *Sclerotium rolfsii* está directamente relacionada con el aumento de la actividad de las enzimas peroxidasa, catalasa, polifenol oxidasa y fenilalanina amonio liasa, por lo que proporciona la base para la resistencia en garbanzo. En otro contexto, Khanna *et al.* (2019) sugieren que los aspectos favorables de *Pseudomonas aeruginosa* y *Burkholderia gladioli* en la modulación de las características de crecimiento y la expresión de defensa antioxidante de *Lycopersicon esculentum* para enfrentar el estrés oxidativo generado bajo la infección por nemátodos. A su vez, Sahni y Prasad (2020) indican que *Pseudomonas* sp. y vermicomposta aplicadas simultáneamente las actividades de las enzimas POD y PAL fueron altas en las plantas de garbanzo después de inocularse con *S. rolfsii*. Sus actividades máximas aparecieron a las 48 h después de la exposición al patógeno.

CONCLUSIONES

Se identificó a *F. oxysporum* y *R. solani* como agentes causales de marchitez y pudrición de raíz de frijol variedad Pinto Saltillo. Los consorcios de bacterias endófitas provocaron un aumento en la concentración de proteínas y actividad enzimática en el cultivo de frijol, como mecanismo de defensa contra *F. oxysporum* y *R. solani* a partir de las 6 horas bajo condiciones de invernadero. La mayor actividad de PAL aumenta significativamente a las 24 h postinoculación, por lo que la PAL contribuye al mecanismo de resistencia del frijol al aumentar su actividad después de la inoculación con los consorcios bacterianos. Como estudios posteriores se pretende trabajar con más tiempos de exposición de los tratamientos y más muestreos de actividad enzimática y así mismo determinar otras enzimas implicadas en la defensa vegetal por la vía de resistencia sistémica inducida.

REFERENCIAS

- Abd-El-Khair, H., Elshahawy, I.E., Haggag, H.E.K. 2019. Field application of *Trichoderma* spp. combined with thiophanate-methyl for controlling *Fusarium solani* and *Fusarium oxysporum* in dry bean. Bulletin of the National Research Centre. 43(1): 1-9. <https://doi.org/10.1186/s42269-019-0062-5>

- Al-Fadhal, F.A., AL-Abedy, A.N., Alkhafije, D.A. 2019. Isolation and molecular identification of *Rhizoctonia solani* and *Fusarium solani* isolated from cucumber (*Cucumis sativus* L.) and their control feasibility by *Pseudomonas fluorescens* and *Bacillus subtilis*. Egyptian Journal of Biological Pest Control. 29(47):1-11. <https://doi.org/10.1186/s41938-019-0145-5>
- Ardila, H., Baquero, B., Martínez, S. 2007. Inducción de la actividad de la enzima fenilalanina amonio liasa en clavel (*Dianthus caryophyllus* L.) por elicitores del hongo *Fusarium oxysporum* f. sp. *dianthi* raza 2. Revista Colombiana de Química. 36(2): 151-167. Disponible en: https://www.scielo.org.co/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S0120-28042007000200002&lng=en&nrm=iso
- Afzal, I., Shinwari, Z.K., Sikandar, S., Shahzad, S. 2019. Plant beneficial endophytic bacteria: Mechanisms, diversity, host range and genetic determinants. Microbiological Research. 221:36-49. <https://doi.org/10.1016/j.micres.2019.02.001>
- Barna, B.; Fodor, J.; Harrach, B.D.; Pogány, M.; Király, Z. 2012. The Janus face of reactive oxygen species in resistance and susceptibility of plants to necrotrophic and biotrophic pathogens. Plant Physiology Biochemistry. 59:37-43. <https://doi.org/10.1016/j.plaphy.2012.01.014>
- Basbagci, G., Unal, F., Uysal, A., Dolar, F. S. 2019. Identification and pathogenicity of *Rhizoctonia solani* AG-4 causing root rot on chickpea in Turkey. Spanish Journal of Agricultural Research. 17(2) e1007:1-12. <https://doi.org/10.5424/sjar/2019172-13789>
- Bradford. 1976. A rapid and sensitive method for the quantitation of microgram quantities of protein utilizing the principle of protein-Dye Binding. Analytical Biochemistry. 72: 248-254. <https://doi.org/10.1006/abio.1976.9999>
- Castro del Ángel, E., Hernández Castillo, F. D., Gallegos Morales, G., Ochoa Fuentes, Y. M., Castillo Reyes, F. 2019. Biocontrol of *Rhizoctonia solani* and *Fusarium oxysporum* with endophytic bacteria formulations and its effect in the growth promotion in bean crop. Revista Bio Ciencias 6 (e416). 1-13. <https://doi.org/10.15741/revbio.06.e416>
- Duba, A., Goriewa-Duba, K., Wachowska, U., Glowacka, K., Wiwart, M. 2019. The associations between leaf morphology, phenylalanine ammonia lyase activity, reactive oxygen species, and *Fusarium* resistance in selected species of wheat with different ploidy levels. Plants. 8: 360: 1-19. <https://doi.org/10.3390/plants8100360>
- Ezziyyani, M., Requena, M. E. y Candela, M. E. 2005. Producción de proteínas-PR en la inducción de resistencia a *Phytophthora capsici* en plantas de pimiento (*Capsicum annuum* L.) tratadas con *Trichoderma harzianum*. Anales de Biología. 27: 143-153. Disponible en: <https://revistas.um.es/analesbio/article/view/29941>
- González-Gallegos, E., Laredo-Alcalá, E., Ascacio-Valdés, J., Jasso de Rodríguez, D., Daniel Hernández-Castillo, F.D. 2015. Changes in the production of salicylic and jasmonic acid in potato plants (*Solanum tuberosum*) as response to foliar application of biotic and abiotic inductors. American Journal of Plant Sciences. 6(11): 1785-1791. <https://doi.org/10.4236/ajps.2015.611179>
- Gutiérrez-Martínez, P.B., Torres-Morán, M.I., Romero-Puertas, M.C., Casas-Soles, J., Zarazúa-Villaseñor, P. Sandoval-Pinto, E., Ramírez-Hernández, B.C. 2020. Assessment of antioxidant enzymes in leaves and roots of *Phaseolus vulgaris* plants under cadmium stress. Biotecnica. 22(2):110-118. <https://doi.org/10.18633/biotecnica.v22i2.1252>
- Gho, Y.S., Kim, S.j., Jung, K.H. 2020. Phenylalanine ammonia-lyase family is closely associated with response to phosphate deficiency in rice. Genes and Genomics. 42:67-76. <https://doi.org/10.1007/s13258-019-00879-7>
- Glas, J.J., Schimmel, B.C.J., Alba, J.M., Escobar, B. R., Schuurink, R.C., Kant, M.R. 2012. Plant glandular trichomes as targets for breeding or engineering of resistance to herbivores. International Journal of Molecules Sciences.13 (12):17077-17103. <https://doi.org/10.3390/ijms131217077>
- Jain, D., Khurana J.P. 2018. Role of Pathogenesis-Related (PR) Proteins in plant defense mechanism. In: Singh A., Singh I. (eds) Molecular aspects of plant-pathogen interaction. Springer, Singapore. https://doi.org/10.1007/978-981-10-7371-7_12
- Jun, S-Y., Sattler, S.A., Cortez, G.S., Vermerris, W., Sattler, S.E., Kang, CH. 2018. Biochemical and structural analysis of substrate specificity of a Phenylalanine Ammonia-Lyase. Plant Physiology. 176(2). 1452-1468. <https://doi.org/10.1104/pp.17.01608>
- Khan, M.A., Khan, S.A., Waheed, U., Raheel, M., Khan, Z., Alrefaei, A.F., Alkhamis, H.H. 2021. Morphological and genetic characterization of *Fusarium oxysporum* and its management using weed extracts in cotton. Journal of King Saud University -Science. 33(101299):1-7. <https://doi.org/10.1016/j.jksus.2020.101299>
- Khanna, K., Jamwal, V.L., Kohli, S.K. Gandhi, S.G., Ohri, P., Bhardwaj, R., Wijaya, L., Alymeni, M.N. Ahmad, P. 2019. Role of plant growth promoting bacteria (PGPRs) as biocontrol agents of *Meloidogyne incognita* through improved plant defense of *Lycopersicon esculentum*. Plant and Soil. 436:325-345. <https://doi.org/10.1007/s11104-019-03932-2>
- Latha, P., Karthikeyan, M., Rajeswari, E. 2019. Endophytic bacteria: Prospects and applications for the plant disease management. In: Ansari, R., Mahmood, I. (eds) Plant Health Under Biotic Stress. Springer, Singapore. https://doi.org/10.1007/978-981-13-6040-4_1
- Leslie, J. F., Summerell, B. A. 2006. The *Fusarium* Laboratory Manual. Blackwell Publishing. Kansas Agricultural Experiment Station, Manhattan. 388p.
- Moosa, A., Farzand, A., Sahi, S.T., Khan, S.A. 2017. Transgenic expression of antifungal pathogenesis-related proteins against phytopathogenic fungi—15 years of success. Israel Journal of Plant Science. 32(1-2):38-54. <https://doi.org/10.1080/07929978.2017.1288407>
- Muthukumar, A., Udhayakumar, R., Naveenkumar, R. 2017. Role of bacterial endophytes in plant disease control. In: Maheshwari, D., Annapurna, K. (eds) Endophytes: crop productivity and protection. Sustainable Development and Biodiversity. 16. Springer, Cham. https://doi.org/10.1007/978-3-319-66544-3_7
- Nasir, H. A., Abbasi, S., Sharifi, R., Jamali, S. 2018. The effect of biocontrol agents consortia against *Rhizoctonia* root rot of common bean *Phaseolus vulgaris*. Journal of Crop Protection. 7(1):73-85 URL: <http://jcp.modares.ac.ir/article-3-4575-en.html>
- Nicholson T. P., Rudd B. A.M., Dawson M., Lazarus C.M., Simpson T.J., Cox R.X. 2001. Design and utility of oligonucleotide gene probes for fungal polyketide synthases. Chemistry and Biology. 8:157-178. [https://doi.org/10.1016/s1074-5521\(00\)90064-4](https://doi.org/10.1016/s1074-5521(00)90064-4)

- Oladzad, A., Zitnick-Anderson, K., Jain, S., Simons, K., Osorno, J. M., McClean, P. E., Pasche, J. S. 2019. Genotypes and genomic regions associated with *Rhizoctonia solani* resistance in common bean. *Frontiers in Plant Science*, 10:1-14 <https://doi.org/10.3389/fpls.2019.00956>
- Pandey, V.P., Awasthi, M., Singh, S., Tiwari, S., Dwivedi, U.N. 2017. A Comprehensive review on function and application of plant peroxidases. *Biochemistry and Analytical Biochemistry*. 6(1):1-16. <https://doi.org/10.4172/2161-1009.1000308>
- Pingping, S., Jianchao, C., Xiaohui, J., Wenhui, W. 2017. Isolation and characterization of *Bacillus Amylolyquefaciens* L-1 for biocontrol of pear ring rot. *Horticultural Plant Journal*. 3(5): 183-189. <https://doi.org/10.1016/j.hpj.2017.10.004>
- Rais, A., Jabeen, Z., Shair, F., Hafeez, F.Y., Hassan, M.N. 2017. *Bacillus* spp., a bio-control agent enhances the activity of antioxidant defense enzymes in rice against *Pyricularia oryzae*. *PLoS ONE*. 12(11) e0187412:1.17. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0187412>
- Rodríguez, P.A.T., Ramírez, A.M.A. y Cárdenas, T.R.M. 2006. Efecto de la quitosana en la inducción de la actividad de enzimas relacionadas con la defensa y protección de plántulas de arroz (*Oryza sativa* L.) contra *Pyricularia grisea* Sacc. *Revista Mexicana de Fitopatología*. 24 (1): 1-7. Disponible en: <http://www.redalyc.org>
- Sahni, S., Prasad, B.D. Management of collar rot disease using vermicompost and a PGPR strain *Pseudomonas* sp. and their effect on defense-related enzymes in chickpea. 2020. *Indian Phytopathology*. 73: 301-311. <https://doi.org/10.1007/s42360-020-00203-4>
- Singha, I.M., Kakoty, Y., Unni, B.G., Das, J., Kalita, M.C. 2016. Identification and characterization of *Fusarium* sp. using ITS and RAPD causing fusarium wilt of tomato isolated from Assam, North East India. *Journal of Genetic Engineering and Biotechnology*. 14(1): 99-105. <https://doi.org/10.1016/j.jgeb.2016.07.001>
- Sneh, B., Burpee, L., Ogoshi, A. 1991. Identification of *Rhizoctonia* species. *American Phytopathological Society*, St. Paul, MN, USA. 133 p.
- Shoaib, A., Shezad, A., Javaid, A., Akhtar, S., Awan, Z.A. 2019. Evaluation of biocontrol strategies and its synergistic interaction permitting the chickpea plant to trigger the appropriate defense responses against *Sclerotium rolfsii*. *Biologia (Lahore, Pakistan)*. 65(2):329-334.
- Singh, P., Singh, J., Ray, S., Rajput, R. S., Vaishnav, A., Singh, R. K., Singh, H. B. 2020. Seed biopriming with antagonistic microbes and ascorbic acid induce resistance in tomato against Fusarium wilt. *Microbiological Research*. 237 (126482). <https://doi.org/10.1016/j.micres.2020.126482>
- Tamosiune, I., Baniulis, D., Stanys, V. 2017. Role of endophytic bacteria in stress Tolerance of agricultural plants: Diversity of microorganisms and molecular mechanisms. In: Kumar, V., Kumar, M., Sharma, S., Prasad, R. (eds) *Probiotics in Agroecosystem*. Springer, Singapore. https://doi.org/10.1007/978-981-10-4059-7_1
- Trotel, A. P., Couderchet M., Biagianni S., Aziz, A. 2007. Characterization of new bacterial biocontrol agents *Acinetobacter*, *Bacillus*, *Pantoea* and *Pseudomonas* spp. mediating grapevine resistance against *Botrytis cinerea*. *Environmental and Experimental Botany*. 64: 21-32. <https://doi.org/10.1016/j.envexpbot.2007.12.009>
- Yanti, Y., Hamid, H., Yaherwandi, R. 2021. Biological control of *Sclerotium rolfsii* on tomato seedlings using *Bacillus* spp. consortium. *IOP Conference Series: Earth and Environmental Science*. 741(012063): 1-5. <https://doi.org/10.1088/1755-1315/741/1/012063>
- Yedidia, N. Benhamou & I. Chet. 1999. Induction of defense responses in Cucumber plants (*Cucumis sativus* L.) by the biocontrol agent *Trichoderma harzanium*. *Applied Environmental Microbiology*. 65(3):1061-1070. <https://doi.org/10.1128/AEM.65.3.1061-1070.1999>
- Zhen, H.X., DeGang, Z. 2017. Research progress in regulation and control mechanism of phenylalanine ammonia lyase in plants. *Guizhou Agricultural Sciences*. 45 (4):16-20. URL : [http://www.gznykx.org.cn/Jweb_gznykx/...](http://www.gznykx.org.cn/Jweb_gznykx/)