



Archivos de Medicina Veterinaria

ISSN: 0301-732X

archmv@uach.cl

Universidad Austral de Chile

Chile

Olivera, M; Giraldo, CA; Di-Lorenzo, C

Identificación por PCR de *Brucella canis* en sangre y leche canina. Reporte de un caso

Archivos de Medicina Veterinaria, vol. 43, núm. 3, 2011, pp. 295-298

Universidad Austral de Chile

Valdivia, Chile

Disponible en: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=173022397012>

- Cómo citar el artículo
- Número completo
- Más información del artículo
- Página de la revista en redalyc.org

redalyc.org

Sistema de Información Científica

Red de Revistas Científicas de América Latina, el Caribe, España y Portugal

Proyecto académico sin fines de lucro, desarrollado bajo la iniciativa de acceso abierto

## Identificación por PCR de *Brucella canis* en sangre y leche canina. Reporte de un caso

### PCR identification of *Brucella canis* in canine blood and milk. A case report

M Olivera<sup>a\*</sup>, CA Giraldo<sup>b</sup>, C Di-Lorenzo<sup>c</sup>

<sup>a,b</sup> Grupo Vericel, Grupo Biogénesis, Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia.

<sup>c</sup> Laboratorio de Inmunología, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional de La Plata, La Plata, Argentina.

#### SUMMARY

Canine brucellosis is a disease caused by *Brucella canis* that is associated to reproductive problems in dogs, and it is also known as zoonosis. These bacteria are excreted in urine, milk, fetus or semen of infected animals, and the transmission occurs via sexual, oral, nasal or conjunctival contact. Diagnosis is usually done through serology but confirmation requires isolation of bacterial culture, a costly process that requires laboratory biosafety level 3. Molecular techniques are a valid method to determine the bacterial DNA, offering high specificity and sensitivity. This study reports the evaluation of a PCR test usually applied to isolates, as a test for clinical use. A healthy female canine with a history of previous brucellosis, feeding her 4-day old healthy newborns, was submitted to a rapid serologic test with 2β-mercaptoethanol, haemoculture and PCR, of milk and blood. All the tests resulted positive to *Brucella canis*. This is the first report of a positive result to *B. canis* by PCR and it confirms that clinically healthy individuals shed the bacterium through milk, representing a risk of infection for neonates and humans.

**Palabras clave:** zoonosis, neonatos, asintomático, cronicidad.

**Key words:** zoonosis, neonates, asymptomatic, chronicity.

#### INTRODUCCIÓN

La *Brucella canis* (*B. canis*), aislada por primera vez en 1967 (Carmichael y Kenney 1968), es la principal bacteria causante de enfermedades reproductivas en los caninos. Epidemiológicamente se distribuye a nivel mundial (Myers y Varela-Díaz 1980, Wanke 2004). En Colombia se aisló por primera vez de sangre en 2005, con un reporte de casos positivos del 17,2% (Jara y col 2005), y desde entonces los reportes muestran frecuencias de positividad sérica entre un 1,4 a un 11% en mascotas, criaderos y albergues (Giraldo y col 2009, Ruiz y col 2010, Pardo y col 2009).

La transmisión de la enfermedad se da por vía sexual, oral, nasal o conjuntival, por la eliminación de la bacteria en la orina (Serikawa y col 1981), leche (Di-Lorenzo y Olivera 2008), fetos o semen de los animales enfermos, placenta y líquidos placentarios contaminados (Borie-Polanco 2005, Keid y col 2007<sup>a</sup>). Cuando la enfermedad se vuelve crónica, es común encontrar pacientes asintomáticos seropositivos o con bacteremia (Hollet 2006).

En el diagnóstico de rutina se usa la prueba serológica de aglutinación rápida en placa 2β-mercaptoetanol (PRAP-2ME), que detecta anticuerpos específicos (Badakhsh y col 1982), con el problema de que hay una proporción significativa de resultados falsos negativos (Keid y col 2009). La confirmación del diagnóstico serológico se realiza por medio del aislamiento de la bacteria. Esta

prueba requiere un periodo prolongado de tiempo hasta la identificación del agente y laboratorios de bioseguridad de nivel 3 (Lara y col 2007, Bounaadj y col 2009), lo que limita su implementación.

Los métodos de amplificación del ADN como la reacción en cadena de la polimerasa (PCR) han demostrado ser confirmatorios en el diagnóstico de brucelosis (Bricker 2002, Keid y col 2009), permiten acortar el tiempo de diagnóstico, reducir los riesgos de exposición y simplificar los requisitos de infraestructura necesarios.

Este trabajo presenta resultados de la utilización de la PCR para el diagnóstico clínico de brucelosis a partir de sangre total y leche en una perra recién parida, con historia previa de brucelosis.

#### MATERIAL Y MÉTODOS

##### ANAMNESIS

Hembra canina de 24 meses de edad, perteneciente a un criadero de 64 caninos donde 14 meses antes se había diagnosticado brucelosis canina con una seroprevalencia del 14%. Las recomendaciones que se hicieron al propietario para controlar la enfermedad no fueron tenidas en cuenta (sacrificio de seropositivos, seguimiento serológico, cuarentena).

La perra se encontraba de una semana posparto, asintomática y amamantando cuatro cachorros aparentemente sanos. Su historia demostró que ya se le había aislado previamente *B. canis* (# N°10135-5 Dirección de Brucelosis de la Administración Nacional de Laboratorios e Institutos

Aceptado: 19.01.2011.

\* Facultad de Ciencias Agrarias, Ciudadela de Robledo Carrera 75 N° 65-87, A.A. 1226, Medellín, Colombia; syngamia@gmail.com

de Salud “Dr. Carlos Malbrán”, Rep. Argentina), además de haber sido positiva a las pruebas de PRAP-2ME, Inmunofluorescencia indirecta y ELISA Indirecta.

#### PRUEBAS DE LABORATORIO

**Muestras.** Se tomaron muestras de sangre en tubo seco, sangre en caldo infusión cerebro-corazón con citrato de sodio, sangre en tubo con EDTA y leche. Se le realizaron PRAP-2ME, hemocultivo y PCR a las muestras de sangre total y leche entera.

**Examen serológico PRAP-2ME.** Se mezclaron 25 µl del suero, 25 µl de 2β-mercaptoetanol y 50 µl de antígeno (*B. canis* M-). Se espera dos minutos y se reportan como positivos si se presentan pequeñas aglutinaciones visibles a contraluz (Carmichael y Joubert 1987).

**Hemocultivo y aislamiento.** Se realizó un hemocultivo a partir de la sangre de la paciente, en medio caldo cerebro-corazón con citrato de sodio, durante 48 horas a 37 °C, con repiques ciegos en agar tripticasa soya, durante 24 horas a 37 °C.

La muestra de leche fue sembrada directamente en agar y se incubó de la misma forma.

La identificación de los microorganismos obtenidos a partir del crecimiento de colonias pequeñas se realizó por las pruebas bioquímicas y morfológicas rutinarias para *B. canis* y se certificaron en el Instituto Carlos Malbrán.

#### DIAGNÓSTICO POR PCR

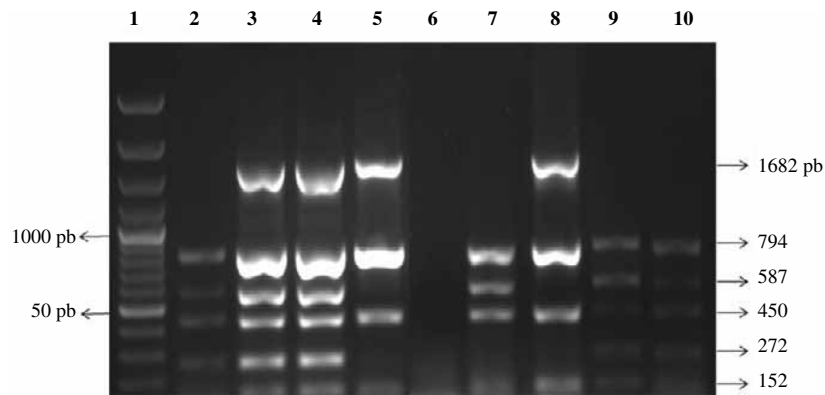
Se extrajo ADN de las muestras de sangre total, leche, hemocultivo y de la cepa aislada, utilizando el kit comercial Genomic DNA Purification Kit (Fermentas). Para la cuantificación de ADN se usó un kit comercial (Quant-iT™ dsDNA HS Assay Kit, Lot 55810<sup>8</sup>, Invitrogen) y se leyó en un fluorómetro (Fluorometer Qubit, Invitrogen). Para los cebadores y la PCR se usó el método descrito por García-Yoldi y col (2006) (cuadro 1). Como controles de especificidad de cebadores se usaron suspensiones de cepas de *B. abortus* cepa 19 y *B. abortus* cepa RB51; como control de la cepa de *B. canis* se usó la cepa de referencia usada por García-Yoldi RM6/66 (ATCC23365); como control interno se utilizó el gen constitutivo GAPDH; como control negativo se usaron todos los reactivos de PCR sin DNA.

Para la PCR se utilizó 1 µl de ADN en un volumen final de 25 µl que contenía: buffer KCL 1X sin MgCl<sub>2</sub>, 3mM de MgCl<sub>2</sub>, 400µM de dNTP (Promega corp®), 1,5 U de taq DNA polimerasa (Invitrogen®) y 6,25 pmol de cada primer. La amplificación se realizó en un MJ Research Peltier Thermal Cycler PTC 100 en un total de 25 ciclos. Cada ciclo consistía en una temperatura de desnaturalización de 95 °C por 1 minuto, alineamiento de los primers a 64 °C por 45 segundos; la extensión de los primers se realizó a 72 °C por tres minutos. Después de los 25 ciclos se realizó una extensión final de 72 °C por seis minutos. Los productos de la PCR fueron visualizados en

**Cuadro 1.** Primers usados para la PCR de este estudio. <sup>a</sup>Los números BMEI o BMEII designan el *loci* para el genoma de *B. melitensis*, y BR para el genoma de *B. suis*. <sup>b</sup>Debido a una inserción en el gen bp26 del ADN, el tamaño del amplicón de las cepas de *Brucella* aisladas de mamíferos acuáticos es de 1.320 bp. f, forward; r, reverse.

PCR primers used in this study. <sup>a</sup>BMEI or BMEII numbers designate loci in *B. melitensis* genome, and BR in *B. suis* genome. f, forward; r, reverse. <sup>b</sup>Due an DNA insertion in the bp26 gene, the amplicon size in *Brucella* strains isolated from marine mammals is 1,320 bp. f, forward; r, reverse.

Primer <sup>a</sup>	Secuencia (5'-3')	Tamaño amplicón (bp)
BMEI0998f	ATC CTA TTG CCC CGA TAA GG	1.682
BMEI0997r	GCT TCG CAT TTT CAC TGT AGC	
BMEI0535f	GCG CAT TCT TCG GTT ATG AA	450 (1.320) <sup>b</sup>
BMEI0536r	CGC AGG CGA AAA CAG CTA TAA	
BMEI1436f	ACG CAG ACG ACC TTC GGT AT	794
BMEI1435r	TTT ATC CAT CGC CCT GTC AC	
BMEII0428f	GCC GCT ATT ATG TGG ACT GG	587
BMEII0428r	AAT GAC TTC ACG GTC GTT CG	
BR0953f	GGA ACA CTA CGC CAC CTT GT	272
BR0953r	GAT GGA GCA AAC GCT GAA G	
BMEI0752f	CAG GCA AAC CCT CAG AAG C	218
BMEI0752r	GAT GTG GTA ACG CAC ACC AA	
BMEII0987f	CGC AGA CAG TGA CCA TCA AA	152
BMEII0987r	GTA TTC AGC CCC CGT TAC CT	



**Figura 1.** Electroforesis en gel de agarosa al 1,5% teñido con bromuro de etidio. Línea 1, Marcador de peso molecular 100 pb (Fermentas); línea 2, *B. canis* Rm6/66 1; línea 3, control negativo; línea 4, *B. abortus* RB51; línea 5, *B. abortus* S19; línea 6, *B. canis* directamente de muestra de sangre total; línea 7, *B. canis* directamente de muestra de leche.

Agarose gel electrophoresis stained with 1.5% ethidium bromide. Line 1, molecular weight marker 100 bp (Fermentas); line 2, *B. canis* Rm6/66 1; line 3, negative control; line 4, *B. abortus* RB51; line 5, *B. abortus* S19; line 6, *B. canis* directly from whole blood sample; line 7: *B. canis* directly from milk sample.

una electroforesis en gel de agarosa al 1,5%, teñido con bromuro de etidio y evaluado bajo luz UV. Se utilizó un marcador de peso molecular de 100 pb (Fermentas Gene Ruler 100 bp DNA Ladder 0,5 ug/ul).

## RESULTADOS Y DISCUSIÓN

La prueba sérica fue positiva, el hemocultivo (sangre #11907-1, leche #11907-12) y la PCR resultaron positivos para la sangre y para la leche, lo que indica que la perra continuó infectada crónicamente.

En cuanto a la PCR, a partir de sangre total y leche se observó el mismo patrón que reportaron García-Yoldi y col (2006): 4 bandas (152, 272, 450, 587 pb) correspondientes a *B. canis*; además mostró la 794 pb, que está reportada para *B. suis*, pero que García-Yoldi en comunicación personal con los autores confirma que hay cepas de campo que la presentan; la banda de 1682 de *B. canis* no se observó, debido posiblemente a la cantidad de DNA que puede extraerse de una muestra clínica. Las cepas *B. abortus* RB51 4 bandas (152, 450, 580 y 794 bp) y S19 4 bandas (152, 450, 794 y 1682 bp) fueron utilizadas como controles de especificidad (figura 1).

La prueba de PCR diseñada por García-Yoldi y col (2006) se corrió sobre extracciones de ADN a partir de cultivos bacteriales de las cepas de referencia; sin embargo, al probar la técnica en una muestra clínica de sangre y leche de un animal crónicamente infectado bacterémico y asintomático se determina que tiene muy buen valor diagnóstico. Keid y col (2007<sup>b</sup>) ya habían demostrado que la prueba de PCR usando el 16S-23S rADN interspacer tiene una sensibilidad y especificidad diagnóstica del 100%, con una capacidad de detección de 3.8 fg de ADN de *B. canis* que representa una concentración bacteriana de al menos dos bacterias.

Por primera vez se demuestra que la técnica de PCR sirve para el diagnóstico directamente de la leche, lo que aumenta los usos de la prueba. Algunos investigadores la habían aplicado para el diagnóstico clínico a partir de sangre, hisopados vaginales y semen (Keid y col 2007<sup>a</sup>), mientras que otros la usaron para el diagnóstico a partir de muestras de ganglios linfáticos (Aras y Uçan 2010). Los autores concuerdan en que el diagnóstico molecular por PCR es una herramienta útil, especialmente porque hay un grupo significativo de animales infectados, que aparecen negativos en las pruebas serológicas. Además puede convertirse en un protocolo de laboratorio que no es peligroso para el personal y puede ser realizado en un día (Aras y Uçan 2010).

Se corrobora con este caso que un animal con historia de infección por *B. canis* puede dar a luz camadas vivas y a término con o sin tratamiento de la enfermedad (Hollett 2006, Wanke y col 2006); es importante anotar que la leche es una vía de eliminación de la bacteria, lo que sería una posible vía de infección a los neonatos, aunque aún no se ha demostrado. Los resultados del trabajo confirman el riesgo de transmisión tanto horizontal (la leche) como vertical (aislamiento bacteriológico en la madre) que un animal positivo puede representar en un criadero, no sólo para los demás animales convivientes sino también para los humanos en contacto con las secreciones (Olivera y Di-Lorenzo 2009), por ser una zoonosis.

Con respecto a la clasificación de la evolución de la enfermedad, aunque Keid y col (2009) clasifican un hallazgo positivo al aislamiento y positivo a PCR como determinante de una fase aguda de la infección, el reporte de este caso no concuerda, ya que el animal estaba crónicamente infectado, no presentaba ningún signo clínico de la enfermedad y había parido cachorros. Es decir, que la enfermedad puede cursar como crónica, asintomática pero bacterémica y con eliminación por fluidos como la leche.

## RESUMEN

La brucelosis canina, producida por *Brucella canis*, es una enfermedad asociada a problemas reproductivos y de carácter zoonótico. Estas bacterias son excretadas en orina, leche, fetos o semen de los animales infectados y la transmisión ocurre por contacto vía sexual, oral, nasal o conjuntival. El diagnóstico de rutina se realiza por serología, pero la confirmación requiere aislamiento del cultivo bacterial, lo cual es costoso y requiere laboratorios con nivel 3 de bioseguridad. Las técnicas moleculares son una posibilidad reconocida para determinar el ADN bacterial, con alta especificidad y sensibilidad. Este reporte evaluó como prueba de aplicación clínica una técnica de PCR desarrollada para cultivos bacteriales. A una hembra canina asintomática, con historia previa de la enfermedad, amamantando una camada sana de 4 días de nacidos, se le realizó la prueba serológica rápida en placa con 2β-mercaptoetanol, hemocultivo y PCR, de leche y de sangre. Todas las pruebas fueron positivas a *Brucella canis*. Este es el primer reporte de diagnóstico en leche por PCR, lo que corrobora que animales clínicamente asintomáticos eliminan la bacteria por esta vía, lo que constituye un riesgo de infección para los neonatos y el riesgo zoonótico para veterinarios, propietarios del animal o personas que intervengan en el parto si no se toman medidas higiénicas preventivas.

## AGRADECIMIENTOS

Los autores agradecen a Miriam Sánchez por su contribución a la discusión del artículo, al profesor Carlos Muskus y a María Teresa Guerra por la ayuda en el laboratorio molecular.

## REFERENCIAS

- Aras Z, U Uçan. 2010. Detection of *Brucella canis* from inguinal lymph nodes of naturally infected dogs by PCR. *Theriogenology* 74, 658-662.
- Badakhsh FF, LE Carmichael, JA Douglass. 1982. Improved rapid slide agglutination test for presumptive diagnosis of canine brucellosis. *J Clin Microbiol* 15, 286-289.
- Borie-Polanco C. 2005. Infertilidad canina por *Brucella canis*. En: Olivera M, Gobelo C (eds). *El Libro Latinoamericano de Reproducción Canina y Felina*. Ed. Biogénesis, Medellín, Colombia, Pp 249-265.
- Bounaadja L, D Albert, B Chénais, S Hénauld, MS Zygmunt, S Poliak, B Garin-Bastuji. 2009. Real-time PCR for identification of *Brucella spp.*: a comparative study of IS711, bcs31 and per target genes. *Vet Microbiol* 28, 156-64.
- Bricker BJ. 2002. PCR as a diagnostic tool for brucellosis. *Vet Microbiol* 90, 435-446.
- Carmichael LE, RM Kenney. 1968. Canine abortion caused by *Brucella canis*. *J Am Vet Med Assoc* 152, 605-616.
- Carmichael LE, JC Joubert. 1987. A rapid slide agglutination test for the serodiagnosis of *Brucella canis* infection that employs a variant (M-) organism as antigen. *Cornell Vet* 77, 3.

- Di-Lorenzo C, M Olivera. 2008. Aislamiento de *Brucella canis* de leche de hembra canina infectada crónicamente. *Memorias del XXI Congreso Panamericano de Ciencias Veterinarias (PANVET)*, 12-16 de octubre de 2008, Guadalajara, México.
- García-Yoldi D, CM Marín, MJ de Miguel, PM Muñoz, JL Vizmanos, I López-Goñi. 2006. Multiplex PCR Assay for the identification and differentiation of all *Brucella* Species and the vaccine strains *Brucella abortus* S19 and RB51 and *Brucella melitensis*. *Clin Chem* 52, 779-781.
- Giraldo CA, ZT Ruiz-Cortés, M Olivera. 2009. *Brucella canis* en Medellín (Colombia), un problema actual. *Rev UDCA Act & Div Cient* 12, 210-220.
- Hollett R B. 2006. Canine brucellosis: Outbreaks and compliance. *Theriogenology* 66, 575-587.
- Jara S, O Pérez, C Di-Lorenzo, M Olivera. 2005. Diagnóstico de brucelosis canina mediante aglutinación en placa en caninos de Medellín, Colombia. *Rev Col Cienc Pec* 18, 4.
- Keid LB, RM Soares, SA Vasconcellos, J Megid, VR Salgado, LJ Richtzenhain. 2009. Comparison of agar gel immunodiffusion test, rapid slide agglutination test, microbiological culture and PCR for the diagnosis of canine brucellosis. *Res Vet Sci* 86, 22-26.
- Keid LB, RM Soares, SA Vasconcellos, DP Chiebao, VR Salgado, J Megid, LJ Richtzenhain. 2007<sup>a</sup>. A polymerase chain reaction for detection of *Brucella canis* in vaginal swabs of naturally infected bitches. *Theriogenology* 68, 1260-1270.
- Keid L, R Soares, NR Vieira, J Megid, VR Salgado, SA Vasconcellos, M da Costa, F Gregori, LJ Richtzenhain. 2007<sup>b</sup>. Diagnosis of canine brucellosis: comparison between serological and microbiological tests and a PCR based on primers to 16S-23S rDNA interspacer. *Vet Res Commun* 31, 951-965.
- Lara HH, NV Ayala, C Rodríguez. 2007. Laboratorios de bioseguridad nivel 3 y 4: investigación de patógenos peligrosos. *Rev Mex Patol Clin* 54, 177-186.
- Myers DM, VM Varela-Díaz. 1980. Serological and bacteriological detection of *Brucella canis* infection of stray dogs in Moreno, Argentina. *Cornell Vet* 70, 258-265.
- Olivera M, C Di-Lorenzo. 2009. Aislamiento de *Brucella canis* de un humano conviviente con caninos infectados. Informe de un caso. *Colomb Med* 40, 218-220.
- Pardo A, C Pérez, A Góngora, L Gómez, A Moreno. 2009. Encuesta exploratoria de infección por *Brucella canis* en perros de Villavicencio, Colombia. *Rev. MVZ Córdoba* 14, 1690-1696.
- Ruiz JD, CA Giraldo, LV López, F Chica. 2010. Seroprevalencia de *Brucella canis* en perros callejeros del Centro de Bienestar Animal "La Perla", Medellín (Colombia). *Rev Col Cienc Pec* 23, 166-172.
- Serikawa T, T Muraguchi, J Yamada, H Takada. 1981. Long-term observation of canine brucellosis: excretion of *Brucella canis* into urine of infected male dogs. *Jikken Dobutsu* 30, 7-14.
- Wanke MM. 2004. Canine brucellosis. *Anim Reprod Sci* 82, 195-207.
- Wanke M, M Delpino, PC Baldi. 2006. Use of enrofloxacin in the treatment of canine brucellosis in a dog kennel (clinical trial). *Theriogenology* 66, 1573-1578.