



Biota Neotropica

ISSN: 1676-0611

cjoly@unicamp.br

Instituto Virtual da Biodiversidade

Brasil

da Silva Batista, Jacqueline

Estimativa da variabilidade genética intra-específica da dourada - *Brachyplatystoma rousseauxii*

Castelnau 1855 (Pimelodidae - Siluriformes) no sistema Estuário-Amazonas-Solimões

Biota Neotropica, vol. 6, núm. 1, 2006

Instituto Virtual da Biodiversidade

Campinas, Brasil

Disponível em: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=199114285019>

- ▶ Como citar este artigo
- ▶ Número completo
- ▶ Mais artigos
- ▶ Home da revista no Redalyc

redalyc.org

Sistema de Informação Científica

Rede de Revistas Científicas da América Latina, Caribe , Espanha e Portugal
Projeto acadêmico sem fins lucrativos desenvolvido no âmbito da iniciativa Acesso Aberto

Estimativa da variabilidade genética intra-específica da dourada - *Brachyplatystoma rousseauxii* Castelnau 1855 (Pimelodidae – Siluriformes) no sistema Estuário-Amazonas-Solimões

Jacqueline da Silva Batista

Resumo

A dourada (*Brachyplatystoma rousseauxii*) é uma das duas espécies de bagres mais importantes para a pesca da região Norte, sendo capturada comercial e artesanalmente desde Iquitos, no Peru, até a região do estuário do rio Amazonas, em Belém. Trabalhos de vários autores sugerem que esta espécie possui áreas diferenciadas de alimentação/crescimento e reprodução e que, na Amazônia, a espécie é composta por uma única população que sazonalmente migra desde as áreas de alimentação e crescimento para as áreas de reprodução. Este trabalho teve como objetivos principais: estimar a variabilidade genética entre indivíduos de *B. rousseauxii*, coletados em três pontos ao longo do eixo Estuário-Amazonas-Solimões (EAS), e verificar se esta variabilidade estava correlacionada com a distribuição geográfica. Foram seqüenciados 1037 pb da região controle do DNA mitocondrial de 45 indivíduos de *B. rousseauxii*, coletados em Belém, Manaus e Letícia. As seqüências nucleotídicas foram utilizadas em quatro análises: filogenéticas (parcimônia, máxima verossimilhança e distância genética), polimorfismo de DNA, AMOVA e de clados inseridos. Foram identificados 31 haplotipos e nestes 27 *singletons* entre os 45 indivíduos de *B. rousseauxii* seqüenciados. A maior variabilidade genética foi encontrada em Belém e a menor em Letícia, mas não houve correlação da variabilidade genética com distribuição geográfica, sugerindo que *B. rousseauxii* englobe uma única população migradora no eixo EAS. No entanto, como explanação para a maior variabilidade genética encontrada em Belém, não se pode descartar a hipótese de que várias subpopulações de *B. rousseauxii* segreguem-se geográfica e geneticamente nos diferentes afluentes do sistema EAS em função da migração reprodutiva.

Palavras-chave: *Brachyplatystoma rousseauxii*, região controle, seqüenciamento de DNA, filogeografia

FICHA CATALOGRÁFICA

Batista, Jacqueline da Silva

Estimativa da variabilidade genética intra-específica da dourada - *Brachyplatystoma rousseauxii* Castelnau 1855 (Pimelodidae – Siluriformes) no Sistema Estuário-Amazonas-Solimões.

Manaus: INPA, 2001.

XVIII + 97 p.

Dissertação de Mestrado

1. Peixe
2. Siluriformes
3. Pimelodidae
4. Dourada
5. Dna Mitocondrial
6. Região controle
7. Filogeografia