



Acta Scientiae Veterinariae

ISSN: 1678-0345

ActaSciVet@ufrgs.br

Universidade Federal do Rio Grande do Sul
Brasil

Lohmann Arend, Felipe; Diniz Vieira, Arnaldo; de Cesaro, Matheus Pedrotti; Mezzalira, Alceu; Tavares
Duarte de Oliveira, Alexandre; Felix Lopes, Rui Fernando
Expressão gênica das células do cumulus oophorus de bovinos após a vitrificação
Acta Scientiae Veterinariae, vol. 38, núm. 1, 2010, pp. 37-46
Universidade Federal do Rio Grande do Sul
Porto Alegre, Brasil

Disponível em: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=289021810006>

- ▶ Como citar este artigo
- ▶ Número completo
- ▶ Mais artigos
- ▶ Home da revista no Redalyc

Expressão gênica das células do *cumulus oophorus* de bovinos após a vitrificação*

Gene expression of bovine *cumulus oophorus* cells after vitrification

Felipe Lohmann Arend¹, Arnaldo Diniz Vieira², Matheus Pedrotti de Cesaro², Alceu Mezzalira², Alexandre Tavares Duarte de Oliveira³ & Rui Fernando Felix Lopes¹

RESUMO

Um dos desafios da criobiologia continua sendo o desenvolvimento de um método que proporcione a manutenção da viabilidade após a criopreservação de óócitos imaturos na espécie bovina. A vitrificação tem sido a metodologia que proporciona resultados de sobrevivência após a criopreservação mais promissores para complexos *cumulus*-óócito (CCOs) imaturos bovinos. Entretanto, a ação dos crioprotetores sobre as células do *cumulus oophorus*, no que diz respeito à regulação da expressão de genes importantes nesta fase, ainda é pouco compreendida. O objetivo do trabalho foi avaliar a expressão gênica das proteínas ácido hialurônico sintase 2 (HAS2), *link protein* (HAPLN1), connexina 43 (GJA1) e proteína de choque térmico HSP70-1 (HSP70-1) em células do *cumulus oophorus* de óócitos imaturos bovinos submetidos a exposição e/ou vitrificação na solução crioprotetora (SV) composta por 20% de etileno glicol (EG) + 20% dimetil sulfóxido (DMSO) + 0,5M de sacarose. Os CCOs foram selecionados e distribuídos em 4 grupos experimentais: *G1*, CCOs não submetidos a maturação *in vitro* (MIV); *G2*, CCOs submetidos à MIV; *G3*, CCOs maturados após a exposição à SV; e *G4*, CCOs maturados após a vitrificação com a SV. A MIV foi realizada em TCM 199, suplementado com soro de égua em estro, à 39°C, 5% de CO₂ e máxima umidade relativa, por 22 a 24 horas. A extração do RNA das amostras de células do *cumulus* foi realizada pelo método do fenol-clorofórmio seguido por uma etapa de captação específica do mRNA. Após a utilização da técnica de RT-PCR para a obtenção do cDNA e amplificação dos quatro fragmentos específicos, a análise dos resultados não mostrou diferença significativa entre os grupos para a abundância relativa dos transcritos de *link protein* (p=0,486), HAS2 (p=0,394), *connexina 43* (p=0,116) e *HSP70-1* (p=0,248).

Descritores: *cumulus oophorus*, expressão gênica, maturação *in vitro*, vitrificação.

ABSTRACT

A challenge of cryobiology remains in to develop a method that provides adequate results of viability after cryopreservation of immature bovine oocytes. Vitrification has been the methodology that provides most promising survival results after cryopreservation for immature bovine *cumulus*-oocyte complexes (CCCs). However, the action of cryoprotectants on the gene expression regulation of *cumulus oophorus* cells is still poorly understood. The aim of this study was to evaluate, through the RT-PCR technique, the gene expression of hyaluronic acid synthase protein 2 (HAS2), link protein, connexin 43 and heat shock protein 70 (HSP70-1) in *cumulus oophorus* cells of immature bovine oocytes exposed and/or vitrified in cryoprotectant solution (VS) containing 20% ethylene glycol (EG) + 20% dimethylsulfoxide (DMSO) + 0.5 M sucrose before *in vitro* maturation (IVM). The immature COCs were selected, and allocated into four experimental groups: *G1*, COCs no submitted to IVM; *G2*, COCs submitted to IVM; *G3*, COCs exposed to VS and submitted to IVM; and *G4*, COCs vitrified with VS and submitted to IVM. The IVM was performed in TCM 199 supplemented with oestrus mare serum, at 39°C, under 5% of CO₂ and maximum relative humidity, for 22 to 24 hours. The RNA extraction from *cumulus* cells samples was performed by using the phenol-chloroform followed by the specific capture of the mRNA. The mRNAs were transcribed into cDNA using RT-PCR to evaluate patterns of gene expression. The results showed no significant difference between the groups tested for the relative abundance of *link protein* (p=0.486), HAS2 (p=0.394), *connexin 43* (p = 0.116) and *HSP70-1* (p = 0.248) transcripts.

Keywords: *cumulus oophorus*, gene expression, *in vitro* maturation, vitrification.

Received: August 2009

www.ufrgs.br/actavet

Accepted: November 2009

*Trabalho originado da Dissertação do primeiro autor. Programa de Pós-graduação em Ciências Veterinárias (PPGCV), Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS), Porto Alegre, RS, Brasil. ¹Laboratório de Biotecnologia Animal Aplicada, Instituto de Ciências Básicas da Saúde (ICBS), Departamento de Ciências Morfológicas, UFRGS, Av. Sarmento Leite no. 500, CEP 90050-170 Porto Alegre, RS, Brasil. ²Centro de Ciências Agroveterinárias (CAV), Universidade do Estado de Santa Catarina (UDESC), Lages, SC, Brasil. ³Universidade Federal de Ciências da Saúde de Porto Alegre (UFCSPA), Porto Alegre, RS, Brasil. CORRESPONDÊNCIA: R. F. F. Lopes [rui.lopes@ufrgs.br] Fone + 55 (51) 9991 2332].

INTRODUÇÃO

A obtenção de índices satisfatórios de sobrevivência oocitária após a criopreservação permite maior flexibilidade na execução de rotinas de maturação, fecundação, cultivo *in vitro* e transferência nuclear [11]. Exemplos bem sucedidos de vitrificação de oócitos têm sido relatados na espécie bovina [20, 25,30,41,45]. Entretanto, as taxas de fecundação e desenvolvimento embrionário subsequentes ainda são inferiores às obtidas com oócitos não vitrificados [22]. As razões para esta diferença podem estar relacionadas com velocidades de resfriamento e reaquecimento insuficientes [38] e também com alterações provocadas na comunicação entre o oóbito e as células do *cumulus oophorus* ou na própria viabilidade destas células [33].

As células da granulosa são importantes para o processo de maturação oocitária e, *in vivo*, o desenvolvimento folicular, maturação e ovulação só ocorrem de forma bem sucedida se há uma comunicação entre as células da granulosa e o oóbito [35,42]. Buscar um padrão de expressão dos genes no oóbito e nas células da granulosa associado ao processo de maturação *in vitro* (MIV) é de grande valia para elucidar aspectos que possam aumentar a eficiência do sistema de produção *in vitro* [28,48].

O objetivo do trabalho foi avaliar a expressão de proteínas de interesse no processo de maturação como, a ácido hialurônico sintase 2 (HAS2; *hyaluronan synthase*), a *link protein* (HAPLN1; *hyaluronan and proteoglycan link protein 1*), a conexina 43 (GJA1; *gap junction protein, alpha 1, 43kDa*) e a proteína de choque térmico 70-1 (HSP70-1; *heat shock 70 kD protein 1*), em células do *cumulus oophorus* de oócitos imaturos bovinos submetidos a exposição e/ou vitrificação na solução crioprotetora (SV) composta por 20% de etileno glicol (EG) + 20% de dimetil sulfóxido (DMSO) + 0,5M de sacarose.

MATERIAIS E MÉTODOS

Complexos *cumulus oophorus*-oócitos (CCOs)

Ovários bovinos foram coletados em abatedouro e transportados à temperatura de 24 a 30°C em solução salina tamponada com fosfato, adicionado de penicilina G potássica (P-4686)¹ e sulfato de estreptomicina (S-1277)¹. Entre cinco a oito horas após o início do abate, os folículos que apresenta-

vam diâmetro entre 2 e 8 mm, foram punctionados com uma agulha de 19G conectada a um tubo de ensaio, ligado a uma bomba de vácuo com pressão suficiente para aspirar 20ml de líquido/min, de acordo com a técnica descrita por Lehmkuhl *et al.* [17]. Após a punção, os complexos *cumulus oophorus*-oócito (CCOs) foram selecionados e lavados em meio de manipulação (meio TCM199 com sais de Earle; M-2520¹) adicionado de 5,96mg/ml de Hepes [H 6147]¹; 2,2mg/ml de NaHCO₃ (S-5761)¹; 2,2µg/ml de piruvato de sódio (P-2256)¹; 50 mg/ml de gentamicina (G-1264)¹ e 10% de soro de égua em estro [SEE]). Os CCOs selecionados foram classificados de acordo com as características morfológicas [18] e apenas aqueles que apresentavam camadas compactas de células do *cumulus* e cujos oócitos mostrassem citoplasma homogêneo foram utilizados.

Grupos experimentais

Após a seleção, grupos de 5 ou de 25 CCOs foram homogeneamente distribuídos em 4 grupos experimentais: grupo 1 (CNM) – 5 CCOs não submetidos a maturação *in vitro* (MIV); grupo 2 (MIV) – 25 CCOs submetidos à MIV; grupo 3 (ESV) – 25 CCOs maturados após a exposição à solução de vitrificação (SV); e grupo 4 (VSV) – 25 CCOs vitrificados com a SV, reaquecidos após 24 horas e submetidos à MIV.

Os 5 CCOs do grupo 1 (não submetidos a MIV) foram submetidos ao desnudamento mecânico em agitador de tubos e, em seguida, os oócitos foram recuperados e as células do *cumulus* concentradas por centrifugação antes do acondicionamento em tubos cônicos de microcentrifuga de 0,5 ml para armazenamento em nitrogênio líquido, visando a preservação do mRNA. Os 25 CCOs de cada um dos demais grupos foram submetidos aos tratamentos específicos de MIV (grupo 2) ou MIV com prévia exposição (grupo 3) ou vitrificação (grupo 4); nestes grupos, após a MIV foram coletados 5 CCOs para serem desnudados e armazenados em nitrogênio líquido de forma idêntica aos CCOs imaturos do grupo 1.

Vitrificação dos CCOs imaturos e maturação *in vitro* (MIV)

A vitrificação foi realizada através da exposição ao nitrogênio líquido em tubos de vidro manualmente estirados. Os CCOs foram inicialmente expostos a solução de equilíbrio (SE) composta por 10%

de etileno glicol (EG; E-9129)¹ + 10% de dimetil sulfóxido (DMSO; D-2650)¹ em meio de manipulação. Após 30 segundos de exposição, os CCOs foram expostos a solução de vitrificação (SV) composta de 20% de EG + 20% de DMSO + 0,5M de sacarose (S- 1888)¹ em meio de manipulação, por 25 segundos. Após este período de exposição os CCOs foram depositados na solução de remoção de crioprotetores (grupo 3) ou envasados e mergulhados obliquamente no nitrogênio líquido (grupo 4). A remoção dos crioprotetores foi realizada mediante imersão dos CCOs em uma solução de 0,3 M de sacarose em meio de manipulação com 20% de SEE, por cinco minutos, seguida da passagem em uma solução de 0,16 M de sacarose em meio de manipulação com 20% de SEE, por cinco minutos.

Após a realização do tratamento específico, os CCOs imaturos dos grupos 2 a 4 foram transferidos para o meio de maturação (Meio TCM199 com sais de Earle, adicionado de 5,96mg/ml de Hepes; 2,2mg/ml de NaHCO₃; 2,2µg/ml de piruvato de sódio; 0,5µg/ml de FSH²/ml; 0,03UI de hCG³ e 10% de SEE), para incubação a 39°C em estufa com atmosfera de 5% de CO₂ e máxima umidade relativa, onde permaneceram por 22 a 24 horas.

Produção *in vitro* de embriões

Os embriões foram produzidos *in vitro* em 10 repetições, utilizando os procedimentos experimentais descritos anteriormente por Vieira *et al.* [44], com pequenas modificações. Para a fecundação *in vitro* (FIV) foram selecionados espermatozoides pela técnica de “swim-up” a partir de sêmen congelado, proveniente de um touro com reconhecida eficiência na produção *in vitro* de embriões. A inseminação (dia zero=D0) foi obtida mediante a deposição de 20ml de meio com uma concentração final de 1x10⁶ espermatozoides/ml as gotas de maturação contendo os CCOs e incubação por 18–22 horas, nas mesmas condições de cultivo descritas para a maturação.

Após a FIV, os prováveis zigotos foram desnudados das células do *cumulus oophorus*, mediante agitação mecânica em agitador de tubos (1800 rpm por 60 segundos), recuperados e lavados em meio de manipulação e transferidos para as respectivas placa de cultivo *in vitro* (CIV), contendo 400ml de meio SOFaaci [9], sob óleo mineral (M 8410)¹. A incubação foi realizada a 39°C em estufa de cultivo com atmosfera de 5% CO₂ até a avaliação da taxa de

clivagem 48 horas após a inseminação (dia 2=D2), quando foram removidas as estruturas não clivadas. Após isso, a placa de cultivo foi acondicionada em uma bolsa de plástico não permeável a gases [39] para incubação com atmosfera constante de 5% de CO₂, 5% de O₂, 90% de N₂, máxima umidade relativa e temperatura de 39°C durante o restante do cultivo. A taxa de desenvolvimento embrionário até o estádio de blastocisto foi avaliada nos dia 7 e 8 (D7 e D8) do CIV.

Análise da expressão gênica por RT-PCR semi-quantitativo

A extração do RNA das amostras contendo as células do *cumulus oophorus* dos 5 CCOs em cada amostra foi realizada utilizando o reagente TRIzol⁴, de acordo com as instruções do fabricante. Para a captação específica do RNA mensageiro (mRNA) foi utilizado o produto comercial Dynabeads[®] mRNATM DIRECT Micro Kit⁵, conforme descrito anteriormente [24]. Antes da captação do mRNA, 0,1 pg de mRNA de alfa-hemoglobina (HBA) de coelho⁶ foi adicionado a cada amostra como um controle interno para ser analisado simultaneamente.

Os mRNAs isolados individualmente de células do *cumulus oophorus* de 5 CCOs em cada amostra foram transcritos reversamente em cDNA em uma solução contendo 4 µl de tampão 5X First Strand Buffer (250 mM Tris-HCl pH 8,3; 375 mM KCl; 15 mM MgCl₂)⁴; 2 µl de DTT (50 mM)⁴; 1µl Oligo(dT)₁₂₋₁₈ primer (0,5 µg/ml)⁴; 2 µl de solução com 2,5 mM de cada dNTP⁴; 2 µl de RNaseOUTTM Recombinant Ribonuclease Inhibitor (10 U/µl)⁴; e 100 U de enzima M-MLV Reverse Transcriptase (200 U/µl)⁴ em um volume final de 20 µl, em tubos cônicos de polipropileno de 0,5 ml. A reação de RT realizada a 37°C por 60 minutos seguida de aquecimento a 95°C por 10 minutos. Ao final da reação de transcrição reversa, as amostras de cDNA das células do *cumulus* foram diluídas para um volume final de 50µl, com água livre de RNase, de maneira que cada amostra apresentasse o correspondente a 0,1 CCO em cada 1 µl do cDNA (equivalente CCO). Amostras com mRNA de HBA de coelho adicionadas às amostras de células do *cumulus* (globina + amostra) e amostras apenas com mRNA de HBA (globina pura) foram submetidas a RT-PCR.

A PCR foi realizada em tubos de 0,5 ml contendo: 2 µl de tampão 10X PCR Buffer (200 mM

Tris-HCl pH 8,4; 500 mM KCl)⁴; 0,6 µl de MgCl₂ (50 mM)⁴; 1 µl da solução de 10 mM de dNTP⁴; 0,2 µl de enzima Platinum® *Taq* DNA Polymerase (5 U/ml)⁴; 1 µl (10 ou 20 pmoles/µl) de cada oligonucleotídeo⁴ (Tabela 1); 0,1 a 1,2 equivalente CCO (1 µl a 12 µl) de cDNA das amostras de células do *cumulus*, de acordo com o gene pesquisado, ou 1 pg (1pg/µl) de cDNA de HBA de coelho; e água ultra-pura livre de DNase em quantidade suficiente para completar um volume final de 20 µl. A mistura foi coberta com óleo mineral (M-5904)¹ e os tubos submetidos a PCR com desnaturação inicial de 94°C por 2 minutos, seguida de 33 ou 38 ciclos de amplificação de 94°C por 1 minuto, 56°C por 1 minuto e 72°C por 90 segundos, e um ciclo de extensão final de 72°C por 3 minutos. Foram utilizados 20 pmoles de oligonucleotídeos e 38 ciclos de amplificação para a *link protein 1* e 10 pmoles de oligonucleotídeos e 33 ciclos para os demais fragmentos. Foi utilizado 1,2 equivalente CCO para *link protein 1*; 0,2 equivalente CCO para *HAS2*; 0,1 equivalente CCO para *conexina 43*; 0,3 equivalente CCO para *HSP70-1*; e 0,25 equivalente CCO para *HBA* de coelho.

Os produtos da amplificado por PCR foram submetidos à eletroforese em gel de agarose (15510-019)⁷ a 2% em tampão TBE 0,5X (45 mM Tris-borato⁷; 1 mM EDTA⁸, pH 8,0) contendo 0,5 µg/ml

de brometo de etídio (E-8751)¹. Cada gel foi fotografado com câmera digital (DC40 camera)⁹ e a intensidade de cada banda obtida foi medida e a densidade óptica foi analisada utilizando o programa Scion Image¹⁰. A quantidade relativa de mRNA de interesse foi calculada através da divisão da intensidade da banda de cada amostra de células do *cumulus* em cada grupo testado pela intensidade da banda de HBA de coelho da amostra correspondente. Para cada mRNA, foram realizadas 3 repetições experimentais com CCOs produzidos em diferentes rotinas de MIV.

Análise estatística

Os resultados de clivagem e de desenvolvimento embrionário até o estádio de blastocisto foram analisados utilizando o teste do Chi quadrado, complementado pela análise dos resíduos. A abundância relativa dos transcritos de interesse foi analisada pela ANOVA usando o pacote de programa SPSS¹¹.

RESULTADOS

Os dados de viabilidade embrionária obtidos no experimento de exposição dos CCOs à solução de vitrificação (SV) estão agrupados na Tabela 2. O grupo exposto à SV (ESV) e o grupo vitrificado (VSV) apresentaram resultados significativamente inferio-

Tabela 1. Sequência de bases dos oligonucleotídeos utilizados na técnica de RT-PCR para a amplificação de cDNA e número de pares de base (pb) do fragmento amplificado.

Genes	Acesso no GenBank	Sequência dos oligonucleotídeos	Produto amplificado
<i>GJA1</i>	NM_174068	5' GGGAAAGAGCGATCCTTACCACTACCTACCAC 3' CCACCTCCAATGAAACAAAATGAACACCTA	516pb
<i>HAS2</i>	NM_174079	5' GCTTGACCCAGCATCATCTGTGG 3' CTGGTTAACCATCTGAGATATT	403pb
<i>HAPLN1</i>	NM_174288	5' GGTCTGTGCAATATCCCATC 3' CCCACTTTAGCAATCTGAGC	232pb
<i>HSP70-1</i>	NM_174550	5' AAGGTGCTGGACAAGTGCCAGGAGGTGATT 3' ACTTGGAAGTAAACAGAAACGGGTGAAAAAA	488pb
<i>HBA</i>	NM_001082389	5' GCAGGCCACGGTGGCGAGTAT 3' GTGGGACAGGAGCTTGAAAT	257pb

GJA1 (gap junction protein, alpha 1, 43kDa); *conexina 43*; *HAPLN1* (hyaluronan and proteoglycan link protein 1); *link protein*; *HAS2* (hyaluronan synthase); ácido hialurônico sintase 2; *HBA* (alpha-hemoglobin); alfa-hemoglobina; *HSP70* (heat shock 70 kD protein 1); proteína de choque térmico 70-1.

res ao grupo controle para a taxa de clivagem ($p=0,0001$) e desenvolvimento embrionário até blastocisto D7 ($p=0,0001$) e blastocisto D7 + D8 ($p=0,0001$).

A análise das fotografias realizadas dos géis após a eletroforese, através da medição da densidade óptica de cada banda dos fragmentos de cDNA, permitiu estabelecer um valor de abundância relativa para cada amostra, relacionada com a expressão

dos transcritos. A média e o desvio padrão dos valores de abundância relativa dos transcritos obtidos a partir das células do *cumulus oophorus* de 5 CCOs bovinos em cada um dos quatro grupos experimentais, após três repetições, são apresentados na Figura 1. Entre os diferentes grupos de CCOs testados não foi observada diferença significativa na abundância relativa dos transcritos de *link protein* ($p=0,486$), *HAS2* ($p=0,394$), *conexina 43* ($p=0,116$) e *HSP70-1* ($p=0,248$).

Tabela 2. Taxa de clivagem e de desenvolvimento até o estádio de blastocisto de óocitos bovinos imaturos expostos à solução de vitrificação (ESV) ou vitrificados (VSV).

Grupos	Número de óocitos	Clivagem	Blastocistos	
			D7	D7 + D8
Controle	359	287 ^a (79,9)	131 ^a (36,5)	145 ^a (40,4)
ESV	118	71 ^b (60,1)	20 ^b (16,9)	24 ^b (20,3)
VSV	217	94 ^c (43,3)	9 ^c (4,1)	10 ^c (4,6)

a, b, c: números seguidos de letras desiguais na coluna diferem estatisticamente pelo teste do Qui-quadrado ($p=0,0001$).

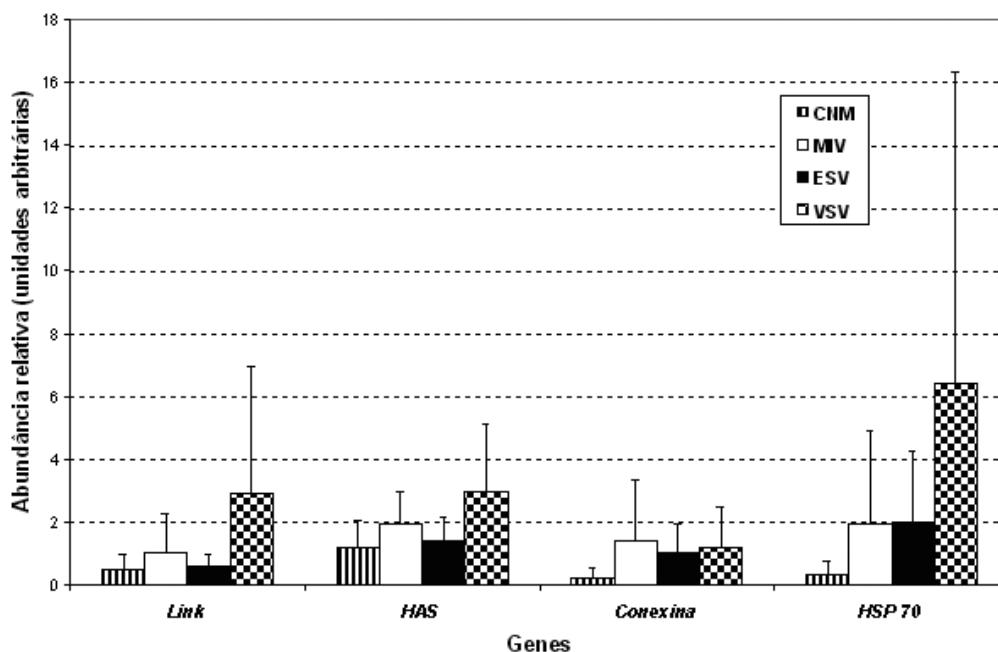


Figura 1. Abundância relativa do mRNA (média ± desvio padrão) de *link protein*, *HAS2*, *conexina 43* e *HSP70-1* nos diferentes grupos de células do *cumulus* bovinas. Grupo 1 (CNM – CCOs não submetidos à maturação *in vitro*); Grupo 2 (MIV – CCOs submetidos à maturação *in vitro*); Grupo 3 (ESV – CCOs maturados após exposição à solução de vitrificação); Grupo 4 (VSV – CCOs maturados após a vitrificação).

DISCUSSÃO

Apesar dos avanços e da importância da criopreservação de ovários e oócitos, um dos mais difíceis tipos celulares de serem criopreservados ainda é o oócito [6]. Após a criopreservação, na qual a vitrificação aparece como o método com melhores resultados, o oócito apresenta comprometimento da sua capacidade de desenvolvimento. A vitrificação procura evitar a formação de cristais de gelo dentro da célula através do grande aumento da viscosidade da solução utilizada. Porém, tanto a alta concentração dos crioprotetores, que pode tornar-se tóxica para as células quando utilizadas em temperatura inadequada, como o resfriamento, provocam danos celulares [4,40].

No presente trabalho, a solução de EG, combinado ao DMSO e sacarose, mostrou resultados de clivagem e desenvolvimento embrionário até o estádio de blastocisto inferiores ao grupo controle, como já foi observado anteriormente por outros autores [1,11,43,45]. Oócitos e embriões sofrem consideráveis danos na sua estrutura e funções durante a criopreservação e provavelmente as células da granulosa também sofram algum tipo de dano. Entretanto, de alguma forma, parte destas células possui a capacidade de reparar parcial ou completamente os danos, prosseguindo seu desenvolvimento normal [40].

O EG é bastante utilizado para vitrificação de oócitos imaturos bovinos por possuir alta permeabilidade e baixa toxicidade; já o DMSO tem uma ação tóxica que provoca desarranjo dos microtúbulos no oócito [4]. Alguns dos oócitos vitrificados não realizam a extrusão normal do corpúsculo polar mesmo após a separação dos cromossomos, o que indica capacidade de maturar normalmente atingindo o estágio de telófase I [4]. Entretanto, danos em algum fator regulador chave envolvido na extrusão, observados pelas diferenças na atividade metabólica das mitocôndrias dos oócitos vitrificados em relação aos do grupo controle [1] e alterações no conteúdo de fosfolipídios e composição de ácidos graxos [12], podem explicar a baixa sobrevivência oocitária após a vitrificação. Alterações nas mitocôndrias e lipídios após a criopreservação poderiam afetar a fecundação e o processo de desenvolvimento posterior. Por outro lado, o dano causado pela criopreservação poderia levar a destruição do contato intercelular entre

as células do *cumulus* e o oócito, principalmente através das junções comunicantes [11].

Experimentos que avaliam a estrutura dos CCOs criopreservados submetidos a maturação *in vitro* não examinam a influência da vitrificação sobre as células da granulosa [4,21]. No que se refere à análise da expressão de genes relacionados ao processo de maturação *in vitro*, a literatura dá maior ênfase à expressão de transcritos do oócito, não avaliando, geralmente, a expressão em células da granulosa. Este é o primeiro trabalho que avalia a expressão gênica em células do *cumulus oophorus* de CCOs imaturos vitrificados na espécie bovina. A avaliação da qualidade dos CCOs, baseada na análise da expressão de genes relacionados ao processo de maturação *in vitro*, pode ajudar a compreender melhor o que acontece durante a produção *in vitro*, especialmente nesta fase inicial [28]. As informações sobre expressão gênica das células da granulosa após a vitrificação são escassas na literatura consultada. Não há ainda uma padronização do processo de RT-PCR para avaliação da abundância de mRNA em diferentes amostras de oócitos e células da granulosa [23,48]. Os trabalhos basicamente discutem a participação das células da granulosa no desenvolvimento do oócito e os processos envolvidos na interação entre as duas estruturas [10,28,36,46,49].

Durante a maturação, ocorre secreção de grandes quantidades de ácido hialurônico (HA) e outras proteínas que originam uma matriz extracelular gelatinosa envolvida na expansão do complexo *cumulus oophorus*-oócito [13,29]. Quando o HA é adicionado ao meio de maturação e cultivo há um aumento do potencial de desenvolvimento de oócitos [19] e embriões [8,32] bovinos. A expressão da proteína ácido hialurônico sintase 2 (HAS2), envolvida com a síntese de HA pelas células do *cumulus*, tem sido relacionada ao desenvolvimento da competência do oócito [7]. A importância da HAS está relacionada com o processo de expansão da matriz [10]. O agregado protéico formado entre o HA e as proteoglicanas, responsável por manter a integridade e dar suporte às funções da matriz extracelular, é dependente da *link protein* (HAPLN1), proteína produzida pelas células do *cumulus* [15,34] e envolvida também na expansão do CCO [31,48].

A importância dos genes *HAS2* e *link protein* durante a maturação sugere uma possível diferença

na abundância relativa do mRNA de ambos quando comparados CCOs antes e após a maturação. Entretanto, no presente trabalho, esta diferença não foi demonstrada, apesar das médias de abundância relativa após a maturação serem mais altas. Da mesma forma, a expectativa de que a exposição ao crioprotetor e a vitrificação levassem à alteração no perfil de expressão destes genes por interferir na viabilidade de síntese das células do *cumulus*, não pôde ser observada, pois houve uma variabilidade muito grande no perfil de abundância de mRNA entre as diferentes repetições para os grupos de CCOs.

A família de genes *conexina* expressa proteínas que formam junções comunicantes importantes para comunicação célula-célula e resposta coordenada. O mRNA e a proteína do gene *conexina 43* está presente nos CCOs bovinos durante a maturação *in vitro* [3,47]. As junções comunicantes têm uma função importante durante a maturação *in vitro* do oócito bovino, uma vez que o bloqueio da sinalização através das junções comunicantes ou a redução da proteína conexina 43 resulta em diminuição das taxas de maturação [47]. Além disso, a expansão das células do *cumulus*, evento importante relacionado com a maturação, é acompanhada de modificações nos canais transmembrana formados pela conexina 43 [5]. No presente trabalho não se observou diferença estatística na abundância relativa do mRNA de *conexina 43* entre os grupos de CCOs imaturos e após a maturação *in vitro*, apesar das médias de abundância relativa de todos os grupos de CCOs pós-maturação serem mais altas, principalmente no grupo de CCOs maturados sem tratamento com crioprotetor. O processo de vitrificação expõe as células a substâncias que apresentam algum grau de toxicidade e que, por sua vez, causam certo tipo de lesão ou morte celular. Seria esperado que a exposição dos CCOs aos crioprotetores ou à vitrificação causassem alguma interferência na viabilidade das células do *cumulus* e no arranjo protéico intercelular, afetando a expressão da conexina 43. Este efeito não foi observado quando comparada a abundância de mRNA de conexina 43 entre os grupos de CCOs maturados. Provavelmente, exista uma grande variação entre os CCOs selecionados para os experimentos e na resposta destes aos diferentes tratamentos, pois os resultados mostram uma variabilidade muito grande no perfil de abundância de mRNA entre as diferentes

repetições para os grupos de CCOs. Já foi relatada [37] grande variação nos níveis de mRNA de *conexina 43* nas células da granulosa de folículos humanos e, provavelmente, esta resposta variável ocorre em função da grande quantidade de células da granulosa presentes no CCO.

As HSPs estão envolvidas na regulação da apoptose celular e a HSP70 previne tanto a morte celular dependente como a independente de caspase [27]. O aumento da abundância dos transcritos de *HSP70* em embriões bovinos vitrificados, comparados com embriões não criopreservados é indicativo de uma resposta ao estresse e da diminuição da qualidade dos embriões, em função dos danos causados pela vitrificação [26]. O acúmulo de transcritos durante o período de crescimento do oócito é fundamental para o desenvolvimento inicial até a ativação do genoma embrionário. Entretanto, durante a MIV, os oócitos e as células da granulosa são expostos a uma série de suplementos, como soro ou BSA, que podem afetar a transcrição dos genes. Em blastocistos bovinos produzidos *in vitro*, alguns autores consideram que o aumento da abundância relativa de *HSP70* está relacionada com a suplementação do meio com BSA ou soro durante a maturação dos oócitos [28,46], enquanto outros mostram que a suplementação protéica com BSA ou soro no meio de maturação ou cultivo não alteram o perfil de abundância do mRNA de *HSP70* dos embriões [16,24]. No presente trabalho, a resposta ao estresse da exposição dos CCOs imaturos aos crioprotetores e ao processo de vitrificação não causou diferença significativa na abundância relativa dos transcritos de *HSP70*.

Diferentes genes expostos às mesmas condições experimentais podem ser induzidos diferencialmente dependendo de qual processo físico é afetado. Neste trabalho, apesar da queda da viabilidade dos oócitos após a exposição à SV ou vitrificação, não foi observada diferença na expressão dos genes entre CCOs imaturos e após a MIV, ou entre CCOs maturados após a exposição ou vitrificação. Entretanto, foram observadas grandes variações no perfil de abundância de mRNA entre as diferentes repetições para os grupos de CCOs expostos ao mesmo tratamento. Isto sugere que a falta de significância estatística para a abundância relativa de mRNA entre os tratamentos pode ser devida a grande variação entre as amostras de CCOs, como é relatado em tra-

lhos com embriões bovinos [2,24]. Outra possibilidade para esta variação no perfil de abundância relativa entre os grupos pode estar relacionada como sistema de MIV utilizado para os experimentos; a suplementação do meio com soro tem sido relacionada à variabilidade de resposta de embriões [14] e de CCOs bovinos *in vitro* [3].

CONCLUSÕES

A exposição dos complexos *cumulus oophorus*-oócito (CCOs) bovinos às soluções crioprotetoras e à vitrificação diminuiram a viabilidade dos oócitos e sua posterior capacidade de desenvolvimento embrionário *in vitro*. As condições de maturação *in vitro*, a exposição às soluções crioprotetoras e a vitrificação não afetaram a expressão dos transcritos nas células

do *cumulus oophorus* bovinos. Os genes utilizados não se mostraram bons marcadores para a avaliação do processo maturação e vitrificação de CCOs no que se refere ao comportamento das células do *cumulus oophorus* bovinos.

NOTAS INFORMATIVAS

¹Sigma Chemical Co., St. Louis, MO, EUA.

²Folltropin®, Vetrepharm, Ontário, Canadá.

³Profasi®, Serono, São Paulo, Brasil.

⁴Invitrogen™, São Paulo, Brasil.

⁵DYNAL, Oslo, Noruega.

⁶BRL, Gaithersburg, MD, EUA.

⁷GIBCO BRL, Grand Island, NY, EUA.

⁸MERK, Darmstadt, Alemanha.

⁹Eastman Kodak Company, Rochester, NY, EUA.

¹⁰Scion Corporation, Frederick, MD, EUA.

¹¹SPSS Inc., Chicago, IL., EUA

REFERÊNCIAS

- 1 Abe Y., Hara K., Matsumoto H., Kobayashi J., Sasada H., Ekwall H., Rodriguez-Martinez H. & Sato E. 2005. Feasibility of a nylon-mesh holder for vitrification of bovine germinal vesicle oocytes in subsequent production of viable blastocysts. *Biology of Reproduction*. 72(6): 1416-1420.
- 2 Bilodeau-Goeseels S. & Panich P. 2002. Effects of oocyte quality on development and transcriptional activity in early embryos. *Animal Reproduction Science*. 71(3-4): 143-155.
- 3 Calder M.D., Caveney A.N., Smith L.C. & Watson A.J. 2003. Responsiveness of bovine cumulus-oocyte-complexes (COC) to porcine and recombinant human FSH, and the effect of COC quality on gonadotropin receptor and Cx43 marker gene mRNAs during maturation *in vitro*. *Reproductive Biology and Endocrinology*. 1: 14. [Fonte: <<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC151788/pdf/1477-7827-1-14.pdf>>].
- 4 Cetin Y. & Bastan A. 2006. Cryopreservation of immature bovine oocytes by vitrification in straws. *Animal Reproduction Science*. 92(1-2): 29-36.
- 5 Dell'Aquila M.E., Caillaud M., Maritati F., Martoriat A., Gerard N., Aiudi G., Minoia P. & Goudet G. 2004. Cumulus expansion, nuclear maturation and connexin 43, cyclooxygenase-2 and FSH receptor mRNA expression in equine *cumulus*-oocyte complexes cultured *in vitro* in the presence of FSH and precursors for hyaluronic acid synthesis. *Reproductive Biology and Endocrinology*. 2: 44. [Fonte: <<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC446214/pdf/1477-7827-2-44.pdf>>].
- 6 Diez C., Duque P., Gómez E., Hidalgo C.O., Tamargo C., Rodriguez A., Fernández L., de la Varga S., Fernández A., Facal N. & Carabajo M. 2005. Bovine oocyte vitrification before or after meiotic arrest: effects on ultrastructure and developmental ability. *Theriogenology*. 64(2): 317-333.
- 7 Dunning K.R., Lane M., Brown H.M., Yeo C., Robker R.L. & Russel D.L. 2007. Altered composition of the *cumulus*-oocyte complex matrix during *in vitro* maturation of oocytes. *Human Reproduction*. 22(11): 2842-2850.
- 8 Furnus C.C., De Matos D.G. & Martinez A.G. 1998. Effect of hyaluronic acid on development of *in vitro* produced bovine embryos. *Theriogenology*. 49(8): 1489-1499.
- 9 Holm P., Booth P.J., Schmidt M.H., Greve T. & Callesen H. 1999. High bovine blastocyst development in a static *in vitro* production system using SOFa medium supplemented with sodium citrate and myo-inositol with or without serum proteins. *Theriogenology*. 52(4): 683-700.
- 10 Irving-Rodgers H.F. & Rodgers R.J. 2005. Extracellular matrix in ovarian follicular development and disease. *Cell and Tissue Research*. 322(1): 89-98.
- 11 Kim D.H., Park H.S., Kim S.W., Hwang I.S., Yang B.C., Im G.S., Chung H.J., Seong H.W., Moon S.J. & Yang B.S. 2007. Vitrification of immature bovine oocytes by the microdrop method. *Journal of Reproduction and Development*. 53(4): 843-851.

- 12 **Kim J.Y., Kinoshita M., Ohnishi M. & Fukui Y.** 2001. Lipid and fatty acid analysis of fresh and frozen-thawed immature and *in vitro* matured bovine oocytes. *Reproduction.* 122(1): 131-138.
- 13 **Kimura N., Konno Y., Miyoshi K., Matsumoto H. & Sato E.** 2002. Expression of hyaluronan synthases and CD44 messenger RNAs in porcine *cumulus*-oocyte complexes during *in vitro* maturation. *Biology of Reproduction.* 66(3): 707-717.
- 14 **Knijn H.M., Wrenzycki C., Hendriksen P.J., Vos P.L., Herrmann D., Van Der Weijden C.G., Niemann H. & Dieleman S.J.** 2002. Effects of oocyte maturation regimen on the relative abundance of gene transcripts in bovine blastocysts derived *in vitro* or *in vivo*. *Reproduction.* 124(3): 365-375.
- 15 **Kobayashi H., Sun G.W., Hirashima Y. & Terao T.** 1999. Identification of link protein during follicle development and *cumulus cells* cultures in rats. *Endocrinology.* 140(8): 3835-3842.
- 16 **Lazzari G., Wrenzycky C., Herrmann D., Duchi R., Kruip T., Niemann H. & Galli C.** 2002. Cellular and molecular deviations in bovine *in vitro*-produced embryos are related to the large offspring syndrome. *Biology of Reproduction.* 67(3): 767-775.
- 17 **Lehmkuhl R.C., Mezzalira A., Vieira A.D., Barbieri D.P., Machado M.F., Rubin M.I.B. & Silva C.A.M.** 2002. Viabilidade de óocitos bovinos mantidos em líquido folicular. *Ars Veterinaria.* 18(3): 273-279.
- 18 **Loos F., Van Vliet C., Van Maurik P. & Kruip T.A.** 1989. Morphology of immature bovine oocytes. *Gamete Research.* 24(2): 197-204.
- 19 **Marquant-le Guiene B., Guyader-Joly C., Ponchon S., Delalleau N. & Humblot P.** 2002. Effect of hyaluronic acid in a serum free maturation medium on bovine embryo development. *Theriogenology.* 51(1): 386.
- 20 **Martino A., Songsasen N. & Leibo S.P.** 1996. Development into blastocysts of bovine oocytes cryopreserved by ultra-rapid cooling. *Biology of Reproduction.* 54(5): 1059-1069.
- 21 **Martins R.D., Costa E.P., Chagas J.S.C., Ignacio F.S., Torres C.A.A. & McManus C.** 2005. Effects of vitrification of immature bovine oocytes on *in vitro* maturation. *Animal Reproduction.* 2(2): 128-134.
- 22 **Massip A.** 2003. Cryopreservation of bovine oocytes: Current status and recent developments. *Reproduction Nutrition and Development.* 43(4): 325-330.
- 23 **Nemcova L., Machtkova M., Hanzalova K., Horakova J. & Kanka J.** 2006. Gene expression in bovine embryos derived from oocytes with different developmental competence collected at the dened follicular developmental stage. *Theriogenology.* 65(7): 1254-1264.
- 24 **Oliveira A.T.D., Lopes R.F.F. & Rodrigues J.L.** 2006. Gene expression and developmental competence of bovine embryos produced *in vitro* with different serum concentrations. *Reproduction in Domestic Animals.* 41(2): 129-136.
- 25 **Papis K., Shimizu M. & Izaike Y.** 1999. The effect of gentle pre-equilibration on survival and development rates of bovine *in vitro* matured oocytes vitrified in droplets. *Theriogenology.* 51(1): 173.
- 26 **Park S.Y., Kim E.Y., Cui X.S., Tae J.C., Lee W.D., Kim N.H., Park S.P. & Lim J.H.** 2006. Increase in DNA fragmentation and apoptosis-related gene expression in frozen-thawed bovine blastocysts. *Zygote.* 14(2): 125-131.
- 27 **Ravagnan L., Gurbuxani S., Susin S.A., Maisse C., Daugas E., Zamzami N., Mak T., Jaattela M., Penninger J.M., Garrido C. & Kroemer G.** 2001. Heat-shock protein 70 antagonizes of apoptosis-inducing factor. *Nature Cell Biology.* 3(9): 839-843.
- 28 **Sagirkaya H., Misirlioglu M., Kaya A., First N.L., Parrish J.J. & Memili E.** 2007. Developmental potential of bovine oocytes cultured in different maturation and culture conditions. *Animal Reproduction Science.* 101(3-4): 225-240.
- 29 **Salustri A., Camaioni A., Di Giacomo M., Fulop C. & Hascall V.C.** 1999. Hyaluronan and proteoglycan in ovarian follicles. *Human Reproduction Update.* 5(4): 293-301.
- 30 **Santos R.M., Barreta M.H., Frajblat M., Cucco D.C., Mezzalira J.C., Bunn S., Cruz F.B., Vieira A.D. & Mezzalira A.** 2006. Vacuum-cooled liquid nitrogen increases the developmental ability of vitrified-warmed bovine oocytes. *Ciência Rural.* 36(5): 1501-1506.
- 31 **Spicer A.P., Joo A. & Bowling Jr. R.A.** 2003. A hyaluronan binding link protein gene family whose members are physically linked adjacent to chondroitin sulfate proteoglycan core protein genes. *The Journal of Biological Chemistry.* 278(23): 21083-21091.
- 32 **Stojkovic M., Thompson J.G. & Tervit H.R.** 1999. Effects of hyaluronic acid supplementation on *in vitro* development of bovine embryos in a two-step culture system. *Theriogenology.* 51(1): 254.
- 33 **Suo L., Zhou G.B., Meng Q.G., Yan C.L., Fan Z.Q., Zhao X.M., Fu X.W., Wang Y.P., Zhang Q.J. & Zhu S.E.** 2008. OPS vitrification of mouse immature oocytes before or after meiosis: the effect on *cumulus* cells maintenance and subsequent development. *Zygote.* 17(1): 71-77.

- 34 Sun G.W., Kobayashi H. & Terao T. 1999. Expression of link protein during mouse follicular development. *Journal of Histochemistry and Cytochemistry*. 47(11): 1433-1442.
- 35 Tangue S., Van Soom A., Nauwynck H., Coryn M. & De Kruif A. 2002. Minireview: functions of the *cumulus oophorus* during oocyte maturation, ovulation, and fertilization. *Molecular Reproduction and Development*. 61(3): 414-424.
- 36 Tirelli M., Basini G., Grasselli F., Bianco F. & Tamanini, F. 2005. Cryopreservation of pig granulosa cells: effect of FSH addition to freezing medium. *Domestic Animal Endocrinology*. 28(1): 17-33.
- 37 Tsai M.Y., Lan K.C., Huang K.E., Huang F.J., Kung F.T. & Chang S.Y. 2003. Significance of mRNA levels of connexin37, connexin43, and connexin45 in luteinized granulosa cells of controlled hyperstimulated follicles. *Fertility and Sterility*. 80(6): 1437-1443.
- 38 Vajta G. 2000. Vitrification of the oocytes and embryos of domestic animals. *Animal Reproduction Science*. 60-61: 357-364.
- 39 Vajta G., Holm P., Greve T. & Callesen H. 1997. The submarine incubation system, a new tool for *in vitro* embryo culture: a technique report. *Theriogenology*. 48(8): 1379-1385.
- 40 Vajta G. & Kuwayama M. 2006. Improving cryopreservation systems. *Theriogenology*. 65(1): 236-244.
- 41 Vajta G., Kuwayama M., Holm P., Booth P.J., Jacobsen H., Greve T. & Callesen H. 1998. A new way to avoid cryoinjuries of mammalian ova and embryos: the OPS vitrification. *Molecular Reproduction and Development*. 51(1): 53-58.
- 42 Van Soom A., Tanghe S., De Pauw I., Maes D. & De Kruif A. 2002. Function of *cumulus oophorus* before and during mammalian fertilization. *Reproduction in Domestic Animals*. 37(3): 144-151.
- 43 Vieira A.D., Forell F., Feltrin C. & Rodrigues J.L. 2008. Calves born after direct transfer of vitrified bovine *in vitro*-produced blastocysts derived from vitrified immature oocytes. *Reproduction in Domestic Animals*. 43(3): 314-318.
- 44 Vieira A.D., Forell F., Feltrin C., Santos L.C. & Rodrigues J.L. 2006. Bovine *in vitro* production protocol: does it really influence embryo cryotolerance? *Acta Scientiae Veterinariae*. 34(1): 57-63.
- 45 Vieira A.D., Mezzalira A., Barbieri D.P., Lehmkuhl R.C., Rubin M.I.B. & Vajta G. 2002. Calves born after open straw vitrification of immature bovine oocytes. *Cryobiology*. 45(1): 91-94.
- 46 Vireque A.A., Camargo L.S.A., Serapia R.V., Rosa e Silva A.A.M., Watanabe Y.F., Ferreira E.M., Navarro P.A.A.S., Martins W.P. & Ferriani R.A. 2009. Preimplantation development and expression of Hsp-70 and Bax genes in bovine blastocysts derived from oocytes matured in alpha-MEM supplemented with growth factors and synthetic macromolecules. *Theriogenology*. 71(4): 620-627.
- 47 Vozzi C., Formenton A., Chanson A., Senn A., Sahli R., Shaw P., Nicod P., Germond M. & Haefliger J.A. 2001. Involvement of connexin 43 in meiotic maturation of bovine oocytes. *Reproduction*. 122(4): 619-628.
- 48 Wrenzycki C., Herrmann D. & Niemann H. 2007. Messenger RNA in oocytes and embryos in relation to embryo viability. *Theriogenology*. 68(Suppl. 1): S77-S83.
- 49 Yokoo M., Tientha P., Kimura N., Niwa K., Sato E. & Rodrigues-Martinez H. 2002. Localization of the hyaluronan receptor CD44 in porcine *cumulus* cells during *in vivo* and *in vitro* maturation. *Zygote*. 10(4): 317-326.