



Revista Ceres

ISSN: 0034-737X

ceresonline@ufv.br

Universidade Federal de Viçosa  
Brasil

Rodrigues dos Santos, Elonha; Bandeira Barros, Hélio; de Castro Ferraz, Emerson; Silva Cella, Antonio José; Capone, Aristóteles; dos Santos, Adão Felipe; Ribeiro Fidelis, Rodrigo  
Divergência entre genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada  
Revista Ceres, vol. 58, núm. 6, noviembre-diciembre, 2011, pp. 755-764  
Universidade Federal de Viçosa  
Viçosa, Brasil

Disponível em: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=305226819012>

- Como citar este artigo
- Número completo
- Mais artigos
- Home da revista no Redalyc

redalyc.org

Sistema de Informação Científica

Rede de Revistas Científicas da América Latina, Caribe, Espanha e Portugal

Projeto acadêmico sem fins lucrativos desenvolvido no âmbito da iniciativa Acesso Aberto

# Divergência entre genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada<sup>1</sup>

Elonha Rodrigues dos Santos<sup>2\*</sup>, Hélio Bandeira Barros<sup>3</sup>, Emerson de Castro Ferraz<sup>4</sup>, Antonio José Silva Cella<sup>5</sup>, Aristóteles Capone<sup>6</sup>, Adão Felipe dos Santos<sup>4</sup>, Rodrigo Ribeiro Fidelis<sup>3</sup>

## RESUMO

A divergência genética é um dos mais importantes parâmetros avaliados por melhoristas de plantas, na fase inicial de um programa de melhoramento genético. Diante disso, objetivou-se com este trabalho avaliar, por meio de técnicas multivariadas, a divergência genética entre 48 genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada no Estado do Tocantins, com o intuito de identificar as combinações mais promissoras para produzir recombinções superiores, tanto destinados a produção de óleo e farelo, como do grupo especial, destinados ao consumo humano. O experimento foi conduzido no município de Formoso do Araguaia, TO, em cultivo de várzea irrigada na entressafra de 2010. O delineamento experimental foi o de blocos ao acaso, com quatro repetições. Verificou-se variabilidade entre os genótipos testados. Os resultados dos métodos de agrupamento de Tocher, UPGMA e Variáveis Canônicas foram concordantes entre si e detectaram quatro grupos distintos. As seguintes hibridações são promissoras para produção de grãos de soja destinados a óleo e farelo: M-Soy 8766, M-Soy 9144, A 7002 e M-Soy 9056 com Amaralina e cruzamentos entre M-Soy 8766, M-Soy 9144 e Amaralina com BRSMG 790A, BRS 257, BRS 216 e BRS 213 e são indicados visando a genótipos de soja especiais para alimentação humana.

**Palavras-chave:** *Glycine max* L., soja tipo alimento, análise multivariada, Tocher, Mahalanobis, UPGMA.

## ABSTRACT

### Divergence between soybean genotypes grown in irrigated lowland, Brazil

The genetic diversity is one of the most important parameters evaluated by plant breeders in the early stages of a genetic improvement program. The objective of this paper was to evaluate the genetic divergence by means of multivariate techniques, among 48 soybean genotypes grown in irrigated lowland in the State of Tocantins, in order to select parents of hybrids for the production of oil and meal, as well as varieties of the panel, intended for human consumption. The experiment was conducted in the county Formoso do Araguaia - Tocantins, Brazil, in the cultivation of irrigated lowland, in the inter-cropping 2010. The experimental design was a randomized block with four replications.

Recebido para publicação em 25/03/2011 e aprovado em 28/11/2011

<sup>1</sup>Parte da dissertação apresentada ao curso de pós-graduação em Produção Vegetal pela Universidade Federal do Tocantins.

<sup>2</sup>Engenheira-Agrônoma, Doutoranda. Universidade de Brasília, Departamento de Agronomia, Campus Universitário Darcy Ribeiro. Caixa-Postal 4508, 70910-900, Brasília, DF, Brasil. elonharodrigues@yahoo.com.br (\*Autor para correspondência.)

<sup>3</sup>Engenheiros-Agrônomos, Doutores. Universidade Federal do Tocantins, Departamento de Fitotecnia, Campus Universitário de Gurupi. Caixa-Postal 66, 77402-970, Gurupi, TO, Brasil. barroshb@pq.cnpq.br; fidelisrr@pq.cnpq.br

<sup>4</sup>Graduandos do Curso de Agronomia, Universidade Federal do Tocantins, Departamento de Fitotecnia, Campus Universitário de Gurupi. Caixa-Postal 66, 77402-970, Gurupi, TO, Brasil. emerson-ago@hotmail.com; adaofelipe@uft.edu.br

<sup>5</sup>Biólogo, Mestrando. Universidade Federal do Tocantins, Departamento de Fitotecnia, Campus Universitário de Gurupi. Caixa-Postal 66, 77402-970, Gurupi, TO, Brasil. cella.antonio86@gmail.com

<sup>6</sup>Engenheiro-Agrônomo, Mestre. Universidade Federal do Tocantins, Campus Universitário de Gurupi. Caixa-Postal 66, 77402-970, Gurupi, TO, Brasil. aristotelescapone@hotmail.com

There was observed variability among the genotype tested. The Tocher's method, UPGMA and Canonic Variables agreed among themselves, and found four distinct groups. The following hybrids are promising for the production of soybean oil and meal for the M-Soy 8766, M-Soy 9144, A-7002 and M-soy 9056 with Amaralina RR crosses between and M-Soy 8766, M-Soy 9144 and Amaralina RR with BRSMG 790A, BRS 257, BRS 216 and BRS 213, are listed in order especially soybeans for human consumption.

**Key words:** *Glycine max* L., soybean type food, multivariate analysis, Tocher, Mahalanobis, UPGMA.

## INTRODUÇÃO

No ocidente, a soja (*Glycine max* L.) caracteriza-se, principalmente, como produto para alimentação animal; entretanto, no oriente é, há milênios, cultivada como alimento humano. Os grãos dessa leguminosa são compostos por aproximadamente 40% de proteínas e 20% de lipídios. Apresenta ainda em sua constituição açúcares, fibras, carboidratos, além de ser boa fonte de minerais e de vitaminas A, E, B1 e B2 (Bellaver *et al.*, 2002). Nos últimos anos, seus subprodutos ganharam lugar considerável no mercado, por suas propriedades nutracêuticas, com numerosas alegações ligando seus efeitos à promoção da saúde (Duffy *et al.*, 2007).

Atualmente, alguns programas de melhoramento genético vêm desenvolvendo cultivares especiais de soja, do tipo alimento humano, isentos de enzimas lipoxigenases, o que confere melhor sabor aos grãos, a fim de produzir grãos mais aceitáveis pelos consumidores brasileiros (Azevedo *et al.*, 2004 e Sediyaama, 2009). Entretanto, para a obtenção de novos cultivares de soja, estudos sobre divergência genética tornam-se necessários, para que se conheça a diversidade existente, tanto de cultivares introduzidos, quanto daqueles adaptados à determinada região.

Segundo Abreu *et al.* (2004), esse conhecimento sobre a divergência genética, possibilita inferências sobre a capacidade específica de combinação e a heterose, antes de se realizar os cruzamentos, com maior chance de identificar e recuperar combinações mais promissoras nas populações segregantes.

A análise multivariada em estudos sobre divergência genética tem sido uma ferramenta intensivamente utilizada em pesquisas, em várias culturas, como feijão-preto (Elias *et al.*, 2007), trigo (Condé, *et al.*, 2010), milho (Dotto *et al.*, 2010), girassol (Vogt *et al.*, 2010) e soja (Azevedo *et al.*, 2004; Marques, 2010 e Almeida *et al.*, 2011).

Dentre os métodos disponíveis, para estudo da divergência genética, destaca-se o uso da distância generalizada de Mahalanobis, como medida de dissimilaridade, e os métodos de agrupamento de Tocher, de UPGMA e das Variáveis Canônicas. A análise de agrupamento tem por

finalidade reunir, por algum critério de classificação, os genitores, em grupos, de tal forma que exista homogeneidade dentro do grupo e heterogeneidade entre grupos (Kloster *et al.*, 2011).

Para Benin *et al.* (2002), essa estruturação de grupos de divergência é fundamental na escolha de genitores, sendo que cruzamentos a partir de genótipos reunidos em grupos afastados são considerados mais promissores, por serem mais dissimilares.

Estudos realizados por Elias *et al.*, (2007); Vogt *et al.*, (2010), Cabral *et al.*, (2011) e Kloster *et al.* (2011), sobre a divergência genética em diferentes culturas, obtiveram resultados conclusivos, que permitiram indicar cruzamentos promissores em programas de melhoramento, envolvendo os genótipos testados.

O Estado do Tocantins apresenta área favorável ao cultivo da soja, tanto na safra (terras altas), como no período da entressafra (várzea irrigada). Entretanto, não há cultivares de soja do grupo especial (destinados ao consumo humano) adaptados a esse Estado.

Diante disso, objetivou-se com este trabalho avaliar a divergência genética, por meio de técnicas multivariadas, entre 48 genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada no Estado do Tocantins, com o intuito de identificar as combinações mais promissoras para produzir recombinções superiores, tanto destinados à produção de óleo e farelo, como do grupo especial, destinados ao consumo humano.

## MATERIAL E MÉTODOS

O trabalho foi conduzido em várzea irrigada, na entressafra 2010, no município de Formoso do Araguaia, TO, localizado a 11°45' S e 49°04' W e 170 m de altitude, em solo do tipo Gley Pouco-Húmico (Embrapa, 1999). O clima, segundo a classificação de Thornthwaite, é do tipo Aw, úmido com moderada deficiência hídrica, com precipitação anual média de 1.400 mm e temperatura média anual que varia de 22 a 32 °C (Seplan, 2003).

O experimento foi implantado no dia 22 de maio de 2010. O delineamento experimental adotado foi o de blo-

cos casualizados, com 48 tratamentos e quatro repetições. Cada unidade experimental foi composta por quatro linhas de 3,5 m de comprimento, espaçadas entre si por 0,45 m. Os tratamentos foram constituídos por 48 genótipos de soja, pertencentes a diferentes programas de melhoramento (Tabela 1).

Desses, 42 genótipos eram do tipo convencional (destinados à produção de óleo e farelo) e, seis, do grupo especial (destinados à alimentação humana, por apresentarem melhor sabor), sendo BRSMG 800A, AH09-004, BRS 216, BRSMG 790A, BRS 257 e BRS 213 (Tabela 1).

O preparo do solo foi o habitualmente utilizado em várzea irrigada, com aração, gradagem e rolagem (com auxílio de rolo compactador). No momento da semeadura, inocularam-se as sementes com estirpes de *Bradyrhizobium japonicum*, na dose de 500 g de inoculante para 500 kg de sementes, e com fungicida Carbendazim-Thiram 200 SC, na dose de 200 mL/100 kg de semente. A adubação de semeadura foi realizada com base na análise de solo e nas recomendações para a cultura, correspondendo a 500 kg ha<sup>-1</sup> da formulação NPK 00-16-16 + micronutrientes. A irrigação foi realizada por meio da elevação do lençol freático, de forma a manter o solo com aproximadamente 70% da capacidade de campo, durante todo o ciclo da cultura (subirrigação). O controle de pragas e doenças foi executado conforme as exigências para campos de produção de sementes.

As seguintes variáveis foram avaliadas: 1) número de dias para o florescimento (NDF), período que correspondeu ao número de dias decorridos entre a emergência das plântulas até 50% do florescimento das plantas da parcela; 2) número de dias para maturidade (NDM), período que correspondeu ao número de dias decorridos desde a emergência das plântulas, até a data em que 95% das vagens das plantas da parcela apresentaram-se maduras; 3) altura das plantas na maturidade (APM), medições realizadas na fase de maturação, medindo-se da base da planta até a inserção do racimo no ápice da haste principal, em cinco plantas da área útil; 4) altura de inserção da primeira

vagem (AIV), medições realizadas na fase de maturação, medindo-se a distância, a partir da superfície do solo, até a primeira vagem da haste principal, em cinco plantas da área útil; 5) clorofila, cujos dados foram obtidos por leituras diretas no estádio R<sub>6</sub>, coletando-se nove amostras por parcela, com uso de um clorofilômetro da marca ClorofiLOG® modelo CFL 1030, produzido pela Falker Automação Agrícola. Os valores dos índices de clorofila foram expressos em ICF (Índice de Clorofila Falker), sendo determinados os valores de clorofila a, b e total; 6) número de sementes por vagem (NSV), obtido da média de cinco plantas por contagem direta das sementes por vagem; 7) número de sementes por plantas (NSP), média obtida pela contagem direta de sementes de cinco plantas; 8) número de vagens por plantas (NVP), média obtida pela contagem direta de vagens de cinco plantas; 9) percentagem de vagens chochas (VC), valores médios obtidos pela contagem direta de todas as vagens de cinco plantas, posteriormente, transformados em percentagem de vagens chochas; 10) percentagem de vagens com uma semente (V1S), valores médios obtidos pela contagem direta de todas as vagens de cinco plantas, posteriormente, transformados em percentagem de vagens com uma semente; 11) percentagem de vagens com duas sementes (V2S), valores médios obtidos pela contagem direta de todas as vagens de cinco plantas, posteriormente, transformados em percentagem de vagens com duas sementes; 12) percentagem de vagens com três sementes (V3S), valores médios obtidos pela contagem direta de todas as vagens de cinco plantas, posteriormente, transformados em percentagem de vagens com três sementes; 13) massa de 100 sementes (MCS), obtida de uma amostra de 100 sementes; 14) peso hectolitro (PH), obtido de uma amostra 1000 mL de sementes; 15) rendimento de sementes (RS), determinado após a trilhagem das plantas e limpeza das sementes, com posterior correção da umidade dos grãos para 13%.

Os dados foram submetidos à análise de variância e ao teste de F. Quando constatado efeito significativo de

**Tabela 1.** Genótipos de soja, utilizados no experimento

1. BRS Luziânia	11. AH09-002	21. NK 9074 RR	31. BRS Valiosa RR	41. M 8585 RR
2. BRSMG 800A	12. Anta 83 RR	22. CD 240 RR	32. TMG1182 RR	42. M 8866 RR
3. AH09-004	13. Anta 82 RR	23. COCKER 16	33. GB 874	43. AN 8500
4. BRS 216	14. M-Soy 9056	24. AH09-024	34. TMG155 RR	44. A 7002
5. AH09-003	15. BRS8560 RR	25. P98Y70 RR	35. M 8925 RR	45. STS 750
6. BRSMG 790A	16. Juliana	26. Amaralina	36. TMG1181 RR	46. TMG7188 RR
7. AH09-001	17. P98Y51 RR	27. M-Soy7211	37. M 8787 RR	47. M 8527 RR
8. BRS 257	18. Juliana RR	28. NK 7074 RR	38. TMG132 RR	48. GB 881
9. BRSGO 8660	19. CD 219 RR	29. M-Soy 8766	39. M 8867 RR	
10. BRS 213	20. M 9144 RR	30. P 99R01 RR	40. TMG1187 RR	

Genótipos especiais (destinados à alimentação humana): 2-BRSMG 800A, 3-AH09-004, 4-BRS 216, 6-BRSMG 790A, 8-BRS 257 e 10-BRS 213.

tratamentos, as médias foram agrupadas pelo teste de Scott-Knott, a 5% de probabilidade. A distância genética entre todos os pares de genótipos foi estimada por meio da distância generalizada de Mahalanobis e pelo método de análise de variáveis canônicas. Com base na distância generalizada de Mahalanobis, aplicaram-se os métodos de agrupamentos aglomerativos de Tocher e UPGMA, com auxílio do programa computacional Genes (Cruz, 2008).

## RESULTADOS E DISCUSSÃO

A análise de variância mostrou diferença significativa entre os tratamentos, para todas as características, exceto para clorofila a (Tabela 2). Estes resultados demonstram a existência de variabilidade entre os genótipos, possibilitando, assim, a obtenção de ganhos genéticos em programas de melhoramento, com o uso desses genótipos como progenitores.

Os resultados médios das variáveis estudadas nos 48 genótipos de soja encontram-se na Tabela 3. O número de dias para o florescimento foi a característica que possibilitou maior discriminação entre os tratamentos, ou seja, aquela em que se obteve o maior número de grupos significativamente diferentes. Os valores para essa característica oscilaram entre 24 (BRS 216) e 48 (Amaralina) dias, evidenciando a variabilidade entre os genótipos analisados.

O número de dias para a maturação variou de 75 a 130 dias, ciclos classificados como precoce e médio, segundo Sedyama (2009). O grupo mais precoce foi composto pelos genótipos BRS 257, BRS 213, Anta 82 RR, BRS 216 e Anta 83 RR, que completaram o ciclo em média aos 77

DAE, comprovando assim, a precocidade desses cultivares na região de estudo. O fator que pode ter influenciado no ciclo desses cultivares foi a sensibilidade fotoperiódica, uma vez que esses genótipos foram lançados em regiões de alta latitude, principalmente genótipos tipo alimento, como BRS 257, BRS 213 e BRS 216, que são recomendados para a região sul do país (Embrapa, 2008). O Amaralina apresentou um ciclo de 130 dias, sendo, portanto, a mais tardia.

A altura média de plantas oscilou de 19,10 a 64,15 cm. O grupo que apresentou menor estatura foi composto por BRS 257 e BRS 216 (média de 20 cm) e, o grupo integrado pelos genótipos AH09-001 e Amaralina, a maior estatura. O genótipo Amaralina apresentou ainda, maior altura de inserção de vagem, diferindo significativamente dos demais.

Os valores de clorofilas a, b e total encontram-se na Tabela 3. Para clorofila a, não foi verificada diferença significativa entre os genótipos. Para clorofila b e clorofila total, constatou-se a formação de dois grupos distintos. Independentemente dos tratamentos, verificou-se que os valores de clorofila a foram superiores aos de clorofila b. Segundo Critchley (1999), isto se deve à maior proporção do fotossistema I, que é mais rico em clorofila a, e está diretamente relacionado com a capacidade das plantas em maximizar a captura de luz em condições normais de luminosidade.

Em média, cada vagem produziu 2,14 sementes (NSV) (Tabela 3). Esses resultados assemelharam-se aos obtidos por Almeida *et al.* (2011), em cultivares de soja culti-

**Tabela 2.** Resumo da análise de variância de 48 genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada, em Formoso do Araguaia, TO, na entressafra de 2010, NDF: número de dias para o florescimento; NDM: número de dias para a maturação; AIV: altura da inserção da primeira vagem; AP: altura das plantas; CLa: clorofila a; CLb: clorofila b; CLtotal: clorofila total; NSV: número de sementes por vagem; NSP: número de sementes por plantas; NVP: número de vagens por plantas; VC: percentagem de vagens chochas; V1S: percentagem de vagens com uma semente; V2S: percentagem de vagens com duas sementes; V3S: percentagem de vagens com três sementes; MCS: massa de 100 sementes; PH: peso de hectolitro e RS: rendimento de sementes por hectare

FV	GL	Quadrado médio								
		NDF	NDM	AP	AIV	CLa	CLb	CLtotal	NSV	NSP
Blocos	3	1,6	11,1	39,7	16,5	2,6	1,3	1,5	0,005	4310
Tratamentos	47	136,1**	399,2**	329,7**	14,4**	1,1 <sup>ns</sup>	2,0**	3,9*	0,130**	12145**
Resíduos	141	0,5	7,6	11,6	2,1	1,1	0,81	2,4	0,012	1108
Média		33,84	94,86	37,66	7,76	34,33	12,54	46,87	2,14	155,52
CV (%)		2,14	2,91	9,06	18,60	3,02	7,18	3,32	5,29	21,41

FV	GL	Quadrado médio							
		NVP	VC	V1S	V2S	V3S	MCS	PH	RS
Blocos	3	853	1,4	1,2	28,6	16,0	0,3	0,0001	543582
Tratamentos	47	2261**	45,6**	228,4**	299,5**	519,9**	15,8**	0,0023**	543173**
Resíduos	141	215	1,4	15,6	25,9	31,5	0,2	0,0001	466670
Média		71,80	3,89	13,76	47,91	34,47	16,21	75,1	2729
CV (%)		20,41	30,77	28,68	10,63	16,29	2,70	1,56	25,03

\*\* e \* significativos a  $P \leq 0,01$  e  $P \leq 0,05$ , respectivamente, pelo teste F, <sup>ns</sup> não significativo, pelo teste F.

vados na entressafra de 2005, em Formoso do Araguaia, com média de 2,13 sementes por vagens.

Ainda, na Tabela 3, observa-se que houve diferença significativa no número de sementes por planta (NSP). O grupo inferior foi composto pelos genótipos BRS 257, BRS 213, AH09-004. Em contraste, os genótipos P98Y70 RR, M 8925 RR, M-Soy 9144, P98Y51 RR, BRS Valiosa RR, TMG 132 RR e M 8867 RR compuseram o grupo com maior NSP. Constatou-se, ainda, que a maioria dos genótipos tipo alimento incluía-se nos grupos que apresentaram menores NSP, um indicativo da sua falta de adaptação às condições de cultivo.

Foram obtidos cinco grupos distintos para número de vagens por planta (NVP). Os genótipos M-8867 RR e TMG 132 RR integraram o grupo que apresentou maiores valores para NVP, com média de 127 vagens por planta; os genótipos BRS 257, BRS 213 e AH09-004 formaram o grupo inferior para MVP, com média de 28 vagens por planta, oscilação de 78% para essa característica, o que demonstra a variabilidade entre os genótipos estudados.

O genótipo Anta 82 RR apresentou 23% de vagens chochas (Tabela 3), diferindo significativamente dos demais. Esse percentual elevado, possivelmente, ocorreu pelo número elevado de vagens emitidas por planta (característica genética), aliado a ausência de adaptação do cultivar ao local de cultivo (ciclo completo em 77 dias). Assim, essas plantas não possuíam reserva de fotoassimilados suficiente para serem translocados aos grãos, resultando esse elevado percentual de chochamento.

Para percentagem de vagens com uma semente (V1S) (Tabela 3), o genótipo AH09-004 apresentou os maiores valores, com 49%, diferindo dos demais, e AH09-024 teve o menor percentual, com apenas 5%. Observou-se, ainda, que essa característica, possivelmente tenha relação direta com rendimento de sementes, uma vez que o genótipo AH09-004 foi dos que apresentaram menor rendimento.

O genótipo Juliana forneceu o maior número de vagens com duas sementes (V2S), sendo 69% superior aos demais. O grupo composto pelos genótipos M 8925 RR, TMG 1181 RR, NK 7074 RR, AN 8500, AH09-003, BRS Valiosa RR, Anta 82 RR, CD 219 RR, TNG 155 RR e AH09-024 apresentou menor percentual de V2S (média de 36%), 33% inferior ao do cultivar Juliana.

O grupo integrado pelos genótipos AH09-024 e CD 219 RR apresentou maior percentual de vagens com três sementes (V3S), com média de 62%. Em contraste, AH09-004 obteve apenas 4% de V3S, esse menor percentual, provavelmente, podendo ser atribuído à maior proporção de vagens com uma semente.

Ainda na Tabela 3, observa-se que os genótipos tipo alimento (BRSMG 800A, AH09-004, BRS 216, BRSMG 790A, BRS 257 e BRS 213) apresentaram percentuais médios de 4; 27; 46 e 23% de vagens chochas, com uma

semente, com duas sementes e com três sementes, respectivamente.

A massa de 100 sementes formou dez grupos significativamente distintos e os valores variaram de 12,44 a 20,19 g. Os grupos mais contrastantes foram formados pelos genótipos TMG 7188 RR, BRS MG 800A e AH09-004, com média de 20,12 g, e pelo grupo dos genótipos COCKER 16 e BRS 216, com média de 12,67 g. A massa de 100 sementes é característica importante na escolha do cultivar, pois a aquisição de sementes de menor massa resultará em menor custo de produção.

Por outro lado, sementes de grãos maiores são preferidas para os cultivares tipo alimento, principalmente para a fabricação de tofu e extrato hidrossolúvel de soja (leite de soja), enquanto cultivares com grãos menores são indicados para a produção de natto (alimento fermentado) (Sediyama, 2009).

A média geral para o peso de hectolitro foi de 75,1 kg hL<sup>-1</sup>, com amplitude de 11,0 kg hL<sup>-1</sup>. O peso de hectolitro é entendido como densidade das sementes (massa/volume), sendo, ocasionalmente, muito útil quanto à soja destinada à exportação em navios graneleiros, que usam o montante em volume e nem sempre em toneladas de grãos (Marques, 2010).

O rendimento médio de sementes foi de 2729 kg ha<sup>-1</sup>. Os genótipos que apresentaram maiores rendimentos são todos recomendados para cultivo no Estado do Tocantins. Dos genótipos tipo alimento, observou-se rendimento médio de 1418 kg ha<sup>-1</sup>. Destes, o BRSMG 790A sobressaiu-se aos demais, com produção média de 2387 kg ha<sup>-1</sup>. Esse fato confirma a perspectiva de sua utilização no melhoramento de soja tipo alimento para a região do Tocantins, pois permitirá obter maior ganho de seleção, principalmente para produção de grãos.

Os valores para rendimento de grãos foram, em sua maioria, superiores aos observados por Peluzio *et al.* (2010), no estudo de adaptabilidade e estabilidade de soja na entressafra de 2006 em várzea irrigada em Formoso do Araguaia, TO, em que obtiveram média de 1142 kg ha<sup>-1</sup>, e assemelhou-se ao rendimento médio de sementes obtidos por Almeida *et al.* (2011), na entressafra de 2005, em várzea irrigada, em que obtiveram média geral de 2656 kg ha<sup>-1</sup>, sendo que os cultivares mais adaptados apresentaram médias superiores a 3000 kg ha<sup>-1</sup>.

As contribuições relativas de cada característica na dissimilaridade genética, segundo método de Singh (1981), encontram-se na Tabela 4. As características que mais contribuíram para essa dissimilaridade foram: percentagem de vagens com três sementes (32,62%), percentagem de vagens com uma semente (23,16%), florescimento (13,42%) e percentagem de vagens chochas (8,23%), sendo as mais eficientes em explicar a dissimilaridade entre os genótipos testados. No estudo sobre divergência ge-

**Tabela 3.** Médias de 17 características avaliadas em 48 genótipos de soja, e grupos de genótipos estabelecidos pelo método de otimização Tocher, com uso da distância generalizada de Mahalanobis NDF: número de dias para o florescimento; NDM: número de dias para a maturação; AIV: altura da inserção da primeira vagem; AP: altura das plantas; CLa: clorofila a; CLb: clorofila b; CLtotal: clorofila total; NSV: número de sementes por vagem; NSP: número de sementes por plantas; NVP: número de vagens por plantas; VC: percentagem de vagens chochas; V1S: percentagem de vagens com uma semente; V2S: percentagem de vagens com duas sementes; V3S: percentagem de vagens com três sementes; MCS: massa de 100 sementes; PH: peso de hectolitro e RS: rendimento de sementes por hectare

Genótipos	NDF	NDM	AP (cm)	AIV (cm)	CLa	CLb	CLtotal	NSV	NSP	NVP	VC (%)	V1S (%)	V2S (%)	V3S (%)	MCS (g)	PH (kg hL <sup>-1</sup> )	RS (kg ha <sup>-1</sup> )	Tocher
M-Soy 8766	36 g	100 c	35,50 d	8,95 c	33,97 a	12,95 a	46,92 a	2,08 c	154,80 c	74,50 c	2,47 d	12,87 d	59,05 b	25,60 d	14,58 h	73,5 f	4572 a	1
M-Soy 9144	40 c	95 d	47,45 b	10,65 b	35,07 a	12,17 b	47,27 a	2,25 b	227,50 a	101,05 b	3,00 d	7,15 e	51,12 c	38,77 c	16,31 f	74,7 e	4202 a	1
A 7002	39 d	107 b	47,25 b	8,65 c	34,75 a	11,85 b	46,60 b	2,26 b	166,95 c	73,75 c	1,27 e	8,10 e	53,85 c	36,75 c	14,73 h	72,2 f	3957 a	1
M-Soy 9056	40 c	110 b	50,62 b	10,67 b	35,25 a	13,62 a	48,87 a	2,22 b	117,70 c	52,95 d	1,40 e	9,02 e	56,40 b	33,15 c	16,10 f	75,0 e	3957 a	1
M 8866 RR	36 g	100 c	32,00 e	6,75 d	33,77 a	12,70 a	46,45 b	1,97 d	118,92 c	60,32 c	3,07 d	18,50 c	56,92 b	21,52 d	16,68 e	74,0 e	3885 a	1
Juliana	37 f	100 c	35,15 d	8,65 c	34,22 a	13,50 a	47,72 a	2,04 c	139,60 c	68,40 c	1,60 e	10,90 e	69,42 a	18,10 e	16,18 f	73,7 f	3830 a	1
STS 750	37 f	100 c	38,40 c	6,35 d	33,95 a	12,97 a	46,92 a	1,96 d	120,50 c	60,85 c	2,10 d	19,95 c	57,72 b	20,22 d	17,99 c	74,7 e	3765 a	1
P98Y70 RR	44 b	98 c	42,25 c	8,80 c	34,65 a	12,87 a	47,52 a	2,33 b	212,90 a	96,07 b	1,50 e	6,15 e	43,20 d	49,15 b	16,79 e	75,2 e	3765 a	1
M 8527 RR	36 g	107 b	35,75 d	7,85 c	34,30 a	13,00 a	47,32 a	2,08 c	195,35 b	93,15 b	2,30 d	16,12 d	54,15 c	27,42 d	19,10 b	76,0 d	3715 a	1
GB 881	37 f	100 c	42,40 c	9,35 b	34,25 a	13,42 a	47,70 a	2,21 b	197,67 b	89,27 b	1,87 e	10,22 e	53,07 c	34,82 c	19,21 b	74,2 e	3686 a	1
AH09-024	37 f	100 c	36,25 d	8,70 c	34,30 a	13,27 a	47,52 a	2,56 a	144,30 c	56,30 d	0,47 e	5,00 e	31,22 e	62,70 a	16,23 f	74,0 e	3663 a	1
CD 219 RR	39 d	100 c	36,65 c	9,40 b	34,92 a	13,55 a	48,50 a	2,54 a	126,00 c	49,40 d	2,42 d	6,05 e	31,50 e	61,77 a	15,90 f	74,7 e	3631 a	1
M 8787 RR	38 e	90 e	40,85 c	9,75 b	35,12 a	11,82 b	46,95 a	2,16 c	203,05 b	93,70 b	3,30 d	13,72 d	47,47 d	35,50 c	17,37 d	72,7 f	3623 a	1
BRS 8560 RR	36 f	100 c	33,60 d	8,20 c	34,32 a	12,67 a	46,95 a	2,27 b	163,20 c	68,75 c	3,92 d	10,42 e	44,70 d	40,95 c	16,31 f	74,7 e	3559 a	1
AN 8500	38 g	99 c	49,25 b	10,10 b	34,20 a	12,02 b	46,20 b	2,47 a	162,55 c	65,40 c	0,17 e	7,75 e	37,07 e	55,00 b	13,52 i	73,5 f	3523 a	1
M 8867 RR	38 e	99 c	36,50 d	8,25 c	33,52 a	12,47 a	46,00 b	2,20 b	286,20 a	128,40 a	4,97 c	8,60 e	47,72 d	38,75 c	14,52 h	75,0 e	3519 a	1
Juliana RR	36 g	100 c	36,65 d	9,75 b	33,70 a	12,57 a	46,27 b	2,09 c	126,45 c	60,22 c	2,15 d	10,45 e	63,80 b	23,60 d	16,20 f	74,2 e	3448 a	1
TMG 1182 RR	40 c	100 c	38,60 c	8,95 c	33,87 a	12,45 a	46,30 b	2,15 c	196,67 b	90,87 b	5,65 b	10,20 e	47,17 d	37,02 c	18,51 c	75,0 e	3055 b	1
M 8585 RR	39 d	99 c	31,35 e	6,55 d	34,05 a	13,72 a	47,77 a	2,10 c	206,10 b	97,20 b	1,27 e	14,80 d	56,75 b	27,17 d	18,23 c	73,2 f	2944 b	1
TMG 132 RR	37 g	91 e	32,10 e	7,05 d	34,27 a	12,67 a	46,95 a	2,09 c	254,80 a	122,15 a	3,85 d	11,30 d	57,05 b	27,77 d	13,76 i	73,7 f	2897 b	1
TMG 7188 RR	39 d	110 b	31,70 e	6,30 d	33,95 a	12,25 b	46,22 b	2,08 c	173,55 c	83,20 c	4,90 c	11,25 d	55,10 c	28,72 d	20,19 a	74,2 e	2831 b	1
GB 874	36 f	91 e	41,80 c	8,60 c	33,22 a	11,77 b	45,00 b	2,10 c	136,02 c	64,77 c	2,70 d	10,80 e	60,20 b	26,32 d	17,56 d	75,0 e	2746 b	1
M 8925 RR	38 e	100 c	40,25 c	7,70 c	33,95 a	12,67 a	46,60 b	2,22 b	224,85 a	101,10 b	6,50 b	9,55 e	39,75 e	44,15 c	13,61 i	72,7 f	2674 b	1
TMG 1187 RR	38 e	100 c	34,00 d	7,35 c	34,87 a	12,47 a	47,35 a	2,27 b	189,15 b	83,45 c	4,52 c	7,32 e	44,07 d	44,07 c	14,49 h	73,5 f	2439 b	1
P98Y51 RR	37 f	100 c	30,60 e	6,95 d	34,82 a	12,97 a	47,82 a	2,12 c	235,90 a	110,40 b	2,60 d	14,20 d	51,82 c	31,40 c	17,41 d	77,5 d	2118 b	1
BRSMG 800A	37 f	90 e	31,10 e	6,80 d	34,35 a	11,75 b	46,10 b	1,87 d	76,80 d	40,90 d	1,50 e	26,75 b	55,07 c	16,70 e	20,19 a	75,0 e	1989 c	1
BRS Valiosa RR	40 c	99 c	37,55 d	9,85 b	34,75 a	13,42 a	48,15 a	2,24 b	239,05 a	105,80 b	2,60 d	8,50 e	50,40 c	38,52 c	18,29 c	81,2 b	1829 c	1
TMG 155 RR	38 e	99 c	34,30 d	7,80 c	34,67 a	13,15 a	47,82 a	2,36 b	199,65 b	83,55 c	2,12 d	12,40 d	34,72 e	50,75 b	18,55 c	73,7 f	1681 c	1
M-Soy 7211	34 h	86 f	50,00 b	6,75 d	34,50 a	13,45 a	47,92 a	1,98 d	103,70 d	51,95 d	5,85 b	12,45 d	58,95 b	22,70 d	16,76 e	82,7 a	1399 c	1
AH09-001	27 i	86 f	64,15 a	6,10 d	33,57 a	11,97 b	45,55 b	2,22 b	175,55 c	78,80 c	3,22 d	12,52 d	43,60 d	40,60 c	13,22 i	74,0 e	3286 b	2
BRS Luziânia	28 i	91 e	35,50 d	7,60 c	33,30 a	11,70 b	45,00 b	1,98 d	152,35 c	76,70 c	5,85 b	20,72 c	43,82 d	29,65 d	14,83 h	76,5 d	3214 b	2
AH09-003	28 i	91 e	38,10 c	8,15 c	34,82 a	13,35 a	48,37 a	2,47 a	186,57 b	75,20 c	0,75 e	7,50 e	35,65 e	56,12 b	16,30 f	75,0 e	3079 b	2

Tabela 3. Continuação...

Genótipos	NDF	NDM	AP (cm)	AIV (cm)	CLa	CLb	CLtotal	NSV	NSP	NVP	VC (%)	VIS (%)	V2S (%)	V3S (%)	MCS (g)	PH (kg hL <sup>-1</sup> )	RS	Tocher
BRSO 8660	26 j	90 e	31,00 e	6,90 d	34,52 a	13,40 a	47,95 a	2,13 c	149,47 c	70,22 c	6,15 b	11,70 d	45,87 d	36,32 c	15,22 g	74,5 e	2569 b	2
P 99R01 RR	28 i	99 c	25,50 f	6,20 d	34,82 a	12,90 a	47,67 a	2,05 c	129,60 c	62,55 c	6,27 b	15,05 d	48,15 d	30,57 d	14,25 h	71,5 f	2568 b	2
NK 7074 RR	26 j	86 f	39,00 c	9,60 b	33,90 a	11,52 b	45,45 b	2,20 b	144,00 c	65,20 c	4,97 c	13,92 d	37,45 e	43,62 c	16,44 f	75,5 e	2509 b	2
BRSMG 790A	27 i	89 e	31,60 e	7,40 c	34,95 a	11,22 b	46,17 b	2,01 d	85,95 d	42,25 d	2,62 d	21,05 c	48,67 d	27,70 d	18,75 b	74,5 e	2387 b	2
COCKER 16	28 i	95 d	50,30 b	5,15 d	35,32 a	11,82 b	47,15 a	2,15 c	170,02 c	79,80 c	5,37 c	11,82 d	45,65 d	37,15 c	12,90 j	74,5 e	1939 c	2
NK 9074 RR	28 i	95 d	46,60 b	6,85 d	34,72 a	12,77 a	47,47 a	2,22 b	203,40 b	91,90 b	3,40 d	10,90 e	46,05 d	39,65 c	14,03 h	79,2 c	1809 c	2
TMG1181 RR	28 i	86 f	28,35 e	5,95 d	33,57 a	12,55 a	46,12 b	2,09 c	162,95 c	77,80 c	6,17 b	16,90 d	38,50 e	38,42 c	16,81 e	72,7 f	1235 c	2
AH09-002	26 j	86 f	34,00 d	5,25 d	34,90 a	12,17 b	47,10 a	1,96 d	118,10 c	59,70 c	3,30 d	26,42 b	42,27 d	28,00 d	14,68 h	80,0 c	1439 c	2
BRS 257	28 i	75 g	19,10 g	4,75 d	34,07 a	12,60 a	46,67 b	1,98 d	57,10 e	28,55 e	4,67 c	23,50 b	42,82 d	28,97 d	15,95 f	78,5 c	1439 c	2
Anta 82 RR	26 j	77 g	35,25 d	6,25 d	34,37 a	11,65 b	46,02 b	1,87 d	93,30 d	49,10 d	23,00 a	9,57 e	33,50 e	34,22 c	15,34 g	79,5 c	1399 c	2
Anta 83 RR	27 i	78 g	35,15 d	5,55 d	34,22 a	12,90 a	47,15 a	1,97 d	87,90 d	44,25 d	7,72 b	17,77 c	44,65 d	29,82 d	15,48 g	75,5 e	1084 c	2
BRS 216	24 k	78 g	20,70 g	4,30 d	34,35 a	12,50 a	46,92 a	2,10 c	95,45 d	45,35 d	5,75 b	14,47 d	43,75 d	36,02 c	12,44 j	75,2 e	1055 c	2
CD 240 RR	27 i	86 f	44,00 c	6,92 d	33,72 a	11,15 b	44,87 b	2,12 c	96,72 d	45,00 d	5,65 c	10,72 e	50,90 c	32,72 c	16,14 f	77,2 d	866 c	2
BRS 213	27 i	77 g	23,80 f	5,15 d	34,52 a	12,82 a	47,35 a	1,85 d	55,70 e	29,95 e	6,70 b	27,62 b	40,55 d	25,10 d	16,06 f	73,7 f	689 c	2
AH09-004	26 j	88 f	31,00 e	7,95 c	34,55 a	12,07 b	46,62 b	1,51 e	37,45 e	24,75 e	2,42 d	49,00 a	44,15 d	4,42 f	19,97 a	78,2 c	951 c	3
Amaralina	48 a	130 a	63,17 a	14,82 a	33,75 a	10,72 b	44,47 b	2,25 b	163,30 c	72,15 c	1,10 e	8,35 e	54,15 c	36,37 c	13,60 i	72,2 f	4442 a	4

Médias seguidas pela mesma letra na coluna não diferem, entre si, a 5% de probabilidade, pelo teste de Scott-Knott.

nética com soja, Almeida *et al.* (2011) também verificaram que o florescimento foi uma das características que mais contribuíram para a dissimilaridade genética encontrada.

O rendimento de sementes contribuiu com apenas 0,41% da dissimilaridade (Tabela 4). Entretanto, essa característica é de fundamental importância em estudos de divergência genética, pois a escolha dos progenitores, além da dissimilaridade, deve também considerar o alto rendimento de grãos para a obtenção de progênes superiores (Elias *et al.*, 2007). Essa baixa contribuição relativa para a dissimilaridade genética, em estudos sobre divergência genética, referentes à produtividade de grãos, também foi verificada por Dotto *et al.* (2010), em milho, e Cabral *et al.* (2011), em feijão.

A análise de agrupamento dos genótipos pelo método de Tocher utilizou a distância genética entre os pares de genótipos. Esse método tem como princípio manter a homogeneidade dentro e a heterogeneidade entre os grupos e possibilitou a reunião dos 48 genótipos em quatro grupos distintos (Tabela 2). O Grupo I foi composto por 29 (60,4% dos genótipos); Grupo II foi integrado por 17 (35,4% dos genótipos); o genótipo AH09-004 integrou o Grupo III e o genótipo Amaralina RR formou o Grupo IV.

O corte no dendrograma gerado pelo método UPGMA foi efetuado a 30%, ponto em que se observou mudança brusca de nível, conforme a recomendação de Cruz (1990). Assim, foram identificados quatro grupos (Figura 1), com características semelhantes às dos grupos obtidos pelo método de Tocher, obedecendo à mesma relação de similaridade entre os genótipos. O genótipo Amaralina (26) (Grupo IV), quando comparado com os 47 demais, foi apon-

Tabela 4. Contribuição relativa das características para a dissimilaridade genética de 48 genótipos de soja, pelo método proposto por Singh (1981), em ordem decrescente de importância, cultivados entressafra de 2010

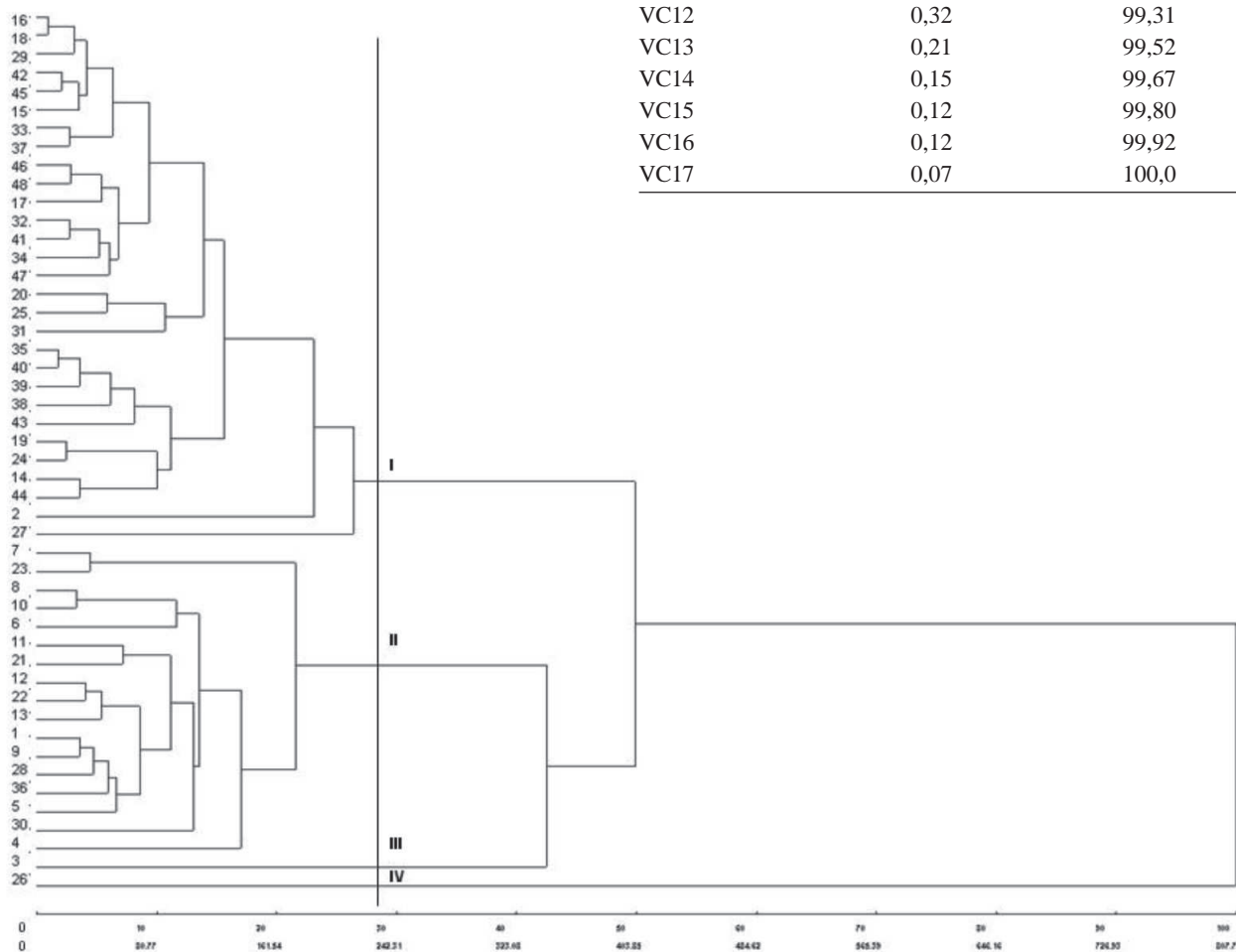
Variáveis	Valor (%)
1. % vagens com três sementes	32,62
2. % de vagens com uma semente	23,16
3. Número de dias florescimento	13,42
4. % de vagens chochas	8,23
5. Massa de 100 sementes	4,15
6. Número de vagens por planta	3,10
7. Número de sementes planta	2,96
8. Número de semente por vagens	2,89
9. Número de dias para maturação	2,13
10. Clorofila total	1,78
11. Altura de plantas	1,39
12. Clorofila b	1,36
13. % vagens com duas sementes	1,00
14. Peso de hectolitro	0,91
15. Rendimento de sementes	0,41
16. Altura de inserção de vagem	0,27
17. Clorofila a	0,13



tado como o mais divergente, como pode ser comprovado no dendrograma pelo método de agrupamento UPGMA (Figura 1).

A menor distância identificada entre todos os pares avaliados foi entre os cultivares Juliana (16) e Juliana RR (18) (Figura 1); esses resultados confirmam seu parentesco, uma vez que o cultivar Juliana é progenitor de Juliana RR. Quanto aos genótipos tipo alimento, a menor distância foi observada entre BRS 257 (8) e BRS 213 (10). Ambos são triplo nulos (isentos dos três genes que codificam as enzimas lipoxigenases) e oriundos do mesmo programa de melhoramento genético (Embrapa Soja).

No estudo realizado por Azevedo *et al.* (2004), sobre a divergência genética de genótipos de soja com ausência de lipoxigenases, esses autores verificaram que os genótipos triplo nulos (TN) foram inseridos no mesmo grupo e acredita-se que essa similaridade tenha ocorrido pelo fato de esses genótipos possuírem base genética estreita, uma vez que os genótipos TN são oriundos de mutação, e por apresentarem acessos limitados em condições naturais e com poucos cultivares melhorados para esse caráter.

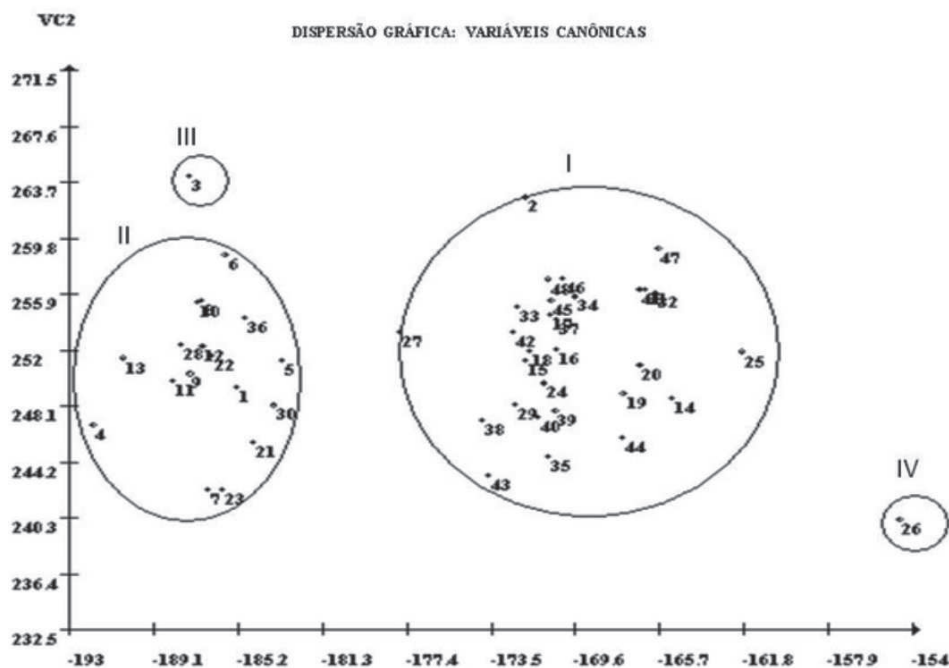


**Figura 1.** Dendrograma representativo da dissimilaridade genética entre 48 genótipos de soja (Tabela 1), obtidos pelo método de agrupamento UPGMA, utilizando a distância generalizada de Mahalanobis como medida de dissimilaridade, na entressafra de 2010.

As duas primeiras variáveis canônicas explicaram aproximadamente 80% da variância total encontrada (Tabela 5). O que permite explicar satisfatoriamente a variabilidade manifestada entre os genótipos avaliados (Figura 2). No estudo realizado por Krause *et al.* (2009), verificou-se que as duas primeiras variáveis canônicas explicaram apro-

**Tabela 5.** Estimativas das variâncias (autovalores), variâncias percentuais acumuladas das variáveis canônicas, visando a estimar a dissimilaridade genética entre 48 genótipos de soja, entressafra 2010

Variáveis Canônicas	Variâncias (autovalores)	Variâncias Acumuladas %
VC1	59,02	59,02
VC2	19,08	78,10
VC3	5,40	83,51
VC4	4,13	87,64
VC5	3,17	90,82
VC6	2,78	93,60
VC7	2,18	95,78
VC8	1,29	97,08
VC9	0,92	98,00
VC10	0,61	98,62
VC11	0,35	98,98
VC12	0,32	99,31
VC13	0,21	99,52
VC14	0,15	99,67
VC15	0,12	99,80
VC16	0,12	99,92
VC17	0,07	100,0



**Figura 2.** Dispersão gráfica de 48 genótipos de soja (Tabela 1), em relação às duas primeiras variáveis canônicas, estabelecidas pela combinação linear de dezessete características fisiológicas e morfoagronômicas.

ximadamente 80% da variação total. Condé *et al.* (2010), no trabalho sobre divergência na cultura do trigo, observaram que as duas primeiras variáveis canônicas explicaram mais de 80% da variância total.

O padrão de similaridade dos genótipos também pode ser conferido pela dispersão gráfica das variáveis canônicas (Figura 2), em que foram divididos em quatro grupos, concordando com os resultados obtidos pelos métodos de Tocher e UPGMA. Vogt *et al.* (2010), no trabalho sobre divergência genética com girassol, também verificaram que os métodos de agrupamento de Tocher, da UPGMA e das Variáveis Canônicas foram concordantes entre si.

Para Abreu *et al.* (2004), essa identificação de genótipos contrastantes por meio das técnicas multivariadas e dos agrupamentos é relevante para que os programas de melhoramento obtenham êxito; entretanto, a escolha de genótipos deve ser feita considerando-se, também, seus comportamentos “per se”, ou seja, recomendando-se cruzamentos entre genótipos divergentes, mas que também apresentem desempenho superior em relação às principais características agrônomicas.

Diante disso, uma análise de comparação de médias, juntamente com os agrupamentos estabelecidos pelo método de Tocher, da UPGMA e das Variáveis Canônicas, permite a identificação dos cruzamentos promissores para obtenção de cultivares transgressivos.

Sendo assim, poderão ser esperadas como promissoras as seguintes hibridações: M-Soy 8766, M-Soy 9144, A 7002 e M-Soy 9056, do Grupo I, com Amaralina,

do Grupo IV, para produção de grãos (destinados a óleo e farelo), por serem dissimilares e apresentarem médias elevadas de rendimento de sementes, e cruzamentos entre os cultivares M-Soy 8766, M-Soy 9144 (Grupo I) e Amaralina (Grupo IV), com BRSMG 790A, BRS 257, BRS 216 e BRS 213 (Grupo III), visando a genótipos de soja especial (destinada à alimentação humana), possivelmente, envolvendo retrocruzamentos, para fixar o caráter de melhor sabor (ausência dos genes que codificam as enzimas lipoxigenases), naqueles cultivares que apresentam insensibilidade fotoperiódica e que apresentam alto rendimento de sementes.

## CONCLUSÕES

Verificou-se divergência genética entre os genótipos de soja, cultivados em várzea irrigada no Estado do Tocantins;

Os métodos de agrupamento de Tocher, da UPGMA e das Variáveis Canônicas são concordantes entre si e formaram quatro grupos distintos;

As seguintes hibridações são promissoras para produção de grãos destinados a óleo e farelo: M-Soy 8766, M-Soy 9144, A 7002 e M-Soy 9056 com Amaralina;

Cruzamentos entre M-Soy 8766, M-Soy 9144 e Amaralina com BRSMG 790A, BRS 257, BRS 216 e BRS 213 são indicados, visando a genótipos de soja especial para alimentação humana.

## AGRADECIMENTOS

À Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES), pela concessão da bolsa de estudo durante o curso de Mestrado.

À EMBRAPA Soja e EPAMIG, pelo fornecimento dos cultivares de soja tipo alimento.

## REFERÊNCIAS

- Abreu FB, Leal NR, Rodrigues R, Amaral JRAT & Silva DJH (2004) Divergência genética entre acessos de feijão-de-vagem de crescimento indeterminado. *Horticultura Brasileira*, 22:547-552.
- Almeida RD, Peluzio JM & Afférrri FS (2011) Divergência genética entre cultivares de soja, sob condições de várzea irrigada, no sul do Estado Tocantins. *Revista Ciência Agronômica*, 42:108-115.
- Azevedo PH, Azevedo VH, Sediyaama T, Reis MS, Teixeira RC & Cecon PR (2004) Divergência genética entre genótipos de soja ausentes de enzimas lipoxigenases. *Revista Ceres*, 51:663-670.
- Bellaver C, Cotrefal G & Grecco M (2002) Soja integral: processamento e uso. *Alimento Animal*, 7:28-30.
- Benin G, Carvalho FI, Assmann IC, Cigolini J, Cruz PJ, Marchioro VV, Lorencetti C & Silva JAG (2002) Identificação da dissimilaridade genética entre genótipos de feijoeiro comum (*Phaseolus vulgaris* L.) do grupo preto. *Revista Brasileira de Agrociência*, 8:179-184.
- Cabral PDS, Soares TCBS, Lima ABP, Alves DS & Nunes JA (2011) Diversidade genética de acessos de feijão comum por caracteres agronômicos. *Revista Ciência Agronômica*, 42:898-905.
- Condé ABT, Coelho MAO, Fronza V & Souza LV (2010) Divergência genética em trigo de sequeiro por meio de caracteres morfoagronômicos. *Revista Ceres*, 57:762-767.
- Critchley C (1999) Concepts in photobiology: photosynthesis and photomorphogenesis. New Delhi, Narosa Publishing House. 587p.
- Cruz CD (2008) Programa Genes: diversidade genética. Viçosa, Editora UFV, 278p.
- Cruz, CD (1990) Aplicação de algumas técnicas multivariadas no melhoramento de plantas. Tese de Doutorado. Escola Superior de Agricultura Luiz de Queiroz, Piracicaba, 188p.
- Dotto MA, Afférrri FS, Peluzio JM, Melo AV & Carvalho EV (2010) Divergência genética entre cultivares comerciais de milho em baixas altitudes no Tocantins, safra 2007/2008. *Revista Ciência Agronômica*, 41:630-637.
- Duffy C, Perez K & Partridge A (2007) Implications of phytoestrogen intake for breast cancer. *CA Cancer J Clin*, 57:260-277.
- EMBRAPA. Centro Nacional de Pesquisa de Solos. Sistema brasileiro de classificação de solos (1999). Brasília, Embrapa Serviço de Produção de Informação. 412p.
- EMBRAPA. Tecnologias de produção de soja – região central do Brasil 2009 e 2010 (2008). Londrina, Embrapa Soja. Sistemas de Produção, n.13. 262p.
- Elias TH, Vidigal MGC, Gonela A & Vogt GA (2007) Variabilidade genética em germoplasma tradicional de feijão-preto em Santa Catarina. *Pesquisa Agropecuária Brasileira*, 42:1443-1449.
- Kloster GS, Barelli MAA, Silva CR, Neves, LG, Paiva Sobrinho S & Luz PB (2011) Análise da divergência genética através de caracteres morfológicos em cultivares de feijoeiro. *Revista Brasileira de Ciências Agrárias*, 6:452-459.
- Krause W, Rodrigues R, Gonçalves LSA, Bezerra Neto FV & Leal NR (2009) Genetic divergence in snap bean based on agronomic traits and resistance to bacterial wilt. *Crop Breeding and Applied Biotechnology*, 9:246-252.
- Marques MC (2010) Adaptabilidade, estabilidade e divergência genética de cultivares de soja em três épocas de semeadura, em Uberlândia, MG. Dissertação de mestrado. Universidade Federal de Viçosa, 84p.
- Peluzio JM, Afférrri FS, Monteiro FJF, Melo AV & Pimenta RS (2010) Adaptabilidade e estabilidade de cultivares de soja em várzea irrigada no Tocantins. *Revista Ciência Agronômica*, 41:427-434.
- Sediyaama T. Tecnologia de produção da soja. Editora Mecnas LTDA (2009). Londrina, 314p.
- SEPLAN. Secretaria do Planejamento e Meio Ambiente do Tocantins (2003). Atlas do Tocantins: subsídios ao planejamento da gestão territorial. 3ª ed. Palmas, TO: SEPLAN. 49p.
- Singh D (1981) The relative importance of characters affecting genetic divergence. *The Indian Journal of Genetic and Plant Breeding*, 41:237-245.
- Vogt GA, Balbinot Júnior AA & Souza AM (2010) Divergência genética entre cultivares de girassol no Planalto Norte Catarinenses. *Scientia Agrária*, 11:307-315.