



Revista de Investigaciones Veterinarias  
del Perú, RIVEP

ISSN: 1682-3419

rivepsm@gmail.com

Universidad Nacional Mayor de San  
Marcos  
Perú

Tambillo G., Luis; Manchego S., Alberto; Chiok C, Kim-Lam; Sandoval C., Nieves; More  
B., Juan; Rivera G., Hermelinda

**EVALUACIÓN IN VITRO DE LA RESPUESTA LEUCOCITARIA DE ALPACAS (VICUGNA  
PACOS) EN PRESENCIA DE ANTÍGENOS CLOSTRIDIALES**

Revista de Investigaciones Veterinarias del Perú, RIVEP, vol. 24, núm. 4, octubre-  
diciembre, 2013, pp. 510-523

Universidad Nacional Mayor de San Marcos  
Lima, Perú

Disponible en: <http://www.redalyc.org/articulo.oa?id=371838878013>

- Cómo citar el artículo
- Número completo
- Más información del artículo
- Página de la revista en redalyc.org

redalyc.org

Sistema de Información Científica

Red de Revistas Científicas de América Latina, el Caribe, España y Portugal

Proyecto académico sin fines de lucro, desarrollado bajo la iniciativa de acceso abierto

## EVALUACIÓN *in vitro* DE LA RESPUESTA LEUCOCITARIA DE ALPACAS (*Vicugna pacos*) EN PRESENCIA DE ANTÍGENOS CLOSTRIDIALES

### EVALUATION *IN VITRO* OF THE LEUKOCYTE RESPONSE OF ALPACAS (*VICUGNA PACOS*) IN PRESENCE OF CLOSTRIDIAL ANTIGENS

Luis Tambillo G.<sup>1</sup>, Alberto Manchego S.<sup>1,3</sup>, Kim-Lam Chiok C.<sup>1</sup>, Nieves Sandoval C.<sup>2</sup>, Juan More B.<sup>1</sup>, Hermelinda Rivera G.<sup>1</sup>

#### RESUMEN

El objetivo del presente estudio fue evaluar la expresión de citoquinas proinflamatorias de leucocitos circulantes de alpaca al enfrentarlos a extracto total de *Clostridium perfringens* (componentes estructurales y toxinas). Se colectó sangre entera de la vena yugular de 5 alpacas hembras y 5 alpacas machos adultos. Los leucocitos fueron separados utilizando cloruro de amonio para lisar los eritrocitos, seguido de centrifugación y luego cultivados a una concentración de 500 000 leucocitos/ml de medio MEM (Medio Mínimo Esencial) en placas de cultivo de 12 pocillos. Simultáneamente, fueron enfrentados a extracto total de *C. perfringens* cultivados en caldo tioglicolato a concentraciones de 400, 80, 16, 0.8 y 0.2 µg/ml, para luego cuantificar, mediante la RT-PCR, la expresión de las citoquinas TNFα, IL-1α, IL-1β e IL-6 a 1, 12 y 24 h de exposición. Los resultados demostraron que dosis bajas de extractos clostridiales (0.2 a 0.8 µg/ml) son capaces de inducir expresiones de TNFα, IL-1α, e IL-1β a 1, 12 y 24 h de incubación, a diferencia de dosis altas donde no sobrepasan la expresión de las citoquinas en leucocitos no estimulados (control). No se evidencia producción considerable de IL-6 hasta las 24 h post exposición a extracto completo de *C. perfringens*. Los resultados indican que el *C. perfringens* y sus toxinas a dosis bajas inducen la activación de los leucocitos circulantes de alpacas produciendo la secreción de citoquinas proinflamatorias.

**Palabras clave:** camélidos sudamericanos, enterotoxemia, citoquinas, RT-PCR en tiempo real

<sup>1</sup> Laboratorio de Microbiología y Parasitología Veterinaria, <sup>2</sup> Laboratorio de Histología, Embriología y Patología Veterinaria, Facultad de Medicina Veterinaria, Universidad Nacional Mayor de San Marcos, Lima

<sup>3</sup> E-mail: amanchegos@gmail.com

Recibido: 4 de noviembre de 2012

Aceptado para publicación: 7 de junio de 2013

## ABSTRACT

The aim of this study was to evaluate the expression of proinflammatory cytokines of alpaca circulating leukocytes when confronting total extract of *Clostridium perfringens* (structural components and toxins). Whole blood was collected from the jugular vein of 5 female and 5 male adult alpacas. The leukocytes were separated using ammonium chloride to lyse erythrocytes followed by centrifugation and then cultured at a concentration of 500 000 cells/ml of MEM (Minimal Essential Medium) in culture plates of 12 wells. Simultaneously were challenged with total extract of *C. perfringens* grown in thioglycolate broth at concentrations of 400, 80, 16, 0.8 and 0.2 µg/ml and then quantifying by RT-PCR the expression of cytokines TNFα, IL-1α, IL-6 and IL-1β at 1, 12 and 24 h of exposure. The results showed that low doses of clostridial extracts (0.2 to 0.8 mg/ml) are capable of inducing expression of TNF, IL-1α and IL-1β at 1, 12 and 24 h of incubation, whereas higher doses do not exceed the expression of cytokines in unstimulated (control) leukocytes. There was no significant production of IL-6 up to 24 h after exposure to whole extract of *C. perfringens*. These results indicate that *C. perfringens* and its toxins at low doses induce activation of circulatory leukocyte in alpacas producing proinflammatory cytokine secretion.

**Key words:** South American camelids, enterotoxemia, cytokines, real time RT-PCR

## INTRODUCCIÓN

La enterotoxemia es la enfermedad infecciosa responsable de las mayores pérdidas económicas que afectan a los productores alpaqueros (Moro, 1987; Ramírez, 1990; Ameghino y DeMartini, 1991). La enterotoxemia, denominada también diarrea bacilar, es una infección aguda ocasionada por el *Clostridium perfringens* que afecta principalmente a las crías entre la segunda y tercera semana de edad (Ramírez *et al.*, 1985). El cuadro patológico es consecuencia de un evento tóxico primario a nivel intestinal que se deriva en una toxemia generalizada a consecuencia de la acción de las toxinas del *C. perfringens* tipo A que ocasionan daños irreversibles en el endotelio vascular y el sistema nervioso. Generalmente, estas manifestaciones clínicas transcurren rápidamente y finalizan con la muerte súbita del animal (Novoa y Florez, 1991).

La enfermedad se observa como brotes o epizootias, con mortalidades que pueden alcanzar el 50% de las crías (Ramírez *et al.*, 1985). La presentación de brotes epidé-

micos de la enfermedad es compleja, producto de las condiciones de manejo y posiblemente de la capacidad inmunológica de la cría, y está determinada por la presencia de los anticuerpos específicos transmitidos por la madre o de la propia respuesta inmune del neonato al agente causal (Ortíz, 1988; Ramírez y Ellis, 1988).

En la prevención de la enterotoxemia se emplean medidas de higiene y de manejo como la adecuada ingestión del calostro dentro de las primeras 12 horas de vida (Ameghino y DeMartini, 1991) y la vacunación. El objetivo de la vacunación es proporcionar una inmunidad efectiva al establecer niveles adecuados de anticuerpos y generar una población programada de células de memoria, capaces de expandirse con rapidez ante un nuevo contacto con el antígeno y de este modo proteger contra la infección (Roitt, 2003).

Las células del sistema inmune secretan cientos de proteínas diferentes que regulan las respuestas inmunes mediante la comunicación entre las células. Estas proteínas son las citoquinas inflamatorias que tienen un rol

importante en el desenlace de un proceso infeccioso e inflamatorio (Murtaugh *et al.*, 1996). Las citoquinas IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$ , IL-6 y TNF $\alpha$  han sido estudiadas en el bovino, porcino, hombre, etc. En la llama, se ha estudiado la liberación de citoquinas proinflamatorias como IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$ , IL-6 y TNF $\alpha$  por leucocitos sanguíneos periféricos al ser estimulados por el lipopolisacárido (LPS) de *E. coli*, dosis y tiempo dependiente (Odbileg *et al.*, 2005), pero no existen estudios sobre estas importantes citoquinas en alpacas cuando se estimulan con antígenos de otros agentes bacterianos. El presente estudio tuvo por objetivo determinar los niveles de expresión relativos de las citoquinas IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$ , IL-6 en los leucocitos sanguíneos circulantes de las alpacas ante la presencia de los antígenos clostridiales.

## MATERIALES Y MÉTODOS

### Muestras y Preparación de Antígenos

**Sangre.** Se trabajó con 10 alpacas (5 hembras y 5 machos) adultas criadas en confinamiento. La sangre se obtuvo por venopunción de la vena yugular en tubos de 7 ml con EDTA como anticoagulante.

**Antígeno de *C. perfringens*.** Se empleó el extracto completo de *C. perfringens* obtenido de cinco cepas bacterianas aisladas de crías de alpaca con diagnóstico de enterotoxemia. El extracto fue purificado mediante precipitación con ácido tricloroacético (TCA) y lavado con acetona para eliminar residuos de TCA. La dosis de extracto fue ajustada a 400  $\mu$ g/ml de proteínas totales empleando el equipo Qubit (Qubit-it<sup>TM</sup> protein assay kit) (Invitrogen, EEUU). Se hicieron diluciones a partir de los 400  $\mu$ g/ml de proteínas totales para obtener concentraciones de 80, 16, 0.8 y 0.2  $\mu$ g/ml.

### Obtención de Leucocitos

Los leucocitos se obtuvieron por centrifugación de la sangre entera a 3500 g

por 5 min. La capa flogística (leucocitos) fue purificada de glóbulos rojos mediante lavado agregando Buffer Fosfato Salino (PBS) 0.15M a pH 7.2 y centrifugación a 2500 g por 5 min. Se eliminó el sobrenadante, se agregó cloruro de amonio 0.85% frío, homogenizando e incubando en refrigeración a 4 °C por 1 h, y luego se centrifugó a 2500 g por 10 min eliminando el sobrenadante. Los leucocitos se lavaron tres veces con PBS conforme ha sido descrito para eliminar los restos de cloruro de amonio, y finalmente se re-suspendieron en Medio Mínimo Esencial (MEM) libre de antibióticos.

### Activación Leucocitaria

Se hizo una incubación previa con colorante vital azul de tripán al 0.3% en proporción 1:2 con los leucocitos suspendidos en MEM para contar las células vivas usando la cámara de Neubauer. Se empleó la fórmula: Número de leucocitos/ml = Promedio de la sumatoria de los 4 cuadrantes x 2 x 10 000 (Darling y Morgan, 1993).

Una vez obtenido el promedio total de células viables, se hicieron diluciones para obtener suspensiones de 500 000 leucocitos/ml. Estas suspensiones se enfrentaron a concentraciones decrecientes de extracto total de *C. perfringens* (400, 80, 16, 0.8 y 0.2  $\mu$ g/ml) por 1, 12 y 24 h. Para cada periodo de tiempo se tuvo un control de leucocitos inoculados con suero fisiológico (SF) para evaluar las variaciones normales en la expresión de las citoquinas.

Los enfrentamientos se realizaron en microplacas de poliestireno para cultivo celular de 24 pocillos y bajo incubación a 37 °C con 5% de CO<sub>2</sub>. Transcurridos los periodos de incubación, las microplacas se extrajeron de la estufa y se separaron las células mediante centrifugación a 3000 g por 10 min. Se volvió a contar los leucocitos después de 1 h de incubación empleando azul de tripán como ha sido descrito anteriormente. La activación leucocitaria se detuvo congelando las suspensiones a -20 °C y se almacenaron a esta temperatura hasta su uso.

### Obtención de ARN Total

Las muestras se descongelaron y centrifugaron a 5000 g por 5 min. Al sedimento celular se le agregó el reactivo TRIzol (Invitrogen, EEUU) y se adicionó cloroformo absoluto frío, siguiendo las instrucciones del fabricante. El ARN fue precipitado con alcohol isopropílico frío y lavado con etanol frío al 75%. El ARN total obtenido fue resuspendido en 60 µl de agua libre de nucleasas y congelado a -70 °C hasta su uso.

### Síntesis de ADN Complementario (ADNc) por Transcripción Reversa

Para la transcripción reversa del ARN total obtenido en cada tratamiento se utilizó el kit SuperScript™ III Platinum® SYBR® Green Two-Step qRT-PCR Kit with ROX (Invitrogen, EEUU), de acuerdo a las instrucciones del fabricante. Se colocó 18 µl del master mix con 2 µl de muestra (ARN total) para obtener un volumen final de reacción de 20 µl. Las muestras fueron llevadas al termociclador PTC 200 (Peltier thermocycler) Chromo 4 de MJ Research-BioRad (EEUU), incubándose a 25 °C por 10 min, 37 °C por 20 min y 85 °C por 5 min para terminar la reacción. El ADNc obtenido fue congelado a -70 °C hasta su uso en el PCR en tiempo real.

### PCR en Tiempo Real

Para el PCR en tiempo real, se empleó el kit SYBR® Green Two-Step qRT-PCR Kit with ROX (Invitrogen, EEUU). Las pruebas fueron realizadas en el mismo termociclador PTC 200 usado para el proceso anterior. Se utilizó el ADNc obtenido, los oligonucleótidos específicos descritos por Obdileg *et al.* (2005) y oligonucleótidos específicos para la amplificación de GAPDH como control interno endógeno y para su empleo en la cuantificación relativa de expresión (Cuadro 1).

Para la reacción en tiempo real se empleó el kit SuperScript™ III Platinum® SYBR® Green Two-Step qRT-PCR (Invitrogen, EEUU), de acuerdo a las instrucciones del fabricante. Se colocó 18 µl del master mix en viales para PCR en tiempo real y se adicionaron 2 µl de ADNc templado. Se llevó al termociclador empleándose protocolos de acuerdo a la temperatura de hibridación de cada juego de oligonucleótidos según el Cuadro 1.

Los protocolos de PCR fueron los siguientes: Para GAPDH (gliceraldehído 3 fosfato deshidrogenasa): 50 °C por 2 min (incubación con UDG), 95 °C por 10 min (inactivación UDG y activación de ADN polimerasa), seguido de 40 ciclos de 95 °C por 15 s y 60 °C por 1 min. Para las citoquinas TNFα, IL-1α, IL-1β e IL-6: 50 °C por 2 min (incubación con UDG), 95 °C por 10 min (inactivación UDG y activación de ADN polimerasa), seguido de 40 ciclos de 94 °C por 30 s, temperatura de hibridación de cada juego de oligonucleótidos en grados Celsius por 30 s y 72 °C por 30 s, análisis de temperatura de disociación desde 55 hasta 95 °C, con incrementos de temperatura de 0.3 °C y, finalmente, 14 °C indefinidamente para conservar los productos.

Los resultados fueron evaluados a través del programa Opticon Monitor 2 v. 2.0.3, obteniéndose los valores de Ct (*Cycle threshold* o ciclo umbral) para su uso en el análisis  $2^{-\Delta\Delta Ct}$  como método de cuantificación relativa y el valor de Tm (Temperatura de *melting* o disociación) de cada uno de los productos para evaluar la especificidad de los productos amplificados. Se hicieron tres repeticiones por tratamiento y por cada citoquina evaluada para obtener los promedios de Ct y Tm de cada uno. Finalmente, todos los productos obtenidos por PCR en tiempo real fueron sometidos a electroforesis en gel de agarosa al 1.5% para evaluar la correspondencia de los productos y su pureza de acuerdo a las longitudes de cada producto descritas, según Obdileg *et al.* (2005).

Cuadro 1. Oligonucleótidos y temperatura de hibridación para RT-PCR tiempo real para detección de las citoquinas TNF $\alpha$ , IL-1 e IL-6 y GAPDH

| Citoquina                                    | Tamaño aproximado (pb) | Oligonucleótidos     | Temperatura de hibridación (°C) |
|--|------------------------|----------------------|---------------------------------|
| IL-1 $\alpha$ F (5')                         | 172                    | GATGCCTGAGACACCCAA   | 53                              |
| IL-1 $\alpha$ R (3')                         |                        | GAAAGTCAGTGATCGAGGG  |                                 |
| IL-1 $\beta$ F(5')                           | 259                    | AAGTGGTGTTCTGCATGAGC | 53                              |
| IL-1 $\beta$ R(3')                           |                        | TGACAAGTGCTGATGTACCA |                                 |
| IL-6 F(5')                                   | 193                    | CTCTGCAATGAGAAAGGAGA | 50                              |
| IL-6 R(3')                                   |                        | GGTAGTCCAGGTATATCTGA |                                 |
| TNF $\alpha$ F(5')                           | 251                    | CTACTCCCAGGTCCTCCTGA | 56                              |
| TNF $\alpha$ R(3')                           |                        | GGTAGTTGGGCATGTTGATC |                                 |
| GAPDH F (5')<br>(Patil <i>et al.</i> , 2004) | 356                    | GTGAAGGTCGGAGTGAACG  | 60                              |
| GAPDH R (3')<br>(Patil <i>et al.</i> , 2004) |                        | GAGATGATGACCCTCTTGGC |                                 |

### Cuantificación Relativa de los Productos del PCR Tiempo Real

La cuantificación relativa de los resultados de las citoquinas TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$  e IL-6 se realizó con el Método  $2^{-\Delta\Delta C_t}$  o Método Ct comparativo (Livak y Schmittgen, 2001). El método se basa en el análisis comparativo de los Cts de las muestras comparados con el Ct de un control endógeno (muestras usando el set de oligonucleótidos GAPDH) en relación a una muestra calibrador.

Los resultados son presentados como cantidades en número de veces con respecto a un calibrador (individuo con expresión basal del gen a analizar). De esta forma, se obtuvo los niveles de expresión de las citoquinas TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$  e IL-6, con respecto a un calibrador (control de leucocitos inoculados con SF). Se empleó un calibrador para cada periodo de tiempo evaluado (tres calibradores que consistieron de leucocitos

inoculados con SF incubados por 1, 12 y 24 h). Igualmente, se compararon los niveles de expresión de ARNm de las citoquinas evaluadas bajo la misma concentración de extracto completo pero en diferentes periodos de tiempo para evaluar el cambio de expresión a través del tiempo. Para este efecto, se tomó como calibrador al control de leucocitos con SF con 1 h de incubación como nivel basal de expresión.

### Análisis Estadístico

Se calcularon los valores de promedio  $2^{-\Delta\Delta C_t}$  por cada tratamiento y tiempo expresándose como número de veces más respecto al calibrador. Mediante un análisis de varianza se determinaron las diferencias estadísticas entre tratamientos por cada periodo y entre los periodos de un mismo tratamiento, y se utilizó la prueba de Tukey para identificar diferencias entre grupos. Se empleó el software Stata/SE v. 10.1.

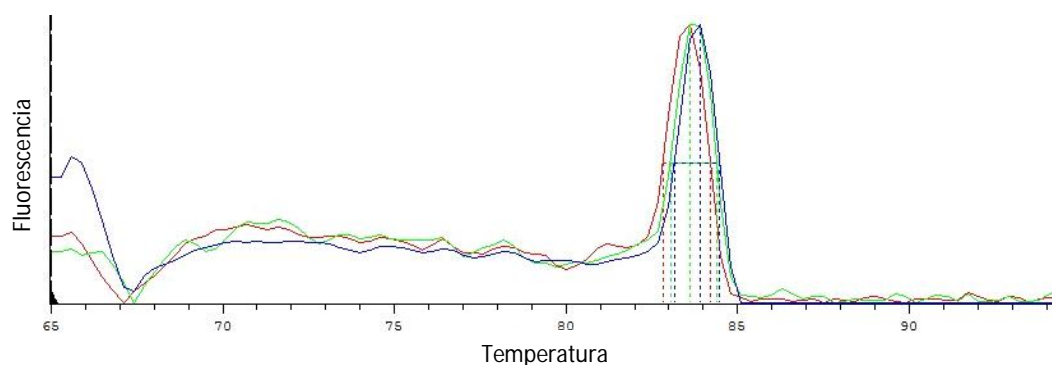


Figura 1. Análisis de Temperatura de Disociación de algunos de los productos de PCR en Tiempo Real empleando oligonucleótidos GAPDH. Azul  $T_m = 83.9\text{ }^{\circ}\text{C}$  ( $400\text{ }\mu\text{g} \times 1\text{ h}$ ); Verde  $T_m = 83.6\text{ }^{\circ}\text{C}$  ( $80\text{ }\mu\text{g} \times 12\text{ h}$ ) y Rojo  $T_m = 83.6\text{ }^{\circ}\text{C}$  ( $0.2\text{ }\mu\text{g} \times 12\text{ h}$ )

## RESULTADOS

### PCR en Tiempo Real del ARNm de GAPDH, TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$ e IL-1 $\beta$

Todos los tratamientos mostraron la presencia de ARNm de GAPDH por PCR en tiempo real y corroborado en gel de agarosa al 1.5%. Se observó un producto único de aproximadamente 356 pb similar al descrito por Patil *et al.* (2004). Igualmente, la electroforesis en gel de agarosa al 1.5% de los productos del PCR en tiempo real para TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$  e IL-1 $\beta$  mostraron una banda única y específica de ADN amplificado de aproximadamente 251, 172 y 259 pb, respectivamente, como fuera descrito por Odbileg *et al.* (2005). No se observaron productos en el PCR de IL-6.

En el PCR en tiempo real de GAPDH, todas las muestras (18/18) amplificaron un producto único y específico con un Ct en un rango de 31.32 a 34.19, con una  $T_m$  entre  $80.3$  y  $84.1\text{ }^{\circ}\text{C}$  (Fig. 1). Para TNF $\alpha$ , las curvas de amplificación tuvieron valores de Ct entre 30.1 y 35.3 en todas las muestras y cada muestra expresa un producto único con  $T_m$  entre  $83.0$  a  $86.3\text{ }^{\circ}\text{C}$  (Fig. 2). Para el IL-1 $\alpha$ , todas las muestras presentaron Ct entre 31.0 a 36.5, con curva de  $T_m$  única de los productos

dentro de un rango de  $78.8$  a  $79.7\text{ }^{\circ}\text{C}$  (Fig. 3). Para IL-1 $\beta$ , todas las muestras presentaron Ct con valores entre 30.6 a 37.3 y su producto único con un  $T_m$  en el rango de  $79.4$  a  $80.9\text{ }^{\circ}\text{C}$  (Fig. 4).

### Cuantificación Relativa de TNF $\alpha$

La cuantificación relativa de la expresión de TNF $\alpha$  a distintas concentraciones y tiempo de incubación se muestra en el Cuadro 2. La dosis de  $0.2\text{ }\mu\text{g/ml}$  produjo la mayor cantidad de expresión relativa de TNF $\alpha$  en los tres tiempos de incubación. Asimismo, los niveles de expresión presentaron una curva descendiente dependiente de la dosis, siendo la menor en la concentración de  $400\text{ }\mu\text{g/ml}$  a las 12 h de incubación. Los coeficientes de correlación fueron de  $-0.72$ ,  $-0.75$  y  $-0.78$  para 1, 12 y 24 h de incubación, respectivamente, entre los niveles de expresión de ARNm de TNF $\alpha$  y la concentración de *C. perfringens*.

Al comparar la expresión de TNF $\alpha$  en el tiempo de cada tratamiento según la concentración del extracto empleando el calibrador de leucocitos con SF por 1 h de incubación, se observó que todas las dosis a 1 y 24 horas de incubación (excepto la de  $400\text{ }\mu\text{g/ml}$ ) lograron incrementar la expresión relativa del ARNm de TNF $\alpha$  superando al calibrador. Se observa un decremento de la

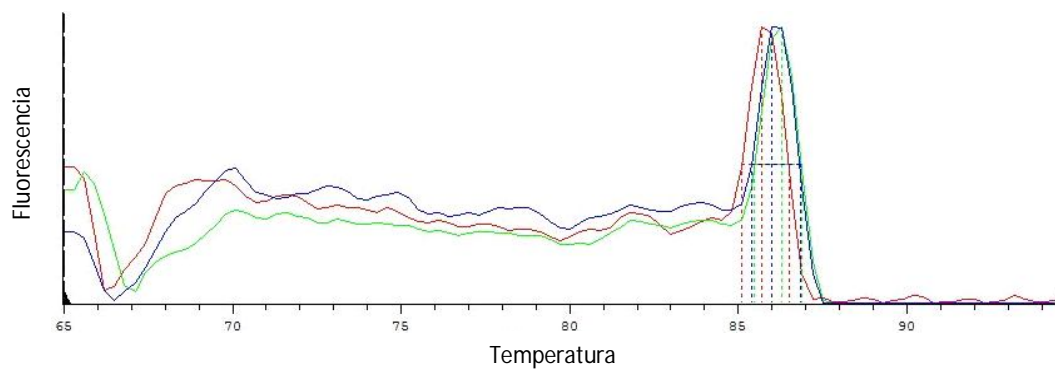


Figura 2. Análisis de Temperatura de Disociación de algunos de los productos de PCR en Tiempo Real empleando oligonucleótidos TNF $\alpha$  . *Azul* Tm= 86 °C (400  $\mu$ g x 1 h); *Verde* Tm= 86.3 °C (0.2  $\mu$ g x 1 h) y *Rojo* Tm= 85.7 °C (SF x 12 h)

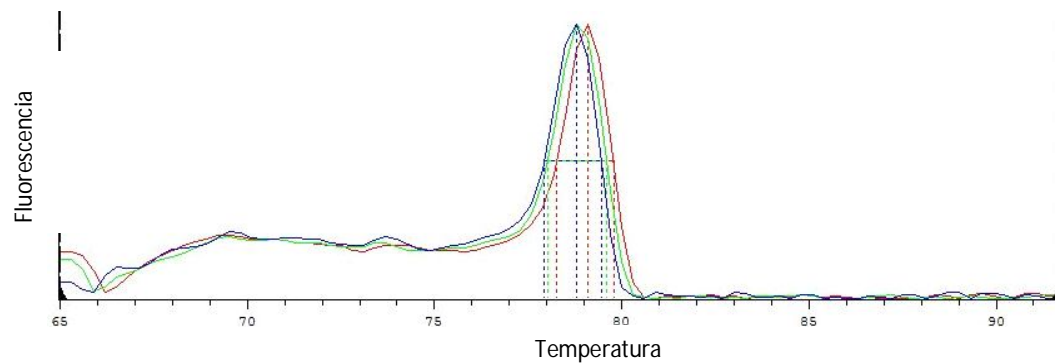


Figura 3. Análisis de Temperatura de Disociación de algunos de los productos de PCR en Tiempo Real empleando oligonucleótidos IL-1 $\alpha$  . *Azul* Tm= 78.8 °C (0.8  $\mu$ g x 12 h); *Verde* Tm= 78.8 °C (0.2  $\mu$ g x 1 h) y *Rojo* Tm= 79.1 °C (SF x 1 h)

expresión a las 12 h hasta niveles por debajo del calibrador para las dosis más altas (400 y 80  $\mu$ g/ml) y ligeramente por encima del calibrador para las dosis más bajas (16, 0.8 y 0.2  $\mu$ g/ml) (Cuadro 3). El conteo de las células después de 1 h de incubación indicó que solo sobrevivió el 26% de las células iniciales.

#### Cuantificación Relativa de IL-1 $\alpha$

La cuantificación relativa de la expresión de IL-1 $\alpha$  a distintas concentraciones y tiempos de incubación se muestra en el Cuadro 4. La dosis de 0.2  $\mu$ g/ml produjo la mayor cantidad de expresión relativa de IL-1 $\alpha$  en

los tres tiempos de incubación. Asimismo, los niveles de expresión mostraron una curva descendiente dependiente de la concentración del extracto. Además, los niveles de expresión fueron inferiores al control en todas las concentraciones de extracto después de una hora de incubación. Los coeficientes de correlación fueron de -0.58, -0.67 y -0.70 para 1, 12 y 24 h de incubación, respectivamente, entre los niveles de expresión de ARNm de IL-1 $\alpha$  y la concentración de *C. perfringens*.

En la cuantificación relativa de IL-1 $\alpha$  en diferentes periodos de tiempo bajo la misma concentración del extracto de *C.*



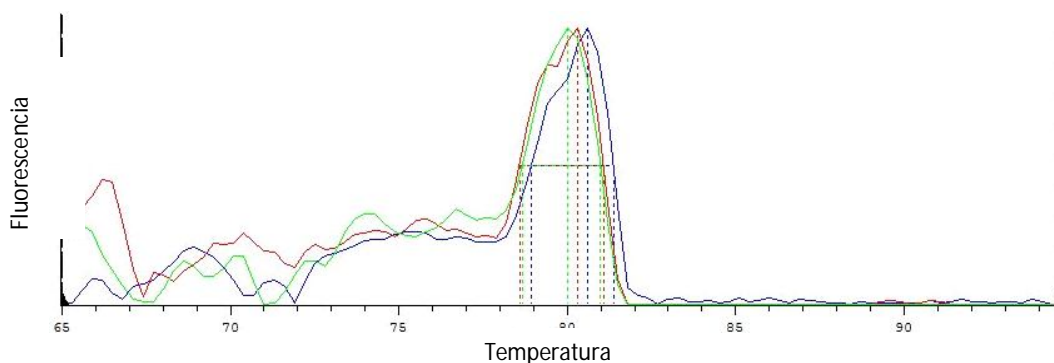


Figura 4. Análisis de Temperatura de Disociación de algunos de los productos de PCR en Tiempo Real empleando oligonucleótidos IL-1 $\beta$ . Azul y Verde Tm= 80.6 °C (0.8  $\mu$ g x 1 h y 0.2  $\mu$ g x 24 h) y Rojo Tm= 80.3 °C (SF x 24 h)

*perfringens* usando como calibrador al control de leucocitos con suero fisiológico con 1 h de incubación como nivel basal de expresión para todos los tiempos, se determinó que las expresiones para todas las dosis en todos los tiempos no superan al valor del calibrador empleado (Cuadro 5).

#### Cuantificación Relativa de IL-1 $\beta$

La cuantificación relativa de la expresión de IL-1 $\beta$  a distintas concentraciones y tiempo de incubación se detallan en el Cuadro 6. Se determinó que se producen niveles superiores al control únicamente en la concentración de 0.2  $\mu$ g/ml a las 12 h de incubación y en las concentraciones de 0.2, 0.8 y 16  $\mu$ g/ml a las 24 h de incubación. La concentración de 0.2  $\mu$ g/ml produce la mayor cantidad de expresión relativa de IL-1 $\beta$  a los tres tiempos de incubación. Asimismo, los niveles de expresión tienen una curva descendiente dependiente de la concentración de extracto. Los coeficientes de correlación fueron de -0.74, -0.60 y -0.84 para 1, 12 y 24 h de incubación, respectivamente, entre los niveles de expresión de ARNm de IL-1 $\alpha$  y la concentración de *C. perfringens*.

En la cuantificación relativa de IL-1 $\beta$  en diferentes periodos de tiempo bajo la misma concentración del extracto de *C.*

*perfringens* usando como calibrador al control de leucocitos con suero fisiológico con 1 h de incubación como nivel basal de expresión para todos los tiempos, se observa que a 1 h de incubación la expresión se encuentra por debajo del control en todas las dosis; sin embargo, las expresiones incrementan considerablemente a las 12 h de incubación, superando al valor del control en las dosis más bajas (16, 0.8 y 0.2  $\mu$ g/ml); no obstante, la expresión decae a las 24 h de incubación llegando a un valor ligeramente por debajo del obtenido a la hora (excepto con la dosis de 16  $\mu$ g/ml) (Cuadro 7).

#### DISCUSIÓN

En el presente estudio se determinaron los niveles de expresión de las citoquinas proinflamatorias TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$  y IL-1 $\beta$  en alpacas. Los ARN mensajeros obtenidos tuvieron valores de Tm únicos para cada una de ellas (Figs. 2, 3 y 4). No se detectó la expresión de la IL-6 en las 24 h de evaluación.

Leucocitos enfrentados con dosis antigénicas altas como 400, 80 y en algunos casos con 16  $\mu$ g/ml resultan en bajos niveles de expresión de citoquinas proinflamatorias. Esto se encuentra asociado a una alta muer-

Cuadro 2. Expresión relativa de ARNm de TNF $\alpha$  frente a cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* en tres tiempos de incubación empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta C_t}$ 

| Tratamiento       | Horas de incubación |                   |                   |
|-------------------|---------------------|-------------------|-------------------|
|                   | 1                   | 12                | 24                |
| Suero fisiológico | 1.00 <sup>a</sup>   | 1.00 <sup>a</sup> | 1.00 <sup>a</sup> |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.87 <sup>a</sup>   | 0.37 <sup>b</sup> | 0.80 <sup>a</sup> |
| 80 $\mu$ g/ml     | 1.19 <sup>a</sup>   | 0.58 <sup>c</sup> | 1.13 <sup>a</sup> |
| 16 $\mu$ g/ml     | 2.34 <sup>b</sup>   | 0.88 <sup>a</sup> | 1.54 <sup>b</sup> |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 2.88 <sup>c</sup>   | 1.37 <sup>d</sup> | 2.19 <sup>c</sup> |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 4.11 <sup>d</sup>   | 1.63 <sup>e</sup> | 2.37 <sup>c</sup> |

<sup>a,b,c,d,e</sup> Superíndices diferentes dentro de columnas indican diferencia estadística ( $p < 0.05$ )

Cuadro 3. Comparación de la expresión relativa de ARNm de TNF $\alpha$  en tres tiempos de incubación y cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* frente al calibrador empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta C_t}$ 

| Tratamiento       | Horas de incubación |      |      |
|-------------------|---------------------|------|------|
|                   | 1                   | 12   | 24   |
| Suero fisiológico | 1.00                | 1.00 | 1.00 |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.87                | 0.41 | 0.56 |
| 80 $\mu$ g/ml     | 1.19                | 0.64 | 0.80 |
| 16 $\mu$ g/ml     | 2.34                | 0.97 | 1.08 |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 2.88                | 1.51 | 1.54 |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 4.11                | 1.80 | 1.67 |

Cuadro 4. Expresión relativa de ARNm de IL-1 $\alpha$  frente a cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* en tres tiempos de incubación empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta Ct}$ 

| Tratamiento       | Horas de incubación |                   |                   |
|-------------------|---------------------|-------------------|-------------------|
|                   | 1                   | 12                | 24                |
| Suero fisiológico | 1.00 <sup>a</sup>   | 1.00 <sup>a</sup> | 1.00 <sup>a</sup> |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.16 <sup>b</sup>   | 0.27 <sup>b</sup> | 0.61 <sup>b</sup> |
| 80 $\mu$ g/ml     | 0.21 <sup>c</sup>   | 0.27 <sup>b</sup> | 2.39 <sup>c</sup> |
| 16 $\mu$ g/ml     | 0.22 <sup>c</sup>   | 0.47 <sup>c</sup> | 2.41 <sup>c</sup> |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 0.66 <sup>d</sup>   | 0.62 <sup>d</sup> | 2.65 <sup>d</sup> |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 0.77 <sup>e</sup>   | 0.73 <sup>e</sup> | 5.86 <sup>e</sup> |

<sup>a,b,c,d,e</sup> Superíndices diferentes dentro de columnas indican diferencia estadística ( $p < 0.05$ )

Cuadro 5. Comparación de la expresión relativa de ARNm de IL-1 $\alpha$  en tres tiempos de incubación y cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* frente al calibrador empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta Ct}$ 

| Tratamiento       | Horas de incubación |      |      |
|-------------------|---------------------|------|------|
|                   | 1                   | 12   | 24   |
| Suero fisiológico | 1.00                | 1.00 | 1.00 |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.16                | 0.08 | 0.06 |
| 80 $\mu$ g/ml     | 0.21                | 0.08 | 0.24 |
| 16 $\mu$ g/ml     | 0.22                | 0.14 | 0.24 |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 0.66                | 0.19 | 0.27 |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 0.77                | 0.22 | 0.59 |

Cuadro 6. Expresión relativa de ARNm de IL-1 $\beta$  frente a cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* en tres tiempos de incubación empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta Ct}$

| Tratamiento       | Horas de incubación |                   |                   |
|-------------------|---------------------|-------------------|-------------------|
|                   | 1                   | 12                | 24                |
| Suero fisiológico | 1.00 <sup>a</sup>   | 1.00 <sup>a</sup> | 1.00 <sup>a</sup> |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.11 <sup>b</sup>   | 0.13 <sup>b</sup> | 0.21 <sup>b</sup> |
| 80 $\mu$ g/ml     | 0.28 <sup>c</sup>   | 0.13 <sup>b</sup> | 0.47 <sup>c</sup> |
| 16 $\mu$ g/ml     | 0.29 <sup>c</sup>   | 0.47 <sup>c</sup> | 1.30 <sup>d</sup> |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 0.56 <sup>d</sup>   | 0.74 <sup>d</sup> | 1.35 <sup>d</sup> |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 0.72 <sup>e</sup>   | 1.39 <sup>e</sup> | 1.52 <sup>d</sup> |

<sup>a,b,c,d,e</sup> Superíndices diferentes dentro de columnas indican diferencia estadística ( $p < 0.05$ )

Cuadro 7. Comparación de la expresión relativa de ARNm de IL-1 $\beta$  en tres tiempos de incubación y cinco concentraciones del extracto de *Clostridium perfringens* frente al calibrador empleando la técnica  $2^{-\Delta\Delta Ct}$

| Tratamiento       | Horas de incubación |      |      |
|-------------------|---------------------|------|------|
|                   | 1                   | 12   | 24   |
| Suero fisiológico | 1.00                | 1.00 | 1.00 |
| 400 $\mu$ g/ml    | 0.11                | 0.64 | 0.08 |
| 80 $\mu$ g/ml     | 0.28                | 0.67 | 0.19 |
| 16 $\mu$ g/ml     | 0.29                | 2.38 | 0.52 |
| 0.8 $\mu$ g/ml    | 0.56                | 3.76 | 0.54 |
| 0.2 $\mu$ g/ml    | 0.72                | 7.06 | 0.61 |

te celular a la hora de incubación (promedio de 26% de supervivencia de leucocitos cultivados), siendo uno de los factores de mayor influencia la actividad leucotóxica del extracto (Guillouard *et al.*, 1996). Igualmente, la expresión frente a 80  $\mu$ g/ml del extracto es muy variable, guardando relación al efecto citotóxico del antígeno clostridial descrito por Guillouard *et al.* (1996).

Se pudo observar que conforme se reduce la dosis del extracto se detecta más citoquinas con respecto al control por efecto de una mayor cantidad de células viables (Cuadros 2, 4 y 6). Sin embargo, las dosis de 0.2 y 0.8  $\mu$ g/ml expresan una cantidad mayor de citoquinas que las células controles no estimuladas, indicando un efecto dependiente de dosis de extracto total, aunque no se ha

determinado la dosis mínima de extracto que estimula a los leucocitos periféricos.

La expresión de citoquinas proinflamatorias en los mamíferos está regulada por señales celulares que son iniciadas por receptores TLR (Toll-Like Receptors) que reconocen moléculas extrañas denominadas patrones moleculares asociados a patógenos (PAMPS) (Mencin *et al.*, 2009). En el extracto de *C. perfringens* existen estas moléculas que son reconocidas por los leucocitos (principalmente neutrófilos, monocitos, basófilos y eosinófilos), y que en otros mamíferos expresan receptores TLR y NOD (nucleotide-binding oligomerization domain) que reconocen estos PAMPS (Mitchell *et al.*, 2007). Molecularmente, hay diversos tipos de TLR que en otras especies de mamíferos identifican a exotoxinas, ácidos teicoicos y péptidoglucanos de bacterias gram positivas, siendo el TLR2 el que tiene las propiedades de interaccionar con estos patrones (Schwandner *et al.*, 1999). Estas vías deben ser las que estimulan a los leucocitos tratados con el extracto de *C. perfringens* a la expresión de los genes estudiados.

La cuantificación relativa de las citoquinas TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$  e IL-1 $\beta$  a las 24 h de incubación tiene patrones similares a 1 y 12 horas. Las dosis bajas tuvieron una mayor expresión, lo que parece ser debido a una reducción de la leucotoxicidad por el extracto a las 24 h tal y como ocurre en las intoxicaciones alimentarias en personas donde los malestares no persisten por más de 24 h (Hatheway *et al.*, 1980). La relación de citotoxicidad y concentración del extracto está determinada principalmente por la presencia de muchas exotoxinas que tienen diversas actividades enzimáticas que afectan la integridad de los leucocitos; sin embargo, existen otros mecanismos como la apoptosis en que las bacterias gram positivas pueden inducir a muerte celular. Esto fue demostrado en un ensayo con lipoproteínas bacterianas que inducen a la apoptosis de monocitos sanguíneos por activación celular vía TLR2 (Aliprantis *et al.*, 1999) y vía de la ruta del

fosfoinositol 3 quinasa (PI3K) - Akt/PKB (Kobayashi *et al.*, 2003). Los niveles de expresión bajos de TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$ , IL-1 $\beta$ , IL-6 en todas las dosis debe incluir como factor a la apoptosis ya que se ha demostrado que las células polimorfonucleares que entran en apoptosis vía PI3K, regulan negativamente la capacidad de expresar los genes de las citoquinas proinflamatorias (Kobayashi *et al.*, 2003).

Otro punto importante es que cuando se hace una comparación de cada dosis usada contra los tiempos de incubación usando como calibrador al control de leucocitos con SF con 1 h de incubación como nivel basal de expresión, resultan en niveles de expresión diversos para cada citoquina. Las dosis altas como la de 400  $\mu$ g/ml trae como resultado niveles de expresión bajos de todas las citoquinas, pero para las dosis más bajas se observa un patrón de expresión diferente para cada citoquina. Para TNF $\alpha$  se observa que a la hora de incubación hay producción elevada que supera al control; sin embargo, decae a las 12 h y a las 24 h se observa un ligero aumento de la expresión (Cuadro 3). Es posible que esta dosis produjera una máxima expresión a la hora de enfrentamiento, disminuyendo gradualmente su producción a las 12 y 24 h debido a un posible «agotamiento» antigénico y de ARNm. Esta molécula no se almacena intracelularmente, por lo que es producida luego de una señalización celular, preferentemente por la vía del NF- $\kappa$ B; además, es una de las primeras citoquinas que se expresan después de una activación de los receptores TLR (Schwandner, 1999; Ferrarini *et al.*, 2008).

Para IL-1 $\alpha$  se observa un patrón similar a la hora de incubación destacando que en ninguno de los tratamientos (incluso en las dosis más bajas) se logra superar al control. Esta reducción se debe a la disminución de células viables y degradación de los ARNm de las células lisadas. También se observa que la expresión se reduce a las 12 h (sobre todo para las dosis más bajas); sin embargo, se puede notar un ligero incremento de la

expresión de citoquinas a las 24 h para todos tratamientos excepto para la más alta (400 µg/ml), posiblemente debido a que el efecto leucotóxico del antígeno contenido en el extracto se reduce a las 24 h (Cuadro 5).

Los niveles de expresión de IL-1β a la hora de incubación fue similar al de IL-1α, donde no llegan a superar al control. Las plaquetas no estimuladas, que son anucleadas pero participan secretando citoquinas y eicosanoides, contienen y almacenan ARNm de citoquinas como la IL-1β en su citoplasma asociadas a ribosomas que son traducidas inmediatamente después de un estímulo (Lindemann *et al.*, 2001). Este mecanismo hace cuantificar un buen número de ARNm de esta citoquina en el control celular del experimento, que junto a la citotoxicidad del extracto conduce a escasa cuantificación relativa a la hora. No obstante, a las 12 h ocurre una alta expresión de citoquinas que sobrepasa al control, excepto en las dosis de 400 y 80 µg/ml, que podría deberse a que la transcripción de ARNm que codifica la IL-1β ocurre 15 minutos después de la unión con el ligando, alcanza un pico máximo a las 3 o 4 h, manteniéndose los niveles durante varias horas (Tizard, 2009). Sin embargo, la producción de la citoquina decae a las 24 h por debajo del control (Cuadro 7), probablemente a la reducida duración del ARNm, ya que la vida media de los ARNm en las células de los mamíferos varía desde 30 minutos hasta cerca de 20 h (Cooper, 2004).

Los resultados para IL-6 no fueron obtenidos debido a que posiblemente la incubación no se realizó en los tiempos necesarios para poder detectar su expresión, tal como fue obtenido por Odbileg *et al.* (2005) en 3 a 6 horas de incubación con LPS de *E. coli* a dosis de 100 a 1000 pg/ml. En consecuencia, la expresión de las citoquinas siguieron un orden cronológico de expresión, donde el TNFα se produce al principio de la inflamación continuando con oleadas de IL-1 y posteriormente por IL-6 (Tizard, 2009); sin embargo, cabe recordar que el presente estudio fue realizado *in vitro*.

## CONCLUSIONES

- Los leucocitos de alpaca estimulados por moléculas de *C. perfringens* expresan citoquinas proinflamatorias de manera secuencial como ocurre en otros mamíferos, siendo primero TNFα y luego IL-1.
- Los leucocitos sanguíneos de alpacas estimuladas no evidencian producción de IL-6 hasta las 24 horas post exposición a extracto completo de *C. perfringens*.
- Dosis bajas de extractos clostridiales (0.2 a 0.8 µg) son capaces de inducir expresiones de citoquinas proinflamatorias en mayor cantidad que dosis antigénicas altas.

## LITERATURA CITADA

1. **Aliprantis AO, Yang R, Mark MR, Suggett S, Devaux B, Radolf JD, Klimpel GR, et al. 1999.** Cell activation and apoptosis by bacterial lipoproteins through Toll-like receptor-2. *Science* 285: 736-737.
2. **Ameghino E, De Martini J. 1991.** Mortalidad de crías de alpacas. Programa Colaborativo de Apoyo a la Investigación en Rumiantes Menores. Grant N.º AID/DSAN/XII G0049. p 71-80.
3. **Cooper G, Hausman RE. 2004.** La célula. 3º ed. Madrid. Ed Marbán. 716 p.
4. **Darling D, Morgan S. 1993.** Cultivo de células animales. 18º ed. España: Ed Acribia. 159 p.
5. **Ferrarini M, Delfanti F, Gianolini M, Rizzi C, Alfano M, Lazzarin A, Biswas P. 2008.** NF-κB modulates sensitivity to apoptosis, proinflammatory and migratory potential in short- versus long-term cultured human γδ lymphocytes. *J Immunol* 181: 5857-5864.
6. **Guillouard I, Alzari PM, Saliou B, Cole ST. 1996.** Use of site directed mutagenesis to probe structure-function relationships of alpha toxin from *Clostridium perfringens*. *Infect Immunol* 64: 2440-2444.

7. **Hatheway C, Whaley DN, Dowell VR. 1980.** Epidemiological aspects of *Clostridium perfringens* food borne illness. Food Technol 34(4): 77-79.
8. **Kobayashi SD, Voyich JM, Braughton KR, DeLeo FR. 2003.** Down-regulation of proinflammatory capacity during apoptosis in human polymorphonuclear leukocytes. J Immunol 170: 3357-3368.
9. **Lindemann S, Tolley N, Dixon D, McIntyre T, Prescott SM, Zimmerman GA, Weyrich AS. 2001.** Activated platelets mediate inflammatory signaling by regulated interleukin 1 beta synthesis. J Cell Biol 154: 485-490.
10. **Livak KJ, Schmittgen TD. 2001.** Analysis of relative gene expression data using real-time quantitative PCR and the 2(-Delta Delta C(T)) Method. Methods 25: 402-408.
11. **Mencin A, Kluwe J, Schwabe RF. 2009.** Toll-like receptors as targets in chronic liver diseases. Gut 58: 704-720.
12. **Mitchell JA, Paul-Clark MJ, Clarke GW, McMaster SK, Cartwright N. 2007.** Critical role of toll-like receptors and nucleotide oligomerisation domain in the regulation of health and disease. J Endocrinol 193: 323-330.
13. **Moro M. 1987.** Enfermedades infecciosas de las alpacas. Diarrea bacilar o enterotoxemia de las crías de alpacas. Rev Camélidos Sudam 4: 8-13.
14. **Murtaugh MP, Baarsch MJ, Zhou Y, Scamurra RW, Lin G. 1996.** Inflammatory cytokines in animal health and disease. Vet Immunol Immunopathol 54: 45-55.
15. **Novoa C, Flórez A. 1991.** Producción de rumiantes menores: alpacas. Lima: Ed Rerumen. 311 p.
16. **Odbileg R, Konnai S, Usui T, Ohashi K, Onuma M. 2005.** Quantification of llama inflammatory cytokine mRNAs by Real-Time RT-PCR. J Vet Med Sci 67: 195-198.
17. **Ortíz S. 1988.** Evaluación de algunos métodos de control de la mortalidad en crías de alpaca (*Lama pacos*) en explotaciones familiares. Tesis de Bachiller. Lima: Facultad de Medicina Veterinaria, Univ Nacional Mayor de San Marcos. 58 p.
18. **Patil A, Hughes A, Zhang G. 2004.** Rapid evolution and diversification of mammalian  $\alpha$ -defensins as revealed by comparative analysis of rodent and primate genes. Physiol Genomics 20: 1-11.
19. **Ramírez A. 1990.** Aplicación de la enterotoxina de *Clostridium perfringens* tipo A en el diagnóstico y control de la enterotoxemia en camélidos sudamericanos. Bol Div UNMSM 33: 11-24.
20. **Ramírez A, Huamán D, Ellis RP. 1985.** Enterotoxemia de la alpaca. Programa Colaborativo de Apoyo a la Investigación en Rumiantes Menores. Lima: Serie Reporte Técnico 63: 1-17.
21. **Ramírez A, Ellis R. 1988.** Nuevos conceptos sobre la enterotoxemia y colibacilosis en alpacas. Rev Camélidos Sudam 6: 9-17.
22. **Roitt I. 2003.** Inmunología Fundamentos. 10° ed. Madrid: Ed Médica Panamericana. 559 p.
23. **Schwandner R, Dziarski E, Wesche H, Rothe M, Kirsching CJ. 1999.** Peptidoglycan- and lipoteichoic acid-induced cell activation is mediated by Toll-like receptor 2. J Biol Chem 274: 17406-17409.
24. **Tizard I. 2009.** Inmunología veterinaria. 8° ed. México: McGraw-Hill Interamericana. 574 p.